

Table S2. List of RT-qPCR oligonucleotides designed to specific different exon-exon (analysis of mRNA and processed transcripts) and intron-exon regions (analysis of pre-RNAs) in Arabidopsis mitochondria.

a. List of oligonucleotides used for the analysis of the mRNA profiles in wild type and mutant plants

gene target	oligo's name	sequence (5'→3')
<i>atp1</i>	<i>atp1F</i>	TCACTTCGACACGTCCTTGC
	<i>atp1R</i>	GGAATGGCCTTGAATCTTGA
<i>atp6</i>	<i>atp6-1F</i>	TCTTTTGCAGTCAATGCAC
	<i>atp6-1R</i>	TCTCGCGTATCTCACATTGC
<i>atp8</i>	<i>atp8F</i>	CCGTCGACTTATTGGGAAAA
	<i>atp8R</i>	TTCCTTGGCCATGTACAACA
<i>atp9</i>	<i>atp9F</i>	CATTCCCTCTGACGTCGAAT
	<i>atp9R</i>	TCGTCGATTCTTACCCTCGT
<i>atp4</i>	<i>atp4F</i>	GGATCAGCTTGCGAATTGT
	<i>atp4R</i>	GCAAATTGCTTCCCCACTAA
<i>ccmb</i>	<i>ccmBF</i>	TCTTGAATCACATCCAGCA
	<i>ccmBR</i>	CGAGACCGAAATTGGAAAAA
<i>ccmc</i>	<i>ccmCF</i>	AGCTACGCGCAAATTCTCAT
	<i>ccmCR</i>	GCCGTGGCGATATAAACAAAT
<i>ccmfc</i>	<i>ccmFcF</i>	CACATGGAGGAGTGTGCATC
	<i>ccmFcR</i>	GTGGGTCCATGTAAATGATCG
<i>ccmfn-1</i>	<i>ccmFN1F</i>	AGCTCTTGGCATTGCTTTGT
	<i>ccmFN1R</i>	AGTGCCACAATCCCATTTCAT
<i>ccmfn-2</i>	<i>ccmFN2F</i>	CGTGTCGTTTCGTAATGGAAA
	<i>ccmFN2R</i>	TGATAAGCCCACTTCC
<i>cob</i>	<i>cobF</i>	TGCCGGAATGGTATTTCTTA
	<i>cobR</i>	GCCAAAAGCAACCAAAACAT
<i>cox1</i>	<i>cox1F</i>	GTAGCTGCGGTGAAGTAGGC
	<i>cox1R</i>	CTGCCTGGATTCTGGTATCAT
<i>cox2</i>	<i>cox2F</i>	TGATGCTGTACCTGGTCGTT
	<i>cox2R</i>	TGGGGGATTAATTGATTGGA
<i>cox3</i>	<i>cox3F</i>	CCGTAACCTGGGCTCATCAT
	<i>cox3R</i>	AAACCATGAAAGCCTGTTGC
<i>mttb</i>	<i>mttBF</i>	GGGGTCTTTCTTTGGAAACC
	<i>mttBR</i>	TCTCCCTCATTCCACTCGTC
<i>nad1 exons 1-2</i>	<i>nad1 1-2F</i>	GACCAATAGATACTTCATAAGAGACCA
	<i>nad1 1-2R</i>	TTGCCATATCTTCGCTAGGTG
<i>nad1 exons 2-3</i>	<i>nad1 2-3F</i>	ATTGAGCTTCCGCTTCTGG
	<i>nad1 2-3R</i>	TCTGCAGCTCAAATGGTCTC
<i>nad1 exons 3-4</i>	<i>nad1 3-4F</i>	AAAAGAGCAGACCCCATTTGA
	<i>nad1 3-4R</i>	TCCGTTTGATCTCCCAGAAG
<i>nad1 exons 4-5</i>	<i>nad1 4-5F</i>	AGCCCGGGATCTTCTTGA
	<i>nad1 4-5R</i>	TCTTCAATGGGGTCTGCTC
<i>nad2 exons 1-2</i>	<i>nad2 exons 1-2F</i>	GCGAGCAGAAGCAAGGTTAT
	<i>nad2 exons 1-2R</i>	GGATCCTCCACACATGTTT
<i>nad2 exons 2-3</i>	<i>nad2 exons 2-3F</i>	AAAGGAACTGCAGTGATCTTGA
	<i>nad2 exons 2-3R</i>	AATATTTGATCTTAGGTGCATTTTC
<i>nad2 exons 3-4</i>	<i>nad2exons 3-4F</i>	GCGCAATAGAAAGGAATGCT
	<i>nad2exons 3-4R</i>	CTATGGGTCTACTGGAGCTACCC
<i>nad2 exons 4-5</i>	<i>nad2exons 4-5F</i>	CAAAGGAGAGGGGTATAGCAA
	<i>nad2exons 4-5R</i>	TATTTGTTCTTCGCCGCTTT
<i>nad3</i>	<i>nad3F</i>	CGAATGTGGTTTCGATCCTT
	<i>nad3R</i>	GCACCCCTTTTCCATTTCATA
<i>nad4 exons 1-2</i>	<i>nad4 exons 1-2F</i>	ATTCTATGTTTTTCCCGAAAGC
	<i>nad4 exons 1-2R</i>	GAAAACTGATATGTTGCCTTG
<i>nad4 exons 2-3</i>	<i>nad4 exons 2-3F</i>	AATACCCATGTTTCCCGAAG
	<i>nad4 exons 2-3R</i>	TGCTACCTCCAATTCCCTGT

<i>nad4exons 3-4</i>	<i>nad4exons 3-4F</i>	TTCTCCATAAATTCTCCGATT
	<i>nad4exons 3-4R</i>	TGAAATTTGCCATGTTGCAC
<i>nad4L</i>	<i>nad4L-F</i>	GGGGAATCCTCCTTAATAGACG
	<i>nad4L-R</i>	AACGAAAAATGGCTAACCCAATA
<i>nad5 exons 1-2</i>	<i>nad5 exons 1-2F</i>	TGGACCAAGCTACTTATGGATG
	<i>nad5 exons 1-2R</i>	CCATGGATCTCATCGGAAAT
<i>nad5 exons 2-3</i>	<i>nad5 exons 2-3F</i>	TACCTAAACCAATCATCATATC
	<i>nad5 exons 2-3R</i>	CTGGCTCTCGGGAGTCTCTT
<i>nad5 exons 3-4</i>	<i>nad5exons 3-4F</i>	AACTCGGATTTCGGCAAGAA
	<i>nad5exons 3-4R</i>	GATATGATGATTGGTTTAGGTA
<i>nad5 exons 4-5</i>	<i>nad5exons 4-5F</i>	AACATTGCAAAGGCATAATGA
	<i>nad5exons 4-5R</i>	GTTCTGCGTTTCGGATATG
<i>nad6</i>	<i>nad6F</i>	TATGCCGGAAGGTACGAAG
	<i>nad6R</i>	GTGAGTGGGTCAAGTCGTCCT
<i>nad7 exons 1-2</i>	<i>nad7 exons 1-2F</i>	ACCTCAACATCCTGCTGCTC
	<i>nad7 exons 1-2R</i>	AAGGTAAAGCTTGAAGATAAGTTTTGT
<i>nad7 exons 2-3</i>	<i>nad7 exons 2-3F</i>	GAGGGACTGAGAAATTAATAGAGTACA
	<i>nad7 exons 2-3R</i>	TGGTACCTCGCAATTCAAAA
<i>nad7 exons 3-4</i>	<i>nad7exons 3-4F</i>	ACTGTCACTGCACAGCAAGC
	<i>nad7exons 3-4R</i>	CATTGCACAATGATCCGAAG
<i>nad7 exons 4-5</i>	<i>nad7exons 4-5F</i>	GATCAAAGCCGATGATCGTAA
	<i>nad7exons 4-5R</i>	AGGTGCTTCAACTGCGGTAT
<i>nad9</i>	<i>nad9F</i>	GGATGACCCTCGAAACCATA
	<i>nad9R</i>	CACGCATTTCGTGTACAAACC
<i>rpl2</i>	<i>rpl2F</i>	CCGAAGACGGATCAAGGTAA
	<i>rpl2R</i>	CGCAATTCATCACCATTTTG
<i>rpl5</i>	<i>rpl5F</i>	AAGGGGTTTCGACAGGAAAGT
	<i>rpl5R</i>	CGTATTTTCGACCGGAAAAATC
<i>rpl16</i>	<i>rpl16F</i>	GAGCATTTGCCAAACTCACA
	<i>rpl16R</i>	CGGACACTTTCATCGTGCTA
<i>rps3</i>	<i>rps3F</i>	CCGATTTTCGGTAAGACTTGG
	<i>rps3R</i>	AGCCGAAGGTGAGTCTCGTA
<i>rps4</i>	<i>rps4F</i>	ACCCATCACAGAGATGCACA
	<i>rps4R</i>	TCACACAAACCTTTCGATGA
<i>rps7</i>	<i>rps7F</i>	CTCGAACTGAACGCGATGTA
	<i>rps7R</i>	AAGCTGCTTCAAGGATCCAA
<i>rps12</i>	<i>rps12F</i>	AGCCAAAGTACGGTTGAGCA
	<i>rps12R</i>	TTTGGGTTTTTCTGCACCAT
<i>matR</i>	<i>matR-F</i>	AATTTTTGCGAGAGCTGGAA
	<i>matR-R</i>	TTGAACCCCGTCTGTAGAC
<i>rrn18</i>	<i>rrn18F</i>	CGTCACCTGGGTCAAAAACT
	<i>rrn18R</i>	GCTTGAAAACCGAAGTGAGC
<i>rrn26</i>	<i>rrn26F</i>	GACGAGACTTTCGCCTTTTG
	<i>rrn26R</i>	CTTGAGCGAATTGGATGAT
<i>rrn5</i>	<i>rrn5F</i>	CCGACCTCGATATGTGGAATCGTC
	<i>rrn5R</i>	TGGACCATGTCTCCCGAACAATC
<i>18S rRNA (At3g41768)</i>	<i>18S nucl-F</i>	AAACGGCTACCACATCCAAG
	<i>18S nucl-R</i>	ACTCGAAAGAGCCCGTATT
<i>ACTIN2 (At3g18780)</i>	<i>actin2-F</i>	GGTAACATTGTGCTCAGTGGTGG
	<i>actin2-R</i>	AACGACCTTAATCTTCATGCTGC
<i>GAPDH (At3g04120)</i>	<i>GAPDH-F</i>	TCTCGATCTCAATTTTCGAAAA
	<i>GAPDH-R</i>	CGAAACCGTTGATTCCGATTC

b. List of oligonucleotides designed for the analysis of the 23 organellar group II introns in Arabidopsis.

Gene	Forward oligo (5'→3')	Reverse oligo (5'→3')
<i>rpl2</i> intron 1 exon 2	TTAGGAAGAGCCGTACGAGG	CGCAATTCATCACCATTTTG
<i>rps3</i> intron 1 exon 2	AGCCGAAGGTGAGTCTCGTA	TCTACGGCGGGGTCACTAT

<i>cox2</i> intron 1 exon 2	TGGGGGATTAATTGATTGGA	AGCAGTACGAGCTGAAAGGC
<i>ccmFe</i> intron 1 exon 1	CCCGGATCGAATCAGAGTT	CACATGGAGGAGTGTGCATC
<i>nad1</i> intron 1 exon 2	GACCAATAGATACTTCATAAGAGACCA	CGTGCTCGTACGGTTCATAG
<i>nad1</i> intron 2 exon 2	GGTTGGGTTAGGGGAACATC	TCTGCAGCTCAAATGGTCTC
<i>nad1</i> intron 3 exon 4	AAAAGAGCAGACCCCATTTGA	GGGAGCTGTATGAGCGGTAA
<i>nad1</i> intron 4 exon 5	AGCCCGGGATCTTCTTGA	ACGGAGCTGCATCCCTACT
<i>nad2</i> intron 1 exon 2	GCGAGCAGAAGCAAGGTTAT	CCCATTCCCTAACCAAGTGGAG
<i>nad2</i> intron 2 exon 2	CCCGATCCGATAGTTTACAA	AATATTTGATCTTAGGTGCATTTTC
<i>nad2</i> intron 3 exon 4	GCGCAATAGAAAGGAATGCT	GGCGAATTTCAAACCTTGTGG
<i>nad2</i> intron 4 exon 4	CTTATTCGTGGCAACCTTCC	TATTTGTTCTTCGCCGCTTT
<i>nad4</i> intron 1 exon 2	CCGTATGATGCGGAAGTCTC	GAAAAAACTGATATGCTGCCTTG
<i>nad4</i> intron 2 exon 3	GCGGAACGACCAGAAAAATA	TGCTACCTCCAATTCCTGT
<i>nad4</i> intron 3 exon 4	TCTAGCTTGGTTCGGAGAGC	TGAAATTTGCCATGTTGCAC
<i>nad5</i> intron 1 exon 2	TGGACCAAGCTACTTATGGATG	TTCGCAAATAGGTCCGACT
<i>nad5</i> intron 2-exon 2	GTACGATCGTGTCTGGGTGA	CTGGCTCTCGGGAGTCTCTT
<i>nad5</i> intron 3-exon 4	AACTCGGATTCTGGCAAGAA	GCCGTGTAATAGGCGACCA
<i>nad5</i> intron 4 exon 5	AACATTGCAAAGGCATAATGA	CCTGTAAACCCCATGATGT
<i>nad7</i> intron 1 exon 2	ACGGTTTTTAGGGGGATCTG	AAGGTAAAGCTTGAAGATAAGTTTTGT
<i>nad7</i> intron 2 exon 3	AGTGGGAGAGCCGTGTTATG	TGGTACCTCGCAATTCAAAA
<i>nad7</i> intron 3 exon 4	TAAAGTGAAAGTGGTGGGCCT	CATTGCACAATGATCCGAAG
<i>nad7</i> intron 4 exon 5	CGGCCAAATGACTACAGGAT	AGGTGCTTCAACTGCGGTAT