

Supplementary Table 3. Micro-collinearity in the *Vrs1* and *HvHox2* regions of various Poaceae species. Rice cDNAs were used as queries for BLAST search.

Maize Chr. 2L					Maize Chr. 7					Sorghum Chr. 2					Rice Chr. 7					Brachypodium Bd. 1				
clone	gene name	genomic location	score	E-value	clone	gene name	genomic location	score	E-value	gene name	genomic location	score		gene name	genomic location	score	E-value	gene name	genomic location	score	E-value			
—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	Sb02g037130	71521699-71525006	885	Os07g0573400	Bradi1g23920.1	19220754-19221133	381	1.00e-104	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	Sb02g037160	71542997-71547512	397	Os07g0573800	Bradi1g23900.1	19205973-19206072	127	1.00e-27	—	—	—	—			
AC208681.2	FG004	259342791-259343304	355	0	AC208626.2	FG022	174807358-174807871	370	0	Sb02g037260	71604284-71607259	893	Os07g0574800	Bradi1g23770.1	19136383-19136896	765	0	—	—	—	—			
AC207886.3	—	259433504-259433657	102	1.50e-231	AC208626.2	FG026	174840930-174841531	280	0	Sb02g037270	71620996-71629710	1665	Os07g0575100	Bradi1g23750.1	19116961-19118216	1285	0	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	AC208626.2	FG013	174762510-174762678	101	3.50e-208	Sb02g037330	71654398-71657813	495	Os07g0575800	Bradi1g23670.1	19074488-19074700	224	8.00e-57	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	AC203986.3	FG035	174880926-174881094	101	9.00e-208	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
AC202406.4	FG031	259552646-259552873	161	4.20e-266	[AC19595.3 (chr. 5)	—	269307406-269307616	94	4.00e-51	Sb02g037370	71672042-71676062	597	Os07g0576000	[Bradi2g18210.1	16151500-16151727	301	4.00e-80	—	—	—	—			
AC202406.4	FG037	259511064-259512013	396	3.80e-294	AC203986.3	FG019	175036992-175037572	239	6.00e-261	Sb02g037380	71683823-71685075	541	Os07g0577300	Bradi1g23640.1	19041994-19043253	1094	0	—	—	—	—			
AC202406.4	FG034	259508663-259508816	83	1.80e-53	AC203986.3	FG012	175029276-175029429	87	7.60e-50	Sb02g037390	71690796-71693790	184	Os07g0577400	Bradi1g23630.1	19001172-19001293	163	1.00e-38	—	—	—	—			
AC194628.3	FG016	259748031-259748204	111	1.20e-242	AC203986.3	FG021	174986155-174986328	116	1.50e-272	Sb02g037420	71706403-71711627	580	Os07g0577700	Bradi1g23600.1	18989811-18990019	256	2.00e-66	—	—	—	—			
AC194628.3	FG019	259761220-259761382	91	1.10e-68	AC203986.3	FG003	174960934-174961095	80	2.00e-66	Sb02g037460	71728383-71730560	184	Os07g0577900	Bradi1g23590.1	18982846-18982956	172	8.00e-42	—	—	—	—			
AC194970.4	FG018	260088869-260089002	82	1.40e-124	—	—	—	—	—	Sb02g037480	71764412-71768424	317	Os07g0578600	Bradi1g23560.1	18955194-18955347	218	4.00e-55	—	—	—	—			
AC194970.4	FG022	260066672-260067028	211	3.60e-291	AC196175.3	FG005	175266845-175266845	171	2.90e-295	Sb02g037520	71789936-71792900	662	Os07g0581000	Bradi1g23500.1	18889474-18889751	345	3.00e-93	—	—	—	—			
AC194970.4	FG015	260049749-260049870	82	1.40e-142	AC196175.3	FG028	175366386-175366507	90	5.60e-118	Sb02g037530	71805756-71808262	179	LOC_Os07g39290	Bradi1g23490.1	18876474-18876936	309	1.00e-82	—	—	—	—			
AC194970.4	FG024	260035519-260035689	131	0	—	—	—	—	—	Sb02g037540	71811291-71821394	1040	Os07g0581300	Bradi1g23480.1	18871780-18871980	280	3.00e-73	—	—	—	—			
AC202186.4	FG018	260222519-260222689	131	0	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
AC202186.4	FG021	260239496-260239902	275	6.10e-239	AC196175.3	FG029	175373428-175373834	284	5.10e-236	Sb02g037550	71828543-71831068	654	Os07g0581400	Bradi1g23470.1	18857914-18858320	561	1.00e-158	—	—	—	—			
AC216056.3	FG006	260449544-260449803	209	5.10e-125	AC187394.3	FG016	175520831-175521050	134	5.70e-76	Sb02g037580	71847033-71847730	330	Os07g0581700	Bradi1g23460.1	18840531-18840785	426	1.00e-118	—	—	—	—			
AC190603.2	FG025	260810674-260811277	283	3.50e-233	AC214356.3	FG029	176254121-176254693	252	4.30e-198	Sb02g037650	71943994-71945277	573	Os07g0583600	Bradi1g23350.1	18722596-18723670	696	0	—	—	—	—			
AC190603.2	FG026	260814398-260814746	148	3.50e-289	[AC187872.3	FG003*	54211618-54211962	167	5.20e-286	Sb02g037660	71946092-71952038	723	Os07g0583700	Bradi1g23340.1	18720650-18721187	402	1.00e-110	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	AC214356.3	FG028	176250611-176250955	167	7.30e-288	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
AC206322.3	—	152602-152718	70	3.70e-137	AC210685.1	FG033	176600436-176600553	67	6.50e-177	Sb02g037730	72023961-72028871	508	Os07g0585100	Bradi1g23250.1	18628652-18628774	188	4.00e-46	—	—	—	—			
AC206322.3	—	172274-172354	58	1.80e-23	AC210685.1	FG042	176609378-176609538	85	2.20e-56	Sb02g037750	72038507-72039741	154	Os07g0585500	Bradi1g23190.1	18595130-18595306	206	4.00e-52	—	—	—	—			
[AC187826.3 (chr. 8)	—	146642872-1466443026	95	1.50e-137	AC210685.1	FG006	176649358-176649519	96	6.10e-90	Sb02g037760	72043370-72046973	788	Os07g0585600	[Bradi4g42970.1	46815401-46815602	242	6.00e-62	—	—	—	—			
[AC202144.5 (chr. 9)	—	138555766-138555920	95	2.70e-164	AC212002.3	FG006	176750743-176750904	96	2.90e-90	—	—	—	—	—	Bd1	18589353-18589503	125	9.00e-27	—	—				
—	—	—	—	—	AC212002.3	FG003	176819841-176820011	64	3.10e-75	Sb02g037800	72066755-72067215	180	Os07g0586000	Bradi1g23140.1	18559330-18559627	297	3.00e-79	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	AC212002.3	FG020	176884542-176884720	117	3.30e-282	Sb02g037850	72098330-72104363	727	Os07g0586500	Bradi1g23100.1	18537830-18538268	339	3.00e-91	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	AC197343.3	FG020	176941502-176941680	117	8.60e-283	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	AC212002.3	FG025	176892919-176892983	50	4.90e-53	Sb02g037860	72108313-72110644	224	Os07g0586700	Bradi1g23090.1	18533958-18534071	123	4.00e-26	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	AC197343.3	FG011	176949879-176949943	50	1.80e-53	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
Maize Chr. 2S					Maize Chr. 10					Sorghum Chr. 6					Rice Chr. 4					Brachypodium Bd. 5				
clone	gene name	genomic location	score	E-value	clone	gene name	genomic location	score	E-value	gene name	genomic location	score		gene name				gene name	genomic location	score	E-value			
AC231405.1	—	30757199-30757907	407	0	AC189758.3	FG019	151931530-151932238	385	0	Sb06g023840	52875452-52877527	1622	Os04g0538100	Bradi5g16980.1	20220198-20221355	771	0	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	AC202166.2	FG014	152117255-152117963	385	0	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
AC189043.3	FG021	30556293-30556544	117	1.80e-147	AC189758.3	FG015	151893124-151893317	94	2.50e-100	Sb06g023870	52904918-52906820	309	Os04g0538700	Bradi5g17000.1	20233314-20233846	283	1.00e-74	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	AC214638.2	FG006	152291496-152291689	94	2.20e-100	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
—	—	—	—	—	AC214638.2	FG009	152305119-152305298	105	0	Sb06g023880	52915757-52920290	1167	Os04g0538800	Bradi5g17020.3	20242722-20243051	361	1.00e-97	—	—	—	—			
AC189043.3	FG027	30584951-30585125	99	0	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
AC189043.3	FG029	30593141-30593436	113	0	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
AC189043.3	FG005	30481157-30481258	66	2.70e-38	AC214638.3	—	152317640-152317780	105	2.00e-111	Sb06g023890	52932944-52933585	104	Os04g0538900	Bd5	20251677-20251770	115	2.00e-24	—	—	—	—			
AC194139.3	—	30423043-30423144	66	3.70e-38	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
AC189043.3	FG006	30482075-30482330	147	9.60e-115	—	—	—	—	—	Sb06g023900	52934692-52935338	237	Os04g0539000	Bradi5g17030.1	20255475-20255723	303	6.00e-81	—	—	—	—			
AC194139.3	FG016	30421971-30422226	147	1.10e-114	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—	—			
AC194139.3	FG030	30331012-3																						