

Supplementary Table 6. Results of Gene Ontology enrichment analysis for 174 genes mapped to pleiotropic risk loci for dyslexia and ADHD.

source	term_name	term_id	highlighted	adjusted_p_value	negative_log10_of_adjusted_p_value	term_size	query_size	intersection_size	effective_domain_size	intersections
GO:MF	protein binding	GO:0005515	TRUE	2.77E-04	3.556851028	14881	158	142	20195	ENSG00000066056,ENSG00000117400,ENSG00000117399,ENSG00000006632,ENSG00000159479,ENSG00000198198,ENSG00000178922,ENSG00000135951,ENSG00000100185674,ENSG00000144214,ENSG00000115514,ENSG00000158417,ENSG00000135945,ENSG00000128655,ENSG00000155636,ENSG000001079156,ENSG000001000605413,ENSG00000115524,ENSG00000144381,ENSG00000115541,ENSG00000115540,ENSG00000162944,ENSG00000152430,ENSG00000115896,ENSG00000168016,ENSG00000178567,ENSG00000076242,ENSG000000993167,ENSG00000144674,ENSG00000213672,ENSG00000006874,ENSG00000114302,ENSG00000178537,ENSG00000117749,ENSG00000178252,ENSG00000178149,ENSG00000178057,ENSG00000178035,ENSG00000198218,ENSG00000172053,ENSG00000172046,ENSG00000172037,ENSG00000185909,ENSG00000173421,ENSG00000188315,ENSG00000114316,ENSG00000233276,ENSG0000007560,ENSG00000145022,ENSG00000145020,ENSG00000145029,ENSG00000173402,ENSG00000164061,ENSG00000183763,ENSG00000164076,ENSG00000164078,ENSG000000004534,ENSG000001000003756,ENSG00000101617,ENSG00000114349,ENSG00000114353,ENSG00000179564,ENSG00000114706,ENSG00000186792,ENSG000001023477,ENSG00000114395,ENSG000001126062,ENSG00000185565,ENSG000000065534,ENSG00000175455,ENSG00000065371,ENSG00000073711,ENSG00000174579,ENSG00000114054,ENSG000001118007,ENSG00000168917,ENSG0000018092,ENSG00000174564,ENSG00000158186,ENSG00000158220,ENSG00000114107,ENSG00000158234,ENSG00000075711,ENSG00000184305,ENSG000000005108,ENSG00000158321,ENSG00000187416,ENSG00000005483,ENSG00000135250,ENSG00000133874,ENSG00000133878,ENSG00000156687,ENSG00000188938,ENSG00000197724,ENSG00000156395,ENSG000000086827,ENSG000000048028,ENSG00000181418,ENSG00000181929,ENSG0000010167548,ENSG00000167550,ENSG00000139549,ENSG00000150967,ENSG00000111325,ENSG00000182196,ENSG00000090975,ENSG000000051825,ENSG00000130921,ENSG00000111328,ENSG00000139697,ENSG00000183955,ENSG00000150977,ENSG00000131966,ENSG00000100567,ENSG00000196860,ENSG00000100575,ENSG00000100578,ENSG00000166923,ENSG00000248905,ENSG00000137871,ENSG00000140262,ENSG00000136379,ENSG0000013888,ENSG00000103264,ENSG00000140941,ENSG00000140948,ENSG00000198795,ENSG00000152214,ENSG00000152217,ENSG00000132874,ENSG000000088930,ENSG00000125816,ENSG00000125820,ENSG00000101336,ENSG00000101337,ENSG00000126003,ENSG00000101350,ENSG00000171456,ENSG00000197183,ENSG0000020256,ENSG00000197381
GO:MF	hyaluronoglucosaminidase activity	GO:0004415	TRUE	2.10E-02	1.678686586	8	158	3	20195	ENSG00000186792,ENSG00000114378,ENSG00000130388
GO:MF	peptide-O-fucosyltransferase activity	GO:0046922	TRUE	4.99E-02	1.302269301	2	158	2	20195	ENSG00000101346,ENSG00000186866
GO:BP	glycosaminoglycan catabolic process	GO:0006027	TRUE	1.95E-03	2.709160894	27	146	5	21110	ENSG00000185674,ENSG00000144214,ENSG00000186792,ENSG00000114378,ENSG00000130388
GO:BP	macromolecule modification	GO:0043412	TRUE	4.69E-03	2.329034241	3840	146	50	21110	ENSG00000066056,ENSG00000117399,ENSG00000159479,ENSG00000115524,ENSG00000114302,ENSG00000177479,ENSG00000178467,ENSG00000178252,ENSG00000178149,ENSG00000172053,ENSG00000172046,ENSG00000114316,ENSG00000233276,ENSG0000007560,ENSG00000173402,ENSG00000183763,ENSG00000100164076,ENSG00000164078,ENSG00000114353,ENSG000002043477,ENSG000000065534,ENSG00000073711,ENSG00000174579,ENSG00000185092,ENSG0000018092,ENSG00000075711,ENSG0000000005483,ENSG00000135250,ENSG00000172728,ENSG00000133874,ENSG00000133878,ENSG00000197724,ENSG000001048028,ENSG00000181929,ENSG00000167548,ENSG00000111328,ENSG00000183955,ENSG00000032219,ENSG00000166923,ENSG00000136379,ENSG00000130388,ENSG00000103264,ENSG00000152214,ENSG00000110336,ENSG00000152217,ENSG00000101336,ENSG00000101346,ENSG00000171456,ENSG00000197381,ENSG00000186866
GO:BP	protein modification process	GO:0036211	FALSE	4.82E-03	2.316898818	3617	146	48	21110	ENSG00000066056,ENSG00000117399,ENSG00000159479,ENSG00000115524,ENSG00000114302,ENSG00000177479,ENSG00000178467,ENSG00000172053,ENSG00000172046,ENSG00000114316,ENSG00000233276,ENSG0000007560,ENSG00000173402,ENSG00000183763,ENSG00000100164076,ENSG00000164078,ENSG00000114353,ENSG000002043477,ENSG000000065534,ENSG00000073711,ENSG00000174579,ENSG00000185092,ENSG00000075711,ENSG0000018092,ENSG00000005483,ENSG00000135250,ENSG00000172728,ENSG00000133874,ENSG00000133878,ENSG00000197724,ENSG000001048028,ENSG00000181929,ENSG00000167548,ENSG00000111328,ENSG00000183955,ENSG00000032219,ENSG0000

TF	Factor: E2F-2; motif: NWTTTGGCGCAWV NN; match class: 1	TF:M11530_1	FALSE	6.11E-04	3.213933363	13761	165	142	20011	ENSG000000253313,ENSG000000066056,ENSG000000117399,ENSG000000066322,ENSG000000159479,ENSG000000198198,ENSG000000178922,ENSG000000196872,ENSG0000135951,ENSG000000241962,ENSG000000144214,ENSG000000115514,ENSG000000135945,ENSG000000128655,ENSG000000155636,ENSG000000079156,ENSG000000138386,ENSG0000000065413,ENSG000000115524,ENSG000000115520,ENSG000000144381,ENSG000000115541,ENSG0000000270757,ENSG000000115540,ENSG0000000247626,ENSG000000152430,ENSG000000115896,ENSG0000000168016,ENSG0000000178567,ENSG000000076242,ENSG000000093167,ENSG000000144674,ENSG0000000213672,ENSG000000114302,ENSG0000001178537,ENSG000000117479,ENSG000000178467,ENSG000000178152,ENSG000000178149,ENSG000000178035,ENSG000000198218,ENSG000000172046,ENSG000000172037,ENSG000000177352,ENSG000000185909,ENSG000000173421,ENSG000000114316,ENSG000000233276,ENSG000000067560,ENSG000000145022,ENSG000000145029,ENSG000000173402,ENSG000000164061,ENSG000000183763,ENSG000000164076,ENSG000000164078,ENSG000000164077,ENSG000000004534,ENSG000000003756,ENSG000000114349,ENSG000000114353,ENSG000000179564,ENSG0000000214706,ENSG000000186792,ENSG0000000243477,ENSG000000114378,ENSG000000114395,ENSG000000272104,ENSG000000126062,ENSG00000007402,ENSG000000065534,ENSG000000175455,ENSG000000065371,ENSG000000073711,ENSG000000174579,ENSG000000118007,ENSG000000168917,ENSG000000158092,ENSG000000158186,ENSG000000158220,ENSG000000114107,ENSG000000158234,ENSG000000075711,ENSG000000184305,ENSG000000005108,ENSG000000158321,ENSG000000187416,ENSG000000005483,ENSG000000135250,ENSG000000172728,ENSG000000133874,ENSG000000133878,ENSG000000156687,ENSG000000088628,ENSG000000197724,ENSG000000156395,ENSG000000088627,ENSG000000048028,ENSG000000181418,ENSG000000181929,ENSG000000167548,ENSG000000167550,ENSG000000139549,ENSG000000150967,ENSG00000011325,ENSG000000182196,ENSG000000090975,ENSG000000051825,ENSG000000130921,ENSG00000011328,ENSG000000139697,ENSG0000000183955,ENSG000000150977,ENSG000000131966,ENSG000000100567,ENSG000000032219,ENSG000000196860,ENSG000000100575,ENSG000000100578,ENSG000000166923,ENSG000000140262,ENSG000000136379,ENSG000000103888,ENSG000000103264,ENSG000000140941,ENSG000000140948,ENSG000000125816,ENSG000000125820,ENSG000000101337,ENSG000000126003,ENSG000000101346,ENSG000000101350,ENSG000000113377,ENSG000000126003,ENSG000000101346,ENSG000000186866
TF	Factor: E2F-2; motif: SYGCGCMTCGCCRNN NN	TF:M11530	FALSE	2.65E-03	2.577193037	14927	165	148	20011	ENSG000000253313,ENSG000000066056,ENSG000000117399,ENSG000000066322,ENSG000000159479,ENSG000000198198,ENSG000000178922,ENSG000000196872,ENSG0000135951,ENSG000000241962,ENSG000000144214,ENSG000000115514,ENSG000000158417,ENSG000000135945,ENSG000000128655,ENSG000000155636,ENSG000000079156,ENSG000000138386,ENSG0000000065413,ENSG000000115524,ENSG000000115520,ENSG000000144381,ENSG000000115541,ENSG0000000270757,ENSG000000115540,ENSG0000000247626,ENSG000000152430,ENSG000000115896,ENSG0000000168016,ENSG000000178567,ENSG000000076242,ENSG000000093167,ENSG000000144674,ENSG000000213672,ENSG000000114302,ENSG000000178537,ENSG000000177479,ENSG000000178467,ENSG000000178252,ENSG000000178149,ENSG000000073711,ENSG000000178035,ENSG000000198218,ENSG000000172053,ENSG000000172046,ENSG000000172037,ENSG000000177352,ENSG000000185909,ENSG000000173421,ENSG000000114316,ENSG0000000233276,ENSG000000067560,ENSG000000145022,ENSG000000145029,ENSG000000173402,ENSG000000164061,ENSG000000183763,ENSG000000164076,ENSG000000164078,ENSG000000164077,ENSG000000004534,ENSG000000003756,ENSG000000001617,ENSG000000114349,ENSG000000114353,ENSG000000179564,ENSG0000000214706,ENSG000000186792,ENSG0000000243477,ENSG000000114378,ENSG000000114395,ENSG000000272104,ENSG000000126062,ENSG00000007402,ENSG000000175161,ENSG000000185565,ENSG000000065534,ENSG000000175455,ENSG000000073711,ENSG000000174579,ENSG000000118007,ENSG000000168917,ENSG000000158092,ENSG000000158186,ENSG000000158220,ENSG000000114107,ENSG000000158234,ENSG000000075711,ENSG000000184305,ENSG000000005108,ENSG000000158321,ENSG000000187416,ENSG000000005483,ENSG000000135250,ENSG000000172728,ENSG000000133874,ENSG000000133878,ENSG000000156687,ENSG000000048828,ENSG000000197724,ENSG000000156395,ENSG000000088627,ENSG000000048028,ENSG000000181418,ENSG000000181929,ENSG000000167548,ENSG000000167550,ENSG000000139549,ENSG000000150967,ENSG00000011325,ENSG000000182196,ENSG000000090975,ENSG000000051825,ENSG000000130921,ENSG00000011328,ENSG000000139697,ENSG0000000183955,ENSG000000150977,ENSG000000131966,ENSG000000100567,ENSG000000032219,ENSG000000196860,ENSG000000100575,ENSG000000100578,ENSG000000166923,ENSG000000140262,ENSG000000136379,ENSG000000103888,ENSG000000103264,ENSG000000140941,ENSG000000140948,ENSG000000125816,ENSG000000125820,ENSG000000101337,ENSG000000126003,ENSG000000101346,ENSG000000101350,ENSG000000171456,ENSG000000197183,ENSG00000020256,ENSG000000197381,ENSG000000186866
TF	Factor: NRF-1; motif: SYGCGCMTCGCCRNN GSN	TF:M09641	FALSE	3.94E-03	2.404473831	3303	165	52	20011	ENSG000000066322,ENSG000000196872,ENSG000000135951,ENSG000000241962,ENSG000000158417,ENSG000000135945,ENSG000000079156,ENSG000000115524,ENSG000000138386,ENSG0000000065413,ENSG000000115524,ENSG000000144381,ENSG0000000270757,ENSG0000000247626,ENSG000000178567,ENSG000000076242,ENSG00000014674,ENSG0000000213672,ENSG000000114302,ENSG000000188315,ENSG000000067560,ENSG000000145022,ENSG000000173402,ENSG000000164061,ENSG000000164077,ENSG000000186792,ENSG0000000243477,ENSG000000114395,ENSG000000272104,ENSG000000126062,ENSG000000114054,ENSG000000118007,ENSG000000168917,ENSG000000158186,ENSG000000158321,ENSG000000187416,ENSG000000005483,ENSG000000135250,ENSG000000133874,ENSG000000164989,ENSG000000156395,ENSG000000048028,ENSG000000167550,ENSG000000182196,ENSG000000051825,ENSG000000139697,ENSG000000150977,ENSG000000032219,ENSG000000166923,ENSG000000100575,ENSG000000100578,ENSG000000166923,ENSG000000140941,ENSG000000140948,ENSG000000198795,ENSG000000103264,ENSG000000186866
TF	Factor: LHX9; motif: NTCGTTAN	TF:M10974	FALSE	4.94E-03	2.306689582	259	165	12	20011	ENSG000000115514,ENSG000000155636,ENSG000000115540,ENSG000000093167,ENSG000000067560,ENSG000000145022,ENSG000000150967,ENSG00000011325,ENSG000000150977,ENSG000000103264,ENSG000000140941,ENSG000000101337
TF	Factor: lhx6; motif: CTCGTTAR	TF:M10980	FALSE	4.94E-03	2.306689582	259	165	12	20011	ENSG000000115514,ENSG000000155636,ENSG000000115540,ENSG000000093167,ENSG000000067560,ENSG000000145022,ENSG000000150967,ENSG00000011325,ENSG000000150977,ENSG000000103264,ENSG000000140941,ENSG000000101337
TF	Factor: E2F-1; motif: WWTTGCGCGCAAA; match class: 1	TF:M04515_1	FALSE	1.19E-02	1.923220363	12480	165	130	20011	ENSG000000253313,ENSG000000117399,ENSG000000066322,ENSG000000178922,ENSG000000196872,ENSG000000135951,ENSG0000000241962,ENSG000000135945,ENSG0000000270757,ENSG000000115540,ENSG0000000247626,ENSG000000152430,ENSG000000115896,ENSG000000178567,ENSG000000076242,ENSG000000093167,ENSG000000144674,ENSG000000213672,ENSG000000178537,ENSG000000177479,ENSG000000178467,ENSG000000178252,ENSG000000178149,ENSG000000178035,ENSG000000198218,ENSG000000172046,ENSG000000172037,ENSG000000177352,ENSG000000185909,ENSG000000173421,ENSG000000114316,ENSG000000233276,ENSG000000067560,ENSG000000145022,ENSG000000173402,ENSG000000164061,ENSG000000164078,ENSG000000164077,ENSG000000004534,ENSG000000003756,ENSG000000114353,ENSG000000179564,ENSG000000214706,ENSG000000186792,ENSG0000000243477,ENSG000000114378,ENSG000000114395,ENSG0000000272104,ENSG000000126062,ENSG00000007402,ENSG000000065534,ENSG000000065371,ENSG000000073711,ENSG000000174579,ENSG000000118007,ENSG000000168917,ENSG000000158092,ENSG000000158186,ENSG000000158220,ENSG000000075711,ENSG000000184305,ENSG000000005108,ENSG000000158321,ENSG000000187416,ENSG000000005483,ENSG000000135250,ENSG000000172728,ENSG000000133874,ENSG000000133878,ENSG000000156687,ENSG000000048828,ENSG000000197724,ENSG000000156395,ENSG000000088627,ENSG000000048028,ENSG000000181418,ENSG000000181929,ENSG000000167548,ENSG000000167550,ENSG000000139549,ENSG000000150967,ENSG00000011325,ENSG000000182196,ENSG000000090975,ENSG000000051825,ENSG000000130921,ENSG00000011328,ENSG000000139697,ENSG0000000183955,ENSG000000150977,ENSG000000131966,ENSG000000100567,ENSG000000032219,ENSG000000196860,ENSG000000100575,ENSG000000100578,ENSG000000166923,ENSG000000140262,ENSG000000136379,ENSG000000103888,ENSG000000103264,ENSG000000140941,ENSG000000140948,ENSG000000198795,ENSG000000132874,ENSG000000088930,ENSG000000125816,ENSG000000125820,ENSG000000101336,ENSG000000101337,ENSG000000126003,ENSG000000101346,ENSG000000101350,ENSG000000171456,ENSG000000197183,ENSG00000020256,ENSG000000197381,ENSG000000186866
TF	Factor: E2F-2; motif: GCGCGCGCGWV; match class: 1	TF:M11531_1	FALSE	1.37E-02	1.862066615	12643	165	131	20011	ENSG000000253313,ENSG000000117399,ENSG000000066322,ENSG000000159479,ENSG000000198198,ENSG000000178922,ENSG000000196872,ENSG000000135951,ENSG000000241962,ENSG000000144381,ENSG000000115541,ENSG0000000270757,ENSG0000000247626,ENSG000000178567,ENSG000000076242,ENSG00000014674,ENSG0000000213672,ENSG000000114302,ENSG000000178537,ENSG000000177479,ENSG000000178467,ENSG000000178252,ENSG000000178149,ENSG000000178035,ENSG000000198218,ENSG000000172053,ENSG000000172046,ENSG000000172037,ENSG000000177352,ENSG000000185909,ENSG000000173421,ENSG000000114316,ENSG000000233276,ENSG000000067560,ENSG000000145022,ENSG000000173402,ENSG000000164061,ENSG000000183763,ENSG000000164076,ENSG000000164078,ENSG000000164077,ENSG000000004534,ENSG000000003756,ENSG000000001617,ENSG000000114349,ENSG000000114353,ENSG000000179564,ENSG0000000214706,ENSG000000186792,ENSG0000000243477,ENSG000000114378,ENSG000000114395,ENSG0000000272104,ENSG000000126062,ENSG00000007402,ENSG000000065534,ENSG000000065371,ENSG000000073711,ENSG000000174579,ENSG000000118007,ENSG000000168917,ENSG000000158092,ENSG000000158186,ENSG000000158220,ENSG000000075711,ENSG000000184305,ENSG000000005108,ENSG000000158321,ENSG000000187416,ENSG000000005483,ENSG000000135250,ENSG000000172728,ENSG000000133874,ENSG000000133878,ENSG000000156687,ENSG000000048828,ENSG000000197724,ENSG000000156395,ENSG000000088627,ENSG000000048028,ENSG000000181418,ENSG000000181929,ENSG000000167548,ENSG000000167550,ENSG000000139549,ENSG000000150967,ENSG00000011325,ENSG000000182196,ENSG000000090975,ENSG000000051825,ENSG000000130921,ENSG00000011328,ENSG000000139697,ENSG0000000183955,ENSG000000150977,ENSG000000131966,ENSG000000100567,ENSG000000032219,ENSG000000196860,ENSG000000100575,ENSG000000100578,ENSG000000166923,ENSG000000140262,ENSG000000136379,ENSG000000103888,ENSG000000103264,ENSG000000140941,ENSG000000140948,ENSG000000198795,ENSG000000132874,ENSG000000088930,ENSG000000125816,ENSG000000125820,ENSG000000101336,ENSG000000101337,ENSG000000126003,ENSG000000101346,ENSG000000101350,ENSG000000171456,ENSG000000197183,ENSG00000020256,ENSG000000197381,ENSG000000186866
TF	Factor: LHX8; motif: CTCGTTAN	TF:M10985	FALSE	2.05E-02	1.688453063	522	165	16	20011	ENSG000000253313,ENSG000000115514,ENSG000000155636,ENSG000000115540,ENSG000000093167,ENSG000000067560,ENSG000000145022,ENSG000000158186,ENSG0000149305,ENSG000000150967,ENSG00000011325,ENSG00000011328,ENSG000000150977,ENSG000000103264,ENSG000000140941,ENSG000000101337

[illegible]

[illegible]