

SD(-W,L)

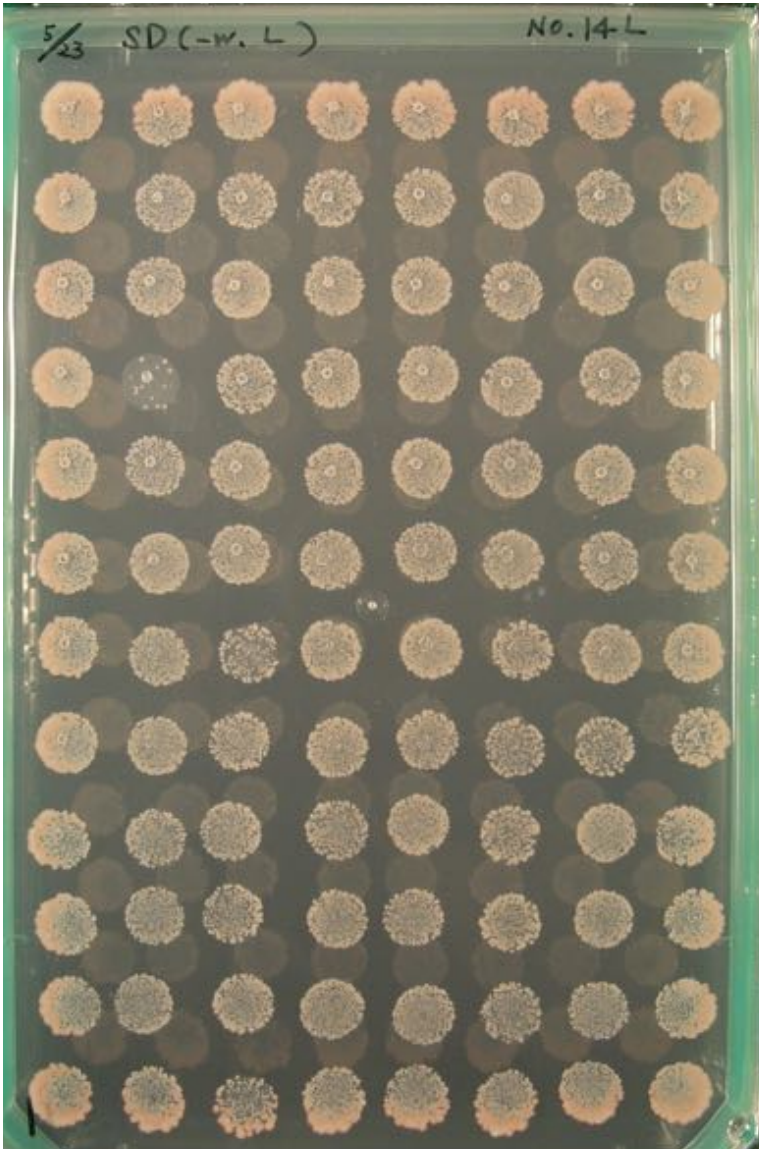


Plate 1

Positive

Positive?

SD(-W,H,L)+0mM 3-AT



SD(-W,L)

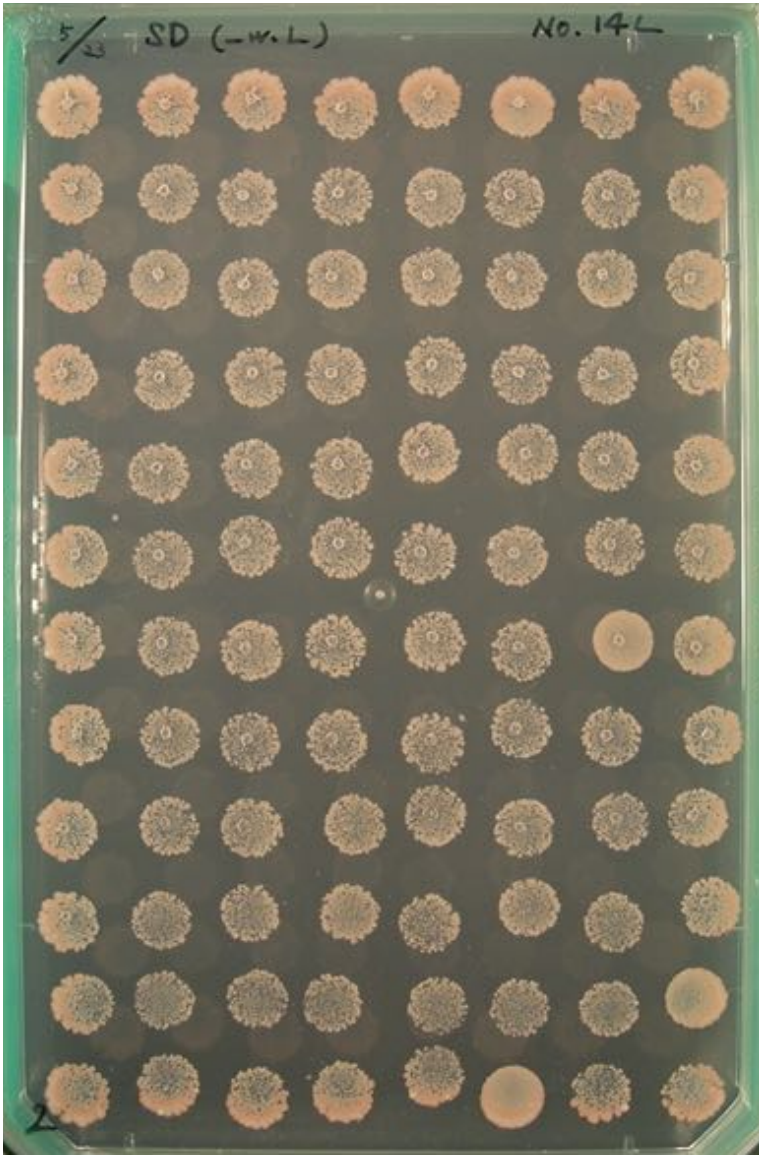


Plate 2

Positive

Positive?

SD(-W,H,L)+0mM 3-AT

5/33 SD (-W.H.L.) + 0mM 3-AT No. 14L							
097	098	099	100	101	102	103	104
105	106	107	108	109	110	111	112
113	114	115	116	117	118	119	120
121	122	123	124	125	126	127	128
129	130	131	132	133	134	135	136
137	138	139	140	141	142	143	144
145	146	147	148	149	150	151	152
153	154	155	156	157	158	159	160
161	162	163	164	165	166	167	168
169	170	171	172	173	174	175	176
177	178	179	180	181	182	183	184
185	186	187	188	189	190	191	192

SD(-W,L)

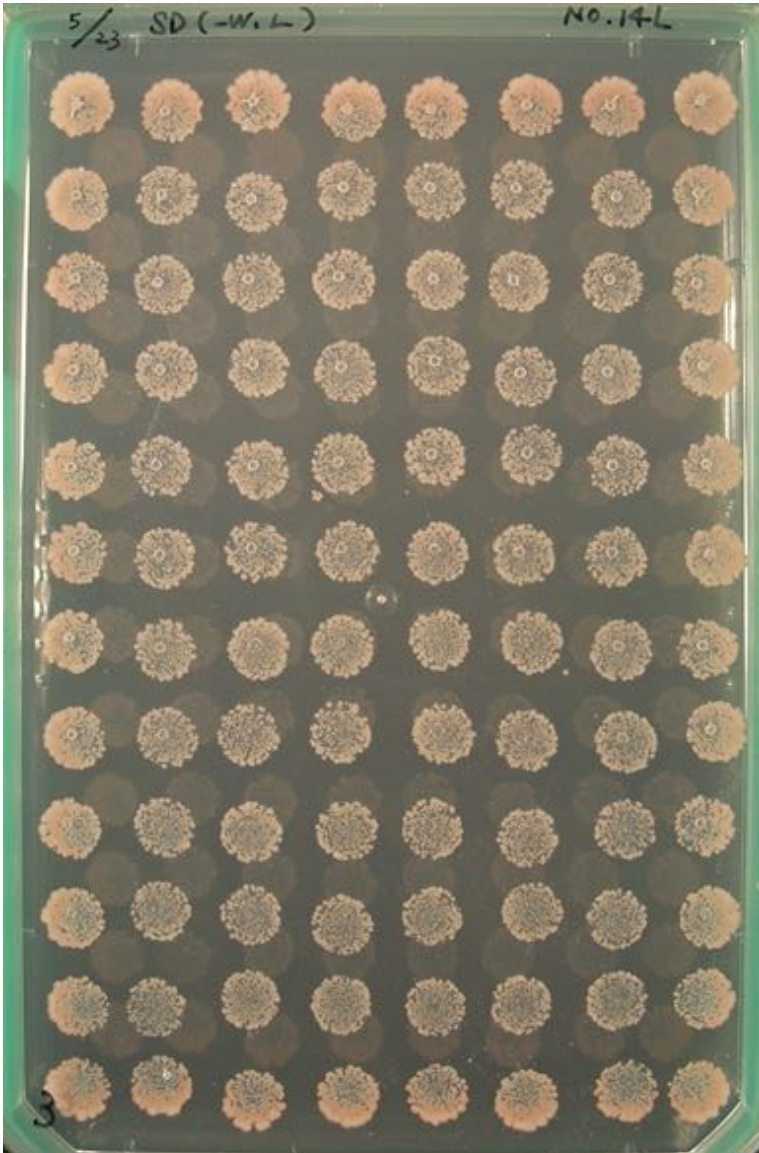


Plate 3

Positive?

SD(-W,H,L)+0mM 3-AT

5/23 SD (-W.H.L.) + 0mM 3-AT No. 14-L							
193	194	195	196	197	198	199	200
201	202	203	204	205	206	207	208
209	210	211	212	213	214	215	216
217	218	219	220	221	222	223	224
225	226	227	228	229	230	231	232
233	234	235	236	237	238	239	240
241	242	243	244	245	246	247	248
249	250	251	252	253	254	255	256
257	258	259	260	261	262	263	264
265	266	267	268	269	270	271	272
273	274	275	276	277	278	279	280
281	282	283	284	285	286	287	288

SD(-W,L)

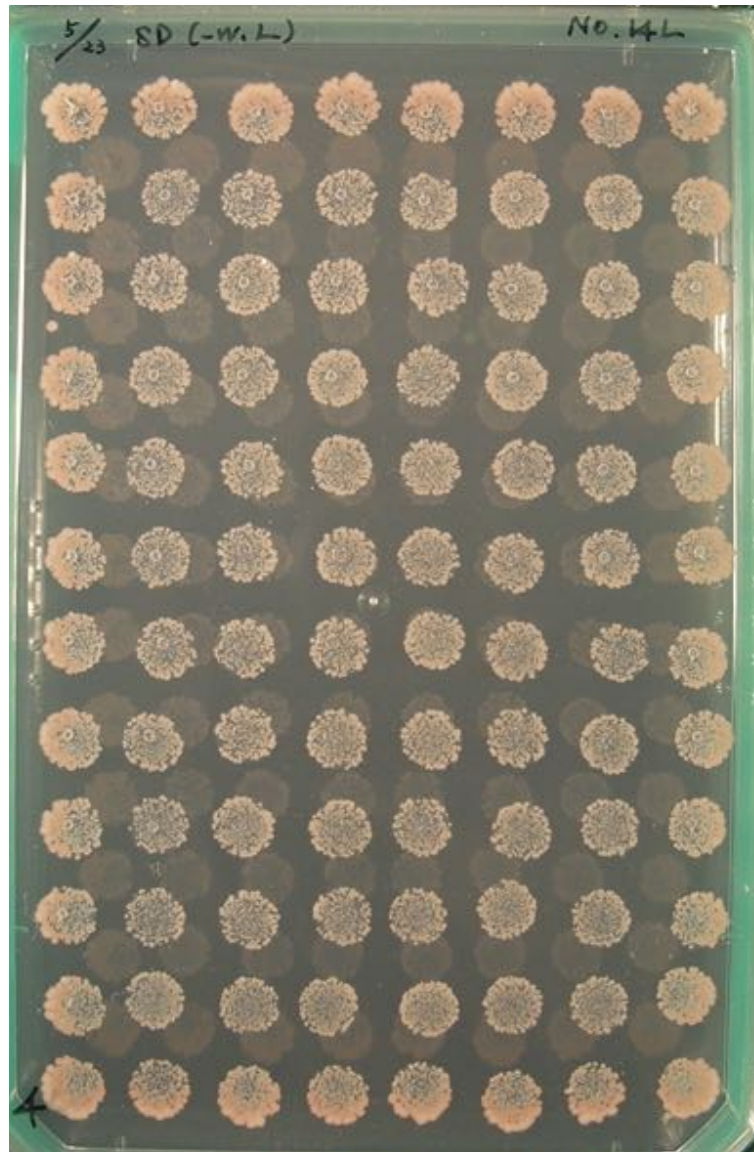


Plate 4

No
positive

SD(-W,H,L)+0mM 3-AT



Plate1

001	002	003	004	005	006	007	008
009	010	011	012	013	014	015	016
017	018	019	020	021	022	023	024
025	026	027	028	029	030	031	032
033	034	035	036	037	038	039	040
041	042	043	044	045	046	047	048
049	050	051	052	053	054	055	056
057	058	059	060	061	062	063	064
065	066	067	068	069	070	071	072
073	074	075	076	077	078	079	080
081	082	083	084	085	086	087	088
089	090	091	092	093	094	095	096

Plate2

097	098	099	100	101	102	103	104
105	106	107	108	109	110	111	112
113	114	115	116	117	118	119	120
121	122	123	124	125	126	127	128
129	130	131	132	133	134	135	136
137	138	139	140	141	142	143	144
145	146	147	148	149	150	151	152
153	154	155	156	157	158	159	160
161	162	163	164	165	166	167	168
169	170	171	172	173	174	175	176
177	178	179	180	181	182	183	184
185	186	187	188	189	190	191	192

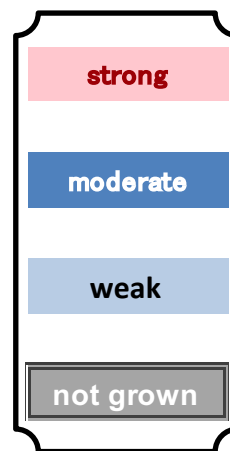
Plate3

193	194	195	196	197	198	199	200
201	202	203	204	205	206	207	208
209	210	211	212	213	214	215	216
217	218	219	220	221	222	223	224
225	226	227	228	229	230	231	232
233	234	235	236	237	238	239	240
241	242	243	244	245	246	247	248
249	250	251	252	253	254	255	256
257	258	259	260	261	262	263	264
265	266	267	268	269	270	271	272
273	274	275	276	277	278	279	280
281	282	283	284	285	286	287	288

Plate4

289	290	291	292	293	294	295	296
297	298	299	300	301	302	303	304
305	306	307	308	309	310	311	312
313	314	315	316	317	318	319	320
321	322	323	324	325	326	327	328
329	330	331	332	333	334	335	336
337	338	339	340	341	342	343	344
345	346	347	348	349	350	351	352
353	354	355	356	357	358	359	360
361	362	363	364	365	366	367	368
369	370	371	372	373	374	375	376
377	378	379	380	381	382	383	384

1st screening
Positive position



not grown
retested

SD(-W,L)

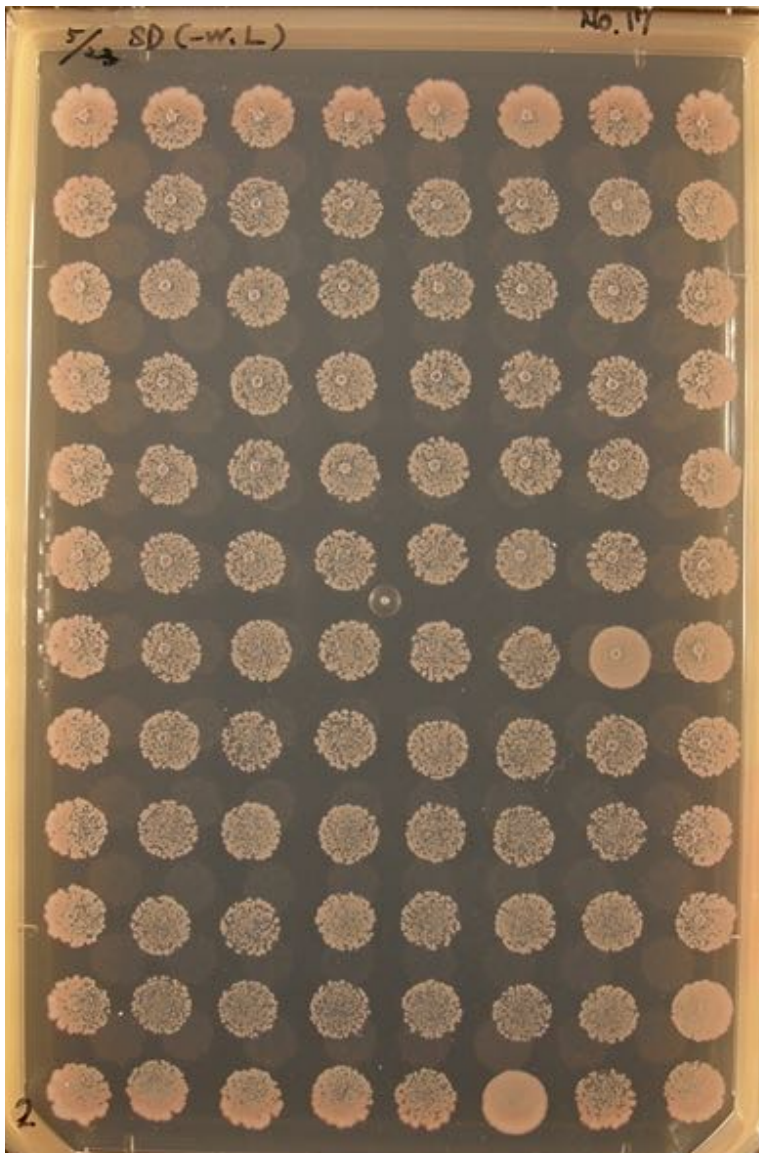


Plate 2

Positive

Positive?

SD(-W,H,L)+15mM 3-AT



SD(-W,L)

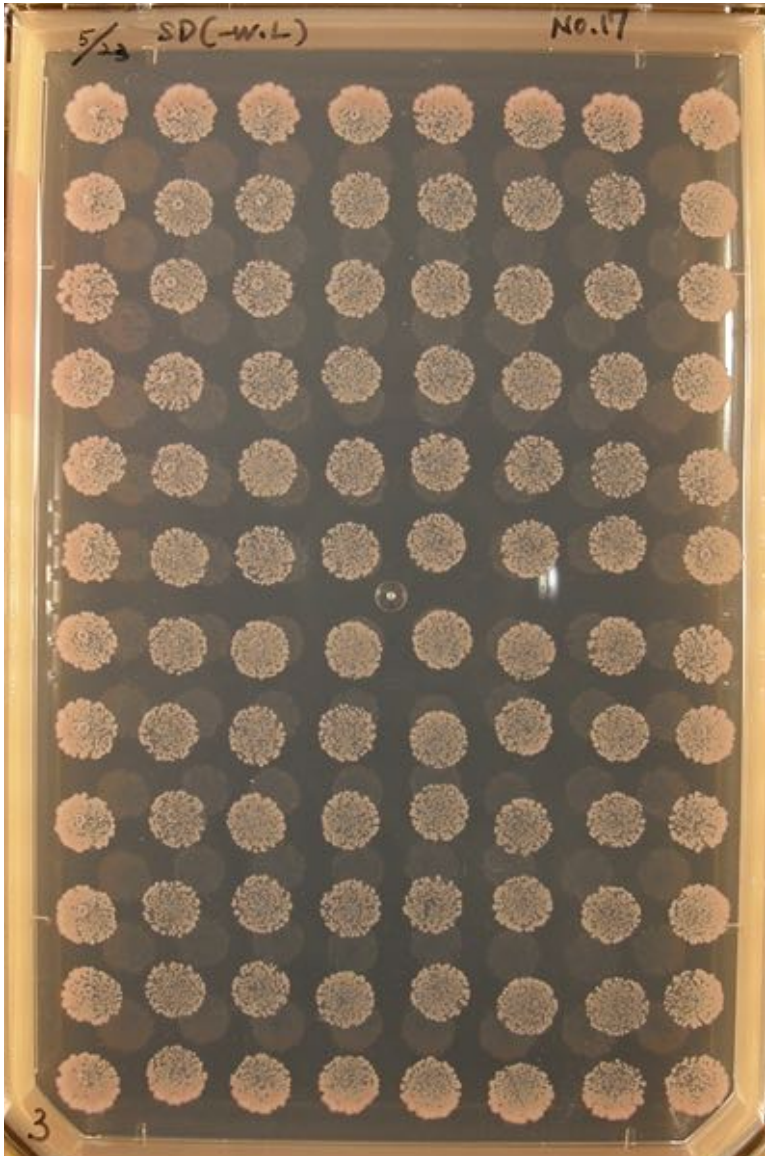


Plate 3

No
positive

SD(-W,H,L)+15mM 3-AT



SD(-W,L)

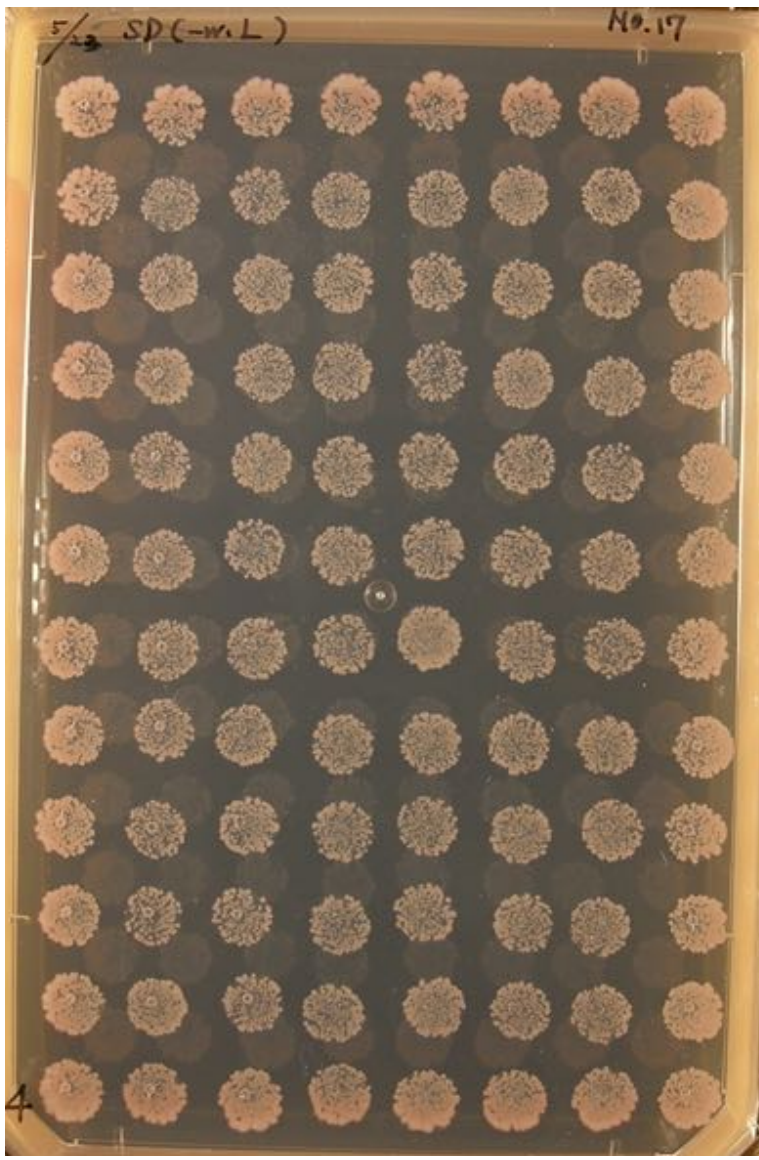


Plate 4

No
positive

SD(-W,H,L)+15mM 3-AT

289	290	291	292	293	294	295	296
297	298	299	300	301	302	303	304
305	306	307	308	309	310	311	312
313	314	315	316	317	318	319	320
321	322	323	324	325	326	327	328
329	330	331	332	333	334	335	336
337	338	339	340	341	342	343	344
345	346	347	348	349	350	351	352
353	354	355	356	357	358	359	360
361	362	363	364	365	366	367	368
369	370	371	372	373	374	375	376
377	378	379	380	381	382	383	384

Plate1

001	002	003	004	005	006	007	008
009	010	011	012	013	014	015	016
017	018	019	020	021	022	023	024
025	026	027	028	029	030	031	032
033	034	035	036	037	038	039	040
041	042	043	044	045	046	047	048
049	050	051	052	053	054	055	056
057	058	059	060	061	062	063	064
065	066	067	068	069	070	071	072
073	074	075	076	077	078	079	080
081	082	083	084	085	086	087	088
089	090	091	092	093	094	095	096

Plate2

097	098	099	100	101	102	103	104
105	106	107	108	109	110	111	112
113	114	115	116	117	118	119	120
121	122	123	124	125	126	127	128
129	130	131	132	133	134	135	136
137	138	139	140	141	142	143	144
145	146	147	148	149	150	151	152
153	154	155	156	157	158	159	160
161	162	163	164	165	166	167	168
169	170	171	172	173	174	175	176
177	178	179	180	181	182	183	184
185	186	187	188	189	190	191	192

1st screening
Positive position

Plate3

193	194	195	196	197	198	199	200
201	202	203	204	205	206	207	208
209	210	211	212	213	214	215	216
217	218	219	220	221	222	223	224
225	226	227	228	229	230	231	232
233	234	235	236	237	238	239	240
241	242	243	244	245	246	247	248
249	250	251	252	253	254	255	256
257	258	259	260	261	262	263	264
265	266	267	268	269	270	271	272
273	274	275	276	277	278	279	280
281	282	283	284	285	286	287	288

Plate4

289	290	291	292	293	294	295	296
297	298	299	300	301	302	303	304
305	306	307	308	309	310	311	312
313	314	315	316	317	318	319	320
321	322	323	324	325	326	327	328
329	330	331	332	333	334	335	336
337	338	339	340	341	342	343	344
345	346	347	348	349	350	351	352
353	354	355	356	357	358	359	360
361	362	363	364	365	366	367	368
369	370	371	372	373	374	375	376
377	378	379	380	381	382	383	384

strong

moderate

weak

SD(-W,L)

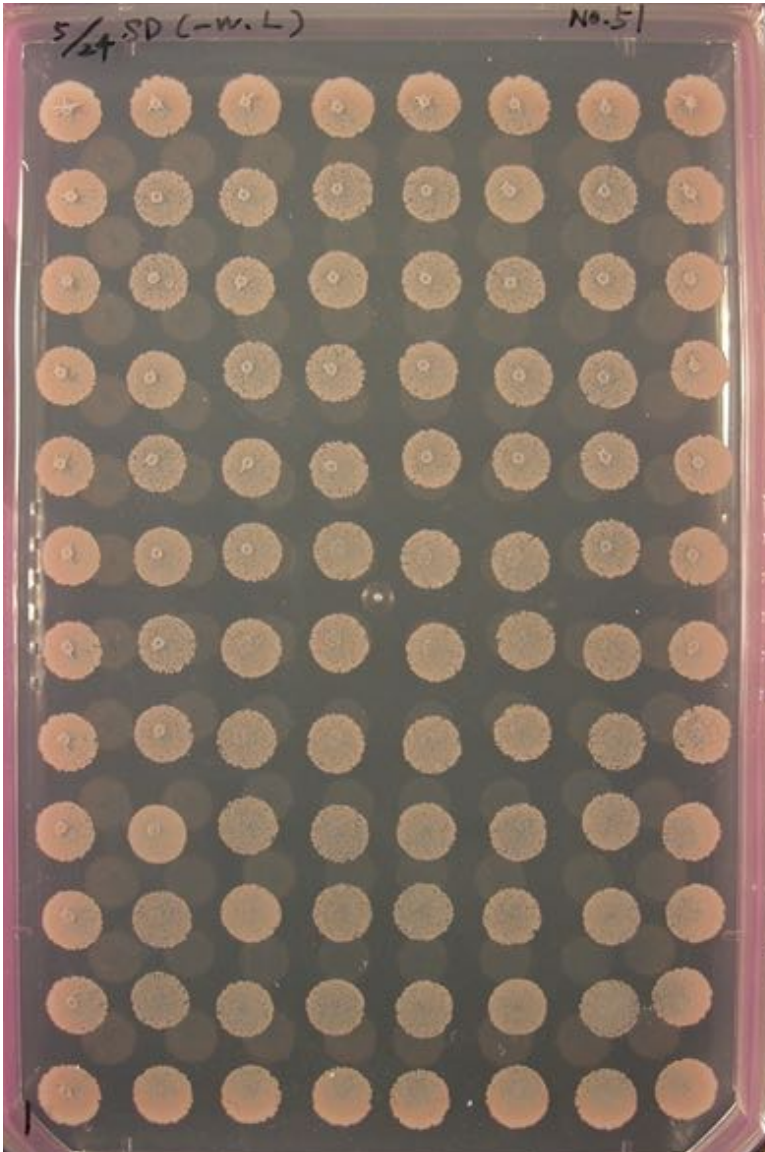
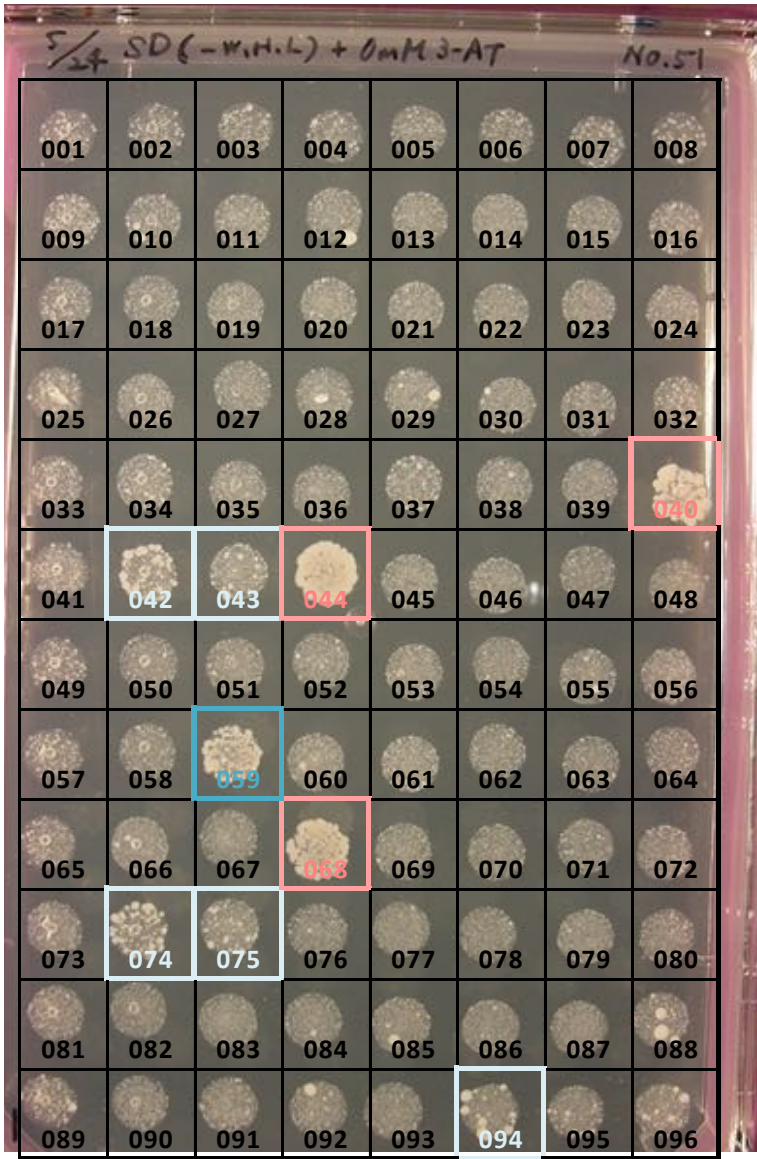


Plate 1

Positive?

SD(-W,H,L)+0mM 3-AT



SD(-W,L)

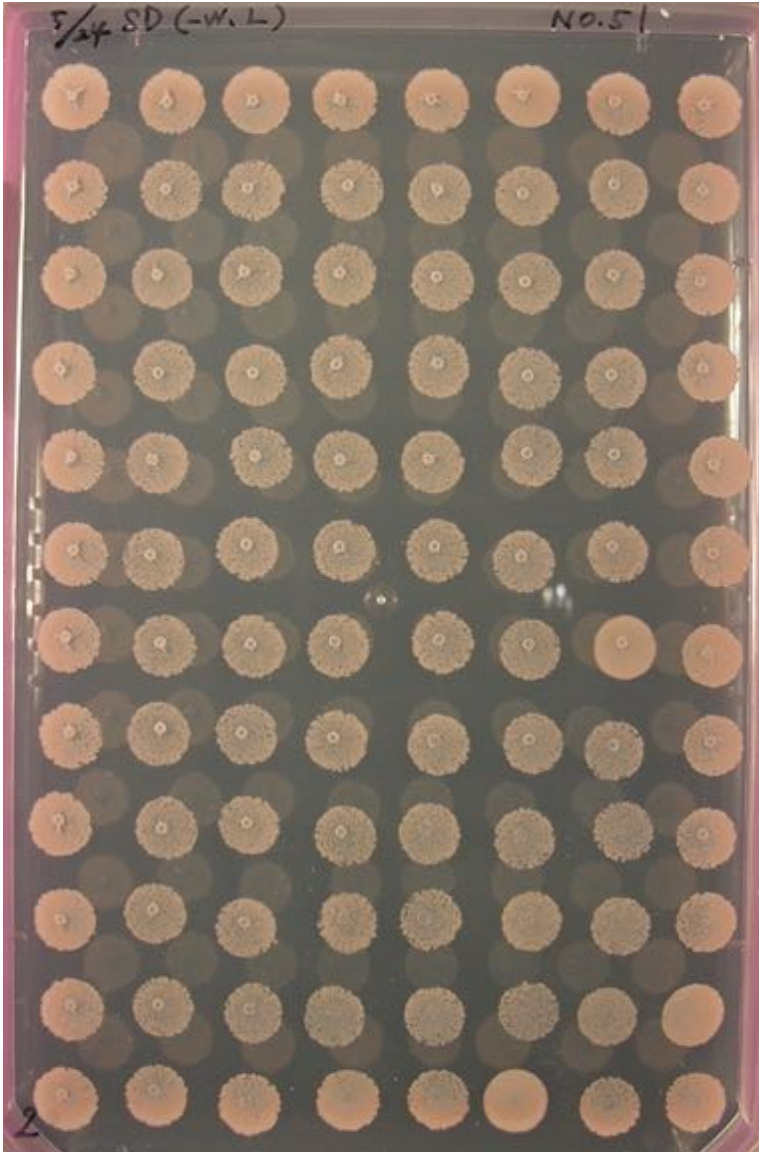
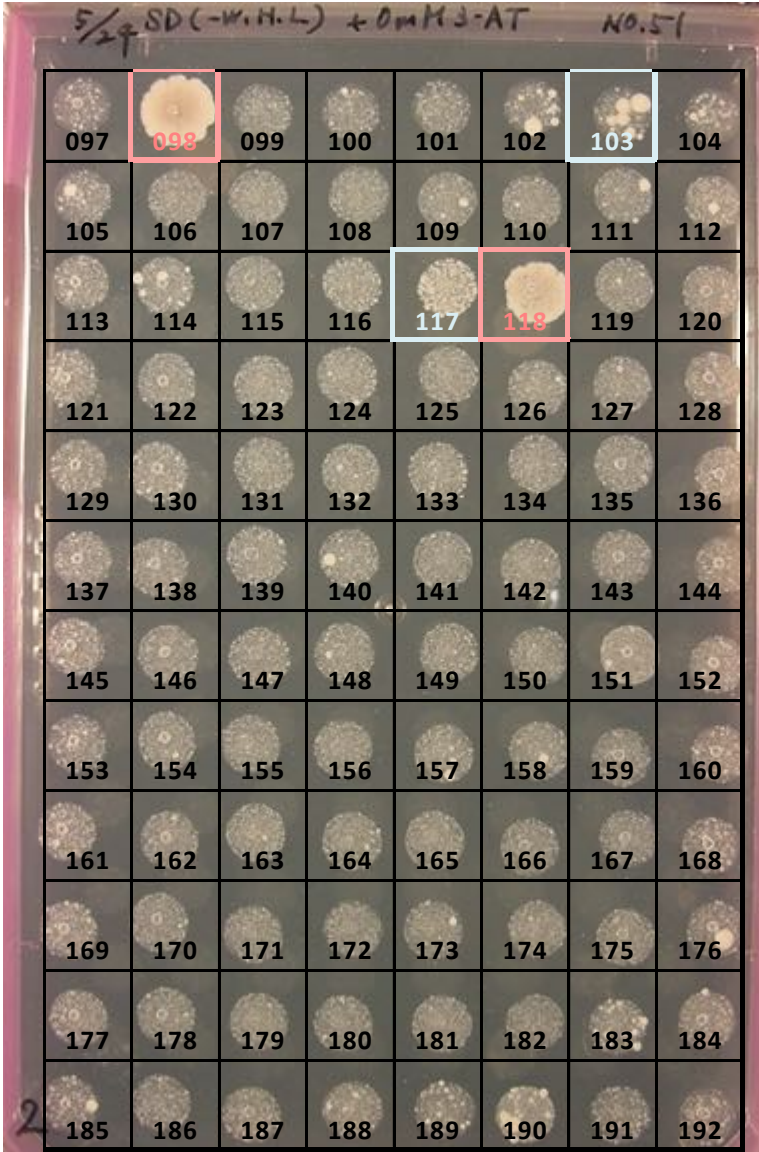


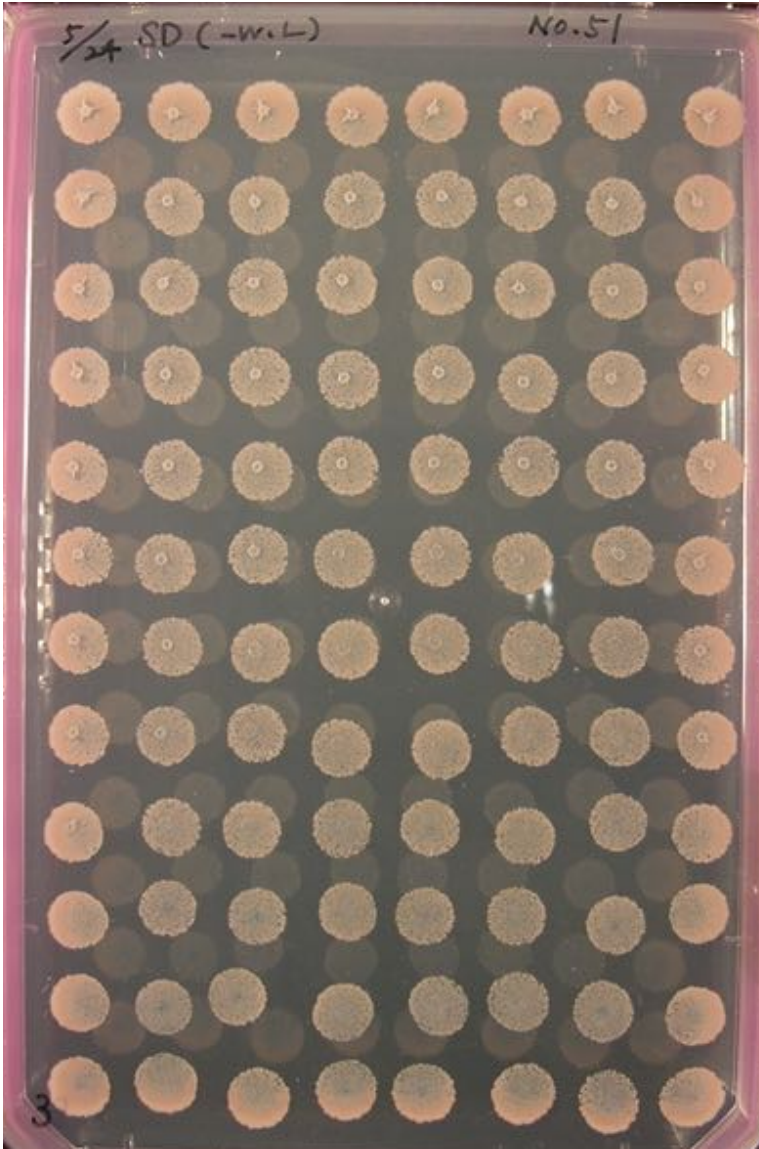
Plate 2

No
positive

SD(-W,H,L)+0mM 3-AT



SD(-W,L)



SD(-W,H,L)+0mM 3-AT



SD(-W,L)

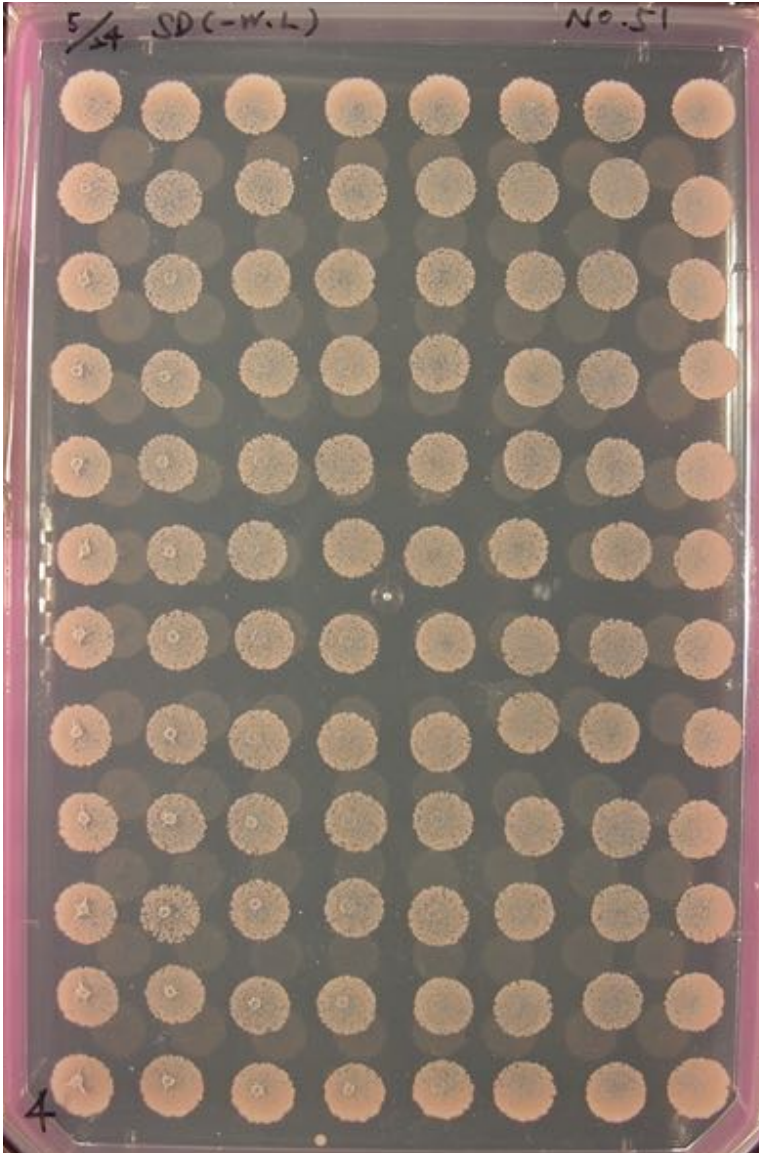
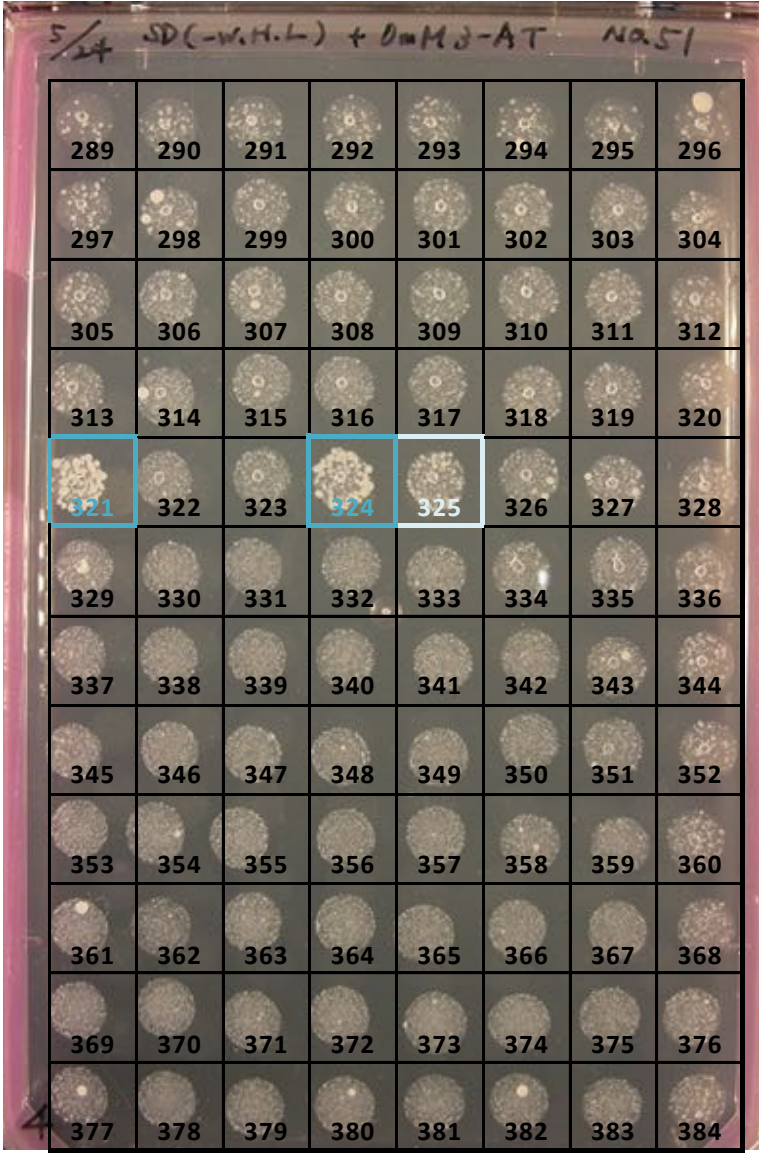


Plate 4

Positive

Positive?

SD(-W,H,L)+0mM 3-AT



PFA1

Plate1

001	002	003	004	005	006	007	008
009	010	011	012	013	014	015	016
017	018	019	020	021	022	023	024
025	026	027	028	029	030	031	032
033	034	035	036	037	038	039	040
041	042	043	044	045	046	047	048
049	050	051	052	053	054	055	056
057	058	059	060	061	062	063	064
065	066	067	068	069	070	071	072
073	074	075	076	077	078	079	080
081	082	083	084	085	086	087	088
089	090	091	092	093	094	095	096

Plate2

097	098	099	100	101	102	103	104
105	106	107	108	109	110	111	112
113	114	115	116	117	118	119	120
121	122	123	124	125	126	127	128
129	130	131	132	133	134	135	136
137	138	139	140	141	142	143	144
145	146	147	148	149	150	151	152
153	154	155	156	157	158	159	160
161	162	163	164	165	166	167	168
169	170	171	172	173	174	175	176
177	178	179	180	181	182	183	184
185	186	187	188	189	190	191	192

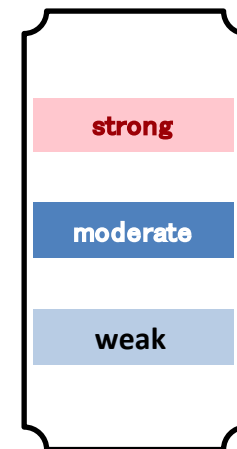
Plate3

193	194	195	196	197	198	199	200
201	202	203	204	205	206	207	208
209	210	211	212	213	214	215	216
217	218	219	220	221	222	223	224
225	226	227	228	229	230	231	232
233	234	235	236	237	238	239	240
241	242	243	244	245	246	247	248
249	250	251	252	253	254	255	256
257	258	259	260	261	262	263	264
265	266	267	268	269	270	271	272
273	274	275	276	277	278	279	280
281	282	283	284	285	286	287	288

Plate4

289	290	291	292	293	294	295	296
297	298	299	300	301	302	303	304
305	306	307	308	309	310	311	312
313	314	315	316	317	318	319	320
321	322	323	324	325	326	327	328
329	330	331	332	333	334	335	336
337	338	339	340	341	342	343	344
345	346	347	348	349	350	351	352
353	354	355	356	357	358	359	360
361	362	363	364	365	366	367	368
369	370	371	372	373	374	375	376
377	378	379	380	381	382	383	384

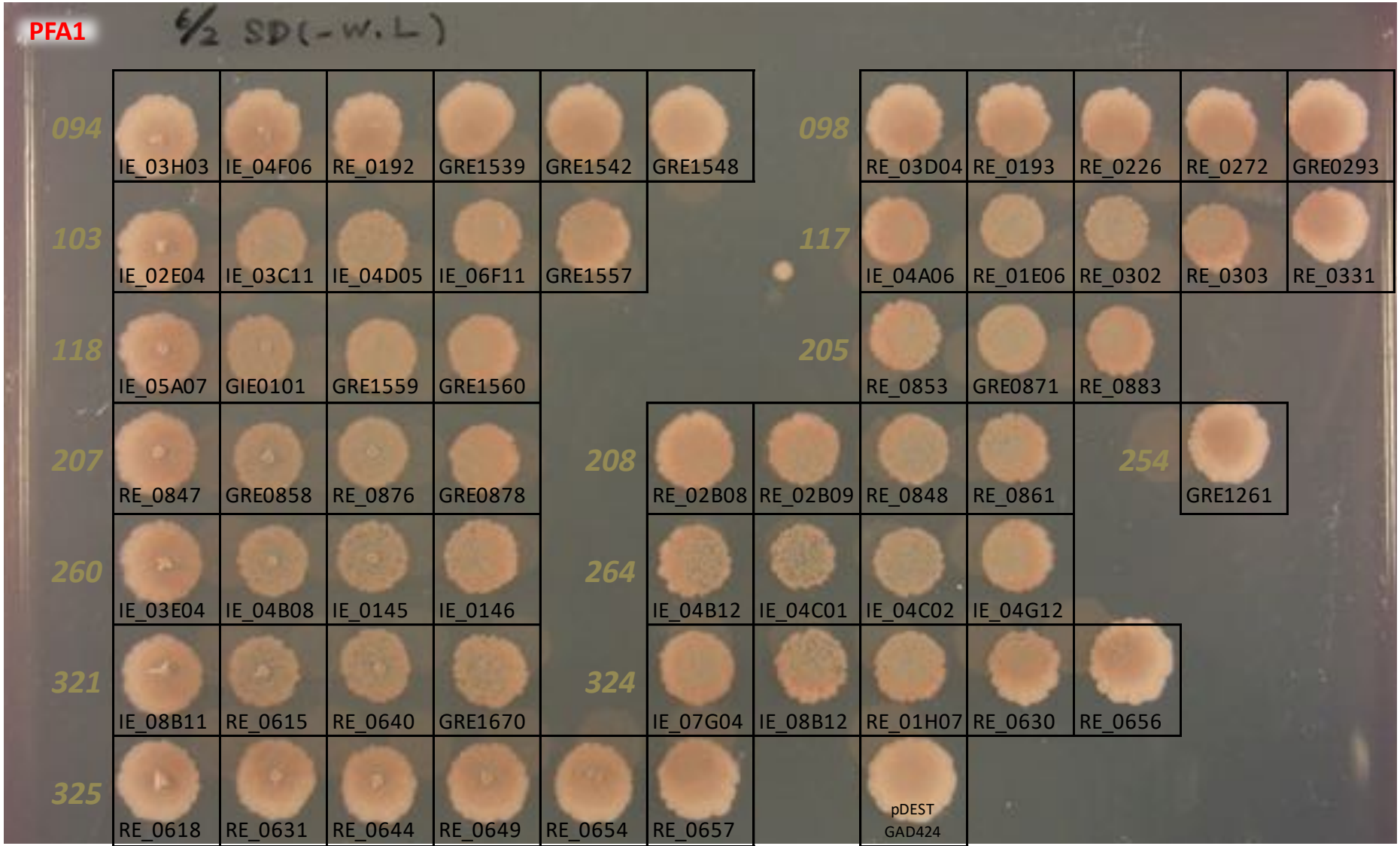
1st screening
Positive position



2nd screening -W, -L (control)



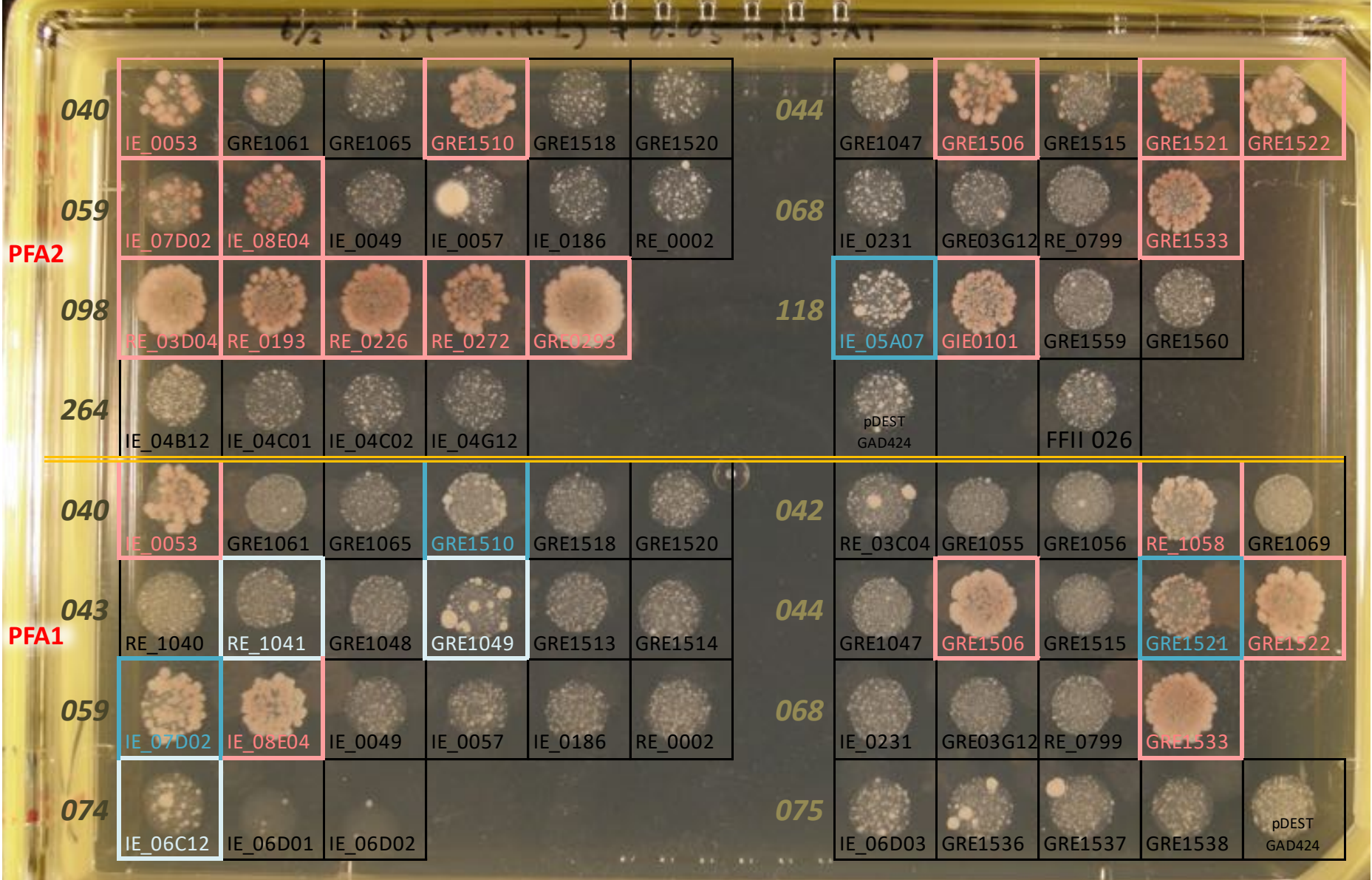
-W, -L (control)



2nd screening -W, -L, -H



2nd screening -W, -L, -H, 0.05 mM 3-AT



2nd screening -W, -L, -H



2nd screening -W, -L, -H, 0.05 mM 3-AT



2nd screening -W, -L (control)



-W, -L, -H, 12.5 mM 3-AT



-W, -L, -H, 15 mM 3-AT



Entry clone wo stop	Locus	common name	TF classification	FFII	PFA2	PFB1	PFA1
IE_0053	AT2G40470	ASL11, LBD15	AS2	40	IE_0053	IE_0053	IE_0053
IE_0305	AT2G30340	LBD13	AS2	40	GRE1510	GRE1510	GRE1510
RE_1058_x	AT3G03760	LBD20	AS2	42			RE_1058
RE_1041_x	AT1G31320	LBD4	AS2	43			RE_1041
RE_1049	AT2G30130	PCK1, LBD12, ASL5	AS2	43			GRE1049
RE_1047	AT2G23660	LBD10	AS2	44		GRE1047	
IE_0304	AT1G65620	AS2	AS2	44	GRE1506	GRE1506	GRE1506
IE_0306	AT5G63090	LOBB, LOB	AS2	44	GRE1521		GRE1521
IE_0307	AT5G66870	LBD36, ASL1	AS2	44	GRE1522	GRE1522	GRE1522
IE_07D02	AT1G28300	LEC2	B3	59	IE_07D02	IE_07D02	IE_07D02
IE_08E04	AT3G26790	FUS3	B3	59	IE_08E04	IE_08E04	IE_08E04
IE_0308	AT4G33280	REM16	B3	68	GRE1533		GRE1533
IE_06C12	AT1G14685	BBR/BPC2, ATBPC2, BPC2	BBR_BPC	74			IE_06C12
RE_1542	AT1G68240	bHLH109	bHLH	94			GRE1542
RE_03D04_x	AT4G02590	PFB1, bHLH059, UNE12	bHLH	98	RE_03D04		RE_03D04
RE_0193	AT1G03040	PFB2, bHLH007	bHLH	98	RE_0193		RE_0193
RE_0226_x	AT2G24260	LRL1, DROP1, bHLH066	bHLH	98	RE_0226	RE_0226	RE_0226
RE_0272	AT4G30980	LRL2, DROP2, bHLH069	bHLH	98	RE_0272		
RE_0293	AT5G58010	LRL3, DROP3, bHLH082	bHLH	98	GRE0293	GRE0293	GRE0293
IE_04D05_x	AT4G33880	RSL2, bHLH085	bHLH	103			IE_04D05
IE_04H05	AT2G20100	PFA2	bHLH	107		IE_04H05	
RE_0194_x	AT1G05710	bHLH153	bHLH	107		RE_0194	
RE_0270	AT4G29100	PFA3, bHLH068	bHLH	107		RE_0270	
IE_0309	AT1G27660	PFA5, bHLH110	bHLH	107		GRE1540	
RE_1545	AT2G31730		bHLH	107		GRE1545	
IE_01E04 IE_0289	AT1G31050	PFA1, bHLH111	bHLH	108		IE_0289	
IE_03E06(09A07)	AT4G21340	bHLH103, B70	bHLH	108		IE_03E06	
RE_0215_x	AT1G61660	PFA4, bHLH112	bHLH	108		RE_0215	
RE_0242_x	AT3G20640	PFA6, bHLH123	bHLH	108		RE_0242	
RE_1550	AT4G05170	bHLH114	bHLH	108		GRE1550	
IE_04A06	AT2G31370	AtbZIP59, PosF21	bZIP	117			IE_04A06
RE_0331	AT2G40620	AtbZIP18	bZIP	117			RE_0331
IE_05A07	AT2G21230	AtbZIP30	bZIP	118	IE_05A07		IE_05A07
RE_0359_x IE_0101	AT4G38900	AtbZIP29	bZIP	118	GIE0101		GIE0101
RE_0883_x	AT5G44190	ATGLK2, GPRI2, GLK2	GARP	205			RE_0883
RE_02B08	AT3G24120		GARP	208			RE_02B08
RE_02B09	AT4G13640	UNE16	GARP	208			RE_02B09
IE_0146	AT1G31640	AGL92	MADS	260			IE_0146
IE_08B11_x	AT1G56010	NAC1, ANAC021, ANAC022	NAC	321			IE_08B11
RE_0640	AT4G28530	ANAC074	NAC	321			RE_0640
IE_08B12	AT3G15170	ATNAC1, CUC1, ANAC054	NAC	324			IE_08B12
RE_01H07	AT2G24430	ANAC039, ANAC038	NAC	324			RE_01H07
RE_0656_x	AT5G53950	ATCUC2, CUC2, ANAC098	NAC	324			RE_0656
RE_0644_x	AT5G07680	ANAC079, ATNAC4, ANAC080	NAC	325			RE_0644
RE_0649	AT5G18270	ANAC087	NAC	325			RE_0649

strong

moderate

weak