ProteinID	Protein Name	Peptide Target	Protein Sequence
RPB_PLP1_R6-PLPx6	R6PO11	PLPPLPPLPPLPPLPPLP	PEEERIKYVITVVEQIAKDAHRNGQEELAKLAERTAEEAKKATERGEEETLRIVYVIVVVLQIALEAHRNGQEELAKLALRTAEEAIKATERGEEETLRIVYVIVVVLQIALEAHRNGQEELAKLALRTAEEAIKATERGEEETLRIVYVIVVVLQIALEAHRNGQEELAKLALRTAEEAIKATERGEEETLRIVYVIVVVLQIALEAHRNGQEELAKLALRTAEEAIKATERGEEETERIVYDIVVVLQEALEAHRNGEEERAKKALDEARRRIEATERGE
RPB_PLP1_R4-PLPx4	R4PO11	PLPPLPPLPPLP	PLRIVYVIAVVLQIVKDAHRNGQEELAKLAQRTAEEAIKAIERGEEETLRIVYVIAVVLQIALDAHRNGQEELAKLALRTAEEAIKAIERGEEETLRIVYVIAVVLQIALDAHRNGQEELAKLALRTAEEAIKAIERGEEETERIVYDIAVVLQEALDAHRNGEEERAKKALDEARRRIEAIERGE
RPB_PLP2_R6-PLPx6	R6D2	PLPPLPPLPPLPPLPPLP	PEEERIKYVITVVEQIAKDAHRNGQEELAKLAERTAEEAKKAIERGEEETLRIVYVIAVVLQIALDAHRNGQEELAKLALRTAEEAIKAIERGEEETLRIVYVIAVVLQIALDAHRNGQEELAKLALRTAEEAIKAIERGEEETLRIVYVIAVVLQIALDAHRNGQEELAKLALRTAEEAIKAIERGEEETLRIVYVIAVVLQIALDAHRNGQEELAKLALRTAEEAIKAIERGEEETERIVYDIAVVLQEALDAHRNGEEERAKKALDEARRRIEAIERGE
RPB_PLP3_R6-PLPx6	R6PEP12	PLPPLPPLPPLPPLPPLP	DEEREKLKEKLKEVLRRAKEAKKKGDKEKLIELAYEAAALAAWIIHKDSNDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIITDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIITDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIITDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIITDGDDDEIVELAKEALKLVKEAAEEAEKQGDEELREKLRYLSEAVREWIERND
RPB_LRP1_R6-LRPx6	R6ST3	LRPLRPLRPLRPLRPLRP	PEEEAHKKAMIKIDVAFDYGKREEELEKILEEAIKELEKNGVDKEEAAHRAAMILIDVAFDYGKDDKELEKILEIAIKILEKNGVDKEEAAHRAAMILIDVAFDYGKDDKELEKILEIAIKILEKNGVDKEEAAHRAAMILIDVAFDYGKDDKELEKILEIAIKILEKNGVDKEEAAHRAAMILIDVAFDYGKDDKELEKILEIAIKILEKNGVDKREAAKRAAMILRDVADDYGKHEEEEEKIEEIAKKILEKNGHE
RPB_LRP2_R6-LRPx6	R6PXX13	LRPLRPLRPLRPLRPLRP	PEEEAFLKASIRIQHAHEHGKREEELEKILEEAIRELEKNGVDREEAAFLAASILIQHAHEQGKDDRELEKILEIAIRILEKNGVDREEAAFLAASILIQHAHEQGKDDRELEKILEIAIRILEKNGVDREEAAFLAASILIQHAHEQGKDDRELEKILEIAIRILEKNGVDREEAAFLAASILIQHAHEQGKDDRELEKILEIAIRILEKNGVDREEAAFLAASILIQHAREQGKHEEEEERIEEIAKRILEKNGHE
RPB_LRP2_R4-LRPx4	R4PXX13	LRPLRPLRPLRP	PEEEAFLKASIRIQHAHEHGKREEELEKILEEAIRELEKNGVDREEAAFLAASILIQHAHEQGKDDRELEKILEIAIRILEKNGVDREEAAFLAASILIQHAHEQGKDDRELEKILEIAIRILEKNGVDRREAAFLAASILIQHAREQGKHEEEEERIEEIAKRILEKNGHE
RPB_LRP2_R6_FW6	R6PXX13 M	LRPLRPLRPLRPLRPLRP	PEEEAWLKASIRIQSAHEHGKREEELEKILEEAIRELEKNGVDREEAAWLAASILIQSAHEQGKDDRELEKILEIAIRILEKNGVDREEAAWLAASILIQSAHEQGKDDRELEKILEIAIRILEKNGVDREEAAWLAASILIQSAHEQGKDDRELEKILEIAIRILEKNGVDREEAAWLAASILIQSAHEQGKDDRELEKILEIAIRILEKNGVDRREAAWLAASILIQSAREQGKHEEEEERIEEIAKRILEKNGH
RPB_PEW1_R6-PAWx6	R6n11	PEWPEWPEWPEWPEWPEW	PEREKVEKLARNAHLWAKKKLEEAKRHGNEEETEEWKRETELVRRLAELAHKSDREEVLKVIKLALNALLWANKKLDEAKRHGNEEETEEWRKETELVKRLAELASKSDREEVLKVIKLALNALLWANKKLDEAKRHGNEEETEEWRKETELVKRLAELASKSDREEVLKVIKLALNALLWANKKLDEAKRHGNEEETEEWRKETELVKRLAELASKSDREEVLKVIKLALNALLWANKKLDEAKRHGNEEETEEWRKETELVKRLAELASKSDREEVLKVIKLALNALLWANKKLDEAKRHGNEEETEHWRKRTETVKREAEKASKSDK
RPB_PEW2_R6-PAWx6	R604	PEWPEWPEWPEWPEWPEW	PEEKLKREVLQIARAAIYWQRNGGDEHVEKALKRVKRAAEELGNSEEEALKRLVLQIARAAIYWQRNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEEEALKRLVLQIARAAIYWQRNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEEEALKRLVLQIARAAIYWQRNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEDEALKRLKLQIARAAHYWENNGGEEYVKAAEKVEKKAAEELGNE
RPB_PEW1_R4-PAWx4	R4n11	PEWPEWPEWPEW	PEVERLRKEVKEEADKARENNDEDSLRKWKLLANALIAAHFAHLNGLEEVARLATEVVHEAYEASRNNDEDSLRKWLLLANALIAAHFAHLNGLEEVARLATEVVHEAYEASRNNDEDSLRKWLLLANALIAAHFAHLNGLEEVAHEATRVVHEATRASEENDEESLEKWLLEANKLIATHFAHLNGE
RPB_PEW3_R4-PAWx4	R4PXX28	PEWPEWPEWPEW	PEEERKKEAEEVAAHVEQIAFIAKEQGNEEVAKLAKRLAETIKRLNEGTEEEVKRLLEAAEVAAHVLQIAFIAHEQGNEEVAKLALELAESILRLIEGTEEEVKRLLEAAEVAAHVLQIAFIAHEQGNEEVAKLALELAESILRLIEGTEEEVKELLERAEEAAHVLQHAFIATEQGNEEDAKEALRKAEEILRRNEDRR
RPB_IYP1_R6-IYPx6	R602	IYPIYPIYPIYPIYPIYP	PEEEILVKAVNEASRITEKTKDEEKIKEALERILREAAERIRENGGNEEEAILVIAVNVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEEAILVIAVNVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEEAILVIAVNVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEEAILVIAVNVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEEAILVIAVNVASRITKRVTNEEEIKKAQHWIKHVAKKLIKENGGT
	R615M	IYPIYPIYPIYPIYPIYP	PEEKLEREVLQIARAAIYWQRNGGDEHVEKALKRVKRAAEELGNSEEEALGVLVAQIAHMAIHWQRNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEEEALGVLVAQIAHMAIHWQRNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEEEALGVLVAQIAHMAIHWQRNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEEEALGVLVAQIAHMAIHWQRNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEDEALERLKLQIARAAHYWENNGGEEYVKAAEKVEKKAAEELGNE
RPB_IYP1_R4-IYPx4	R402	IYPIYPIYPIYP	PEEEILVKAVNEASRITEKTKDEEKIKEALERILREAAERIRENGGNEEEAILVIAVNVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEEAILVIAVNVASRITERVKNEEEIKKALEWILR

			VAAELIRENGGNEEEAILVIAVNVASRITKRVTNEEEIKKAQHWIKHVAKKLIKENGGT
RPB_PRM1_R6-PRMx6	R6CP33	PRMPRMPRMPRMPRMPRM	PEEKLYWEVSQIAFSAIEEQKNGGDEHVEKALKKVKKAAEELGNSEEEALYWLVSQIAFSAIELQKNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEEEALYWLVSQIAFSAIELQKNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEEEALYWLVSQIAFSAIELQKNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEEEALYWLVSQIAFSAIELQKNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEDEALHLLKSQIAFSAHELENNGGEEYVKAAEKVEKKAAEELGNE
RPB_PKW1_R6-PKWx6	R6M4_b20	PKWPKWPKWPKWPKWPKW	PEEKLEEEVTQIARAAIYKQRNGGDEHVEKALKRVKRAAEELGNSEEEALEELVTQIARAAIYKQRNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEEEALEELVTQIARAAIYKQRNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEEEALEELVTQIARAAIYKQRNGGDEYVEAALKVVKKAAEELGNSEDEAEEELKTQIARAAHYKENNGGEEYVKAAEKVEKKAAEELGNE
RPB_hy1-PLP$_2$PEP$_2$PLP$_2$	R6s23	PLPPLPPEPPEPPLPPLP	DEEREKLKEKLKEVLRRAKEAKKKGDKEKLIELAYEAAALAAWIIHKDSNDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAKWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAKLAASVAKWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAKLAASVAAWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIITTDGDDEEIVELAKEALKLVKEAAEEAEKQGDEELREKLRYLSEAVREWIERNDGDD
	R6E2	PLPPLPPEPPEPPLPPLP	DEEREKLKEKLKEVLRRAKEAKKKGDKEKLIELAYEAAALAAWIIHKDSNDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAKWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAKLAASVAAWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIELAELAAAVAAWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIITTDGDDEEIVELAKEALKLVKEAAEEAEKQGDEELREKLRYLSEAVREWIERNDGDD
RPB_hy2-IYP$_3$RYP	R6s59	IYPIYPIYPRYPRYPRYP	PEEEILVKAVNEASRITEKTKDEEKIKEALERILREAAERIRENGGNEEEAILVIAVNVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEEAISVIAINVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEEAIVEIAINVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEEAIVEIAINVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEEAILEIAVNVASRITKRVTNEEEIKKAQHWIKHVAKKLIKENGGT
	R6s93	IYPIYPIYPRYPRYPRYP	PEEEILIKAVNEASRITEKTKDEEKIKEALERILREAAERIRENGGNEEEAILIIAVNVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEDAISIIAINVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEDAIVEIAINVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEDAIVEIAINVASRITERVKNEEEIKKALEWILRVAAELIRENGGNEEDAILEIAVNVASRITKRVTNEEEIKKAQHWIKHVAKKLIKENGGT
αZFC-high	endol_b2	PLPPLPPLPPLPPEDPEQPPKPPF	DEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAVAAWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAVAAWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIIKTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAASVAAWIITTDGDDEEIVELAKEALKLVKEAAEEAEKQGDEELREKLRYLSEAVREWIERNDGDD
αZFC-low	endol_b7	PLPPLPPLPPLPPEDPEQPPKPPF	KEKKIEKAYRAAAEAAWKIHTDGDDDEIVEEAKEALKKVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIIHTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAAAVAAWIITTDGDDDEIVELAKEALKLVLEAAKEAKKNGDKEKLIKLAYLAASVAAWIITTDGDDEEIVELAKEALKLVKEAAEEAEKQGDEELREKLRYLSEAVREWIERNDGDD