

Supplementary materials

Table S1 Genetic variation at 11 microsatellite loci in populations of *Lissotriton vulgaris meridionalis*. For each breeding site, *N* equals the number of individuals genotyped and from which the observed (H_O) and expected (H_E) heterozygosities were estimated. Heterozygosities in bold indicate populations that do not conform to Hardy–Weinberg expectations for that particular locus (Bonferroni corrected *P*-value < 0.001 for table-wide significance level of $\alpha = 0.05$)

		LVG-210		LVG-388		LVG-542		Lm_521		Lm_488		Lm_632		Th09		Tv3Ca9		LVG-398		Lm_749		Tv3Ca19	
Pop Code	<i>N</i>	H_O	H_E	H_O	H_E	H_O	H_E	H_O	H_E	H_O	H_E	H_O	H_E	H_O	H_E	H_O	H_E	H_O	H_E	H_O	H_E	H_O	H_E
FB	17	0.471	0.383	Monomorphic		0.412	0.447	0.941	0.872	0.941	0.891	0.941	0.831	0.471	0.651	0.647	0.679	0.647	0.731	0.706	0.777	0.563	0.730
RR	33	0.333	0.436	0.091	0.144	0.437	0.687	0.939	0.910	0.818	0.861	0.939	0.880	0.788	0.812	0.484	0.523	0.606	0.750	0.879	0.877	0.606	0.731
FT	20	Monomorphic		0.150	0.142	0.400	0.344	0.900	0.841	0.750	0.746	0.500	0.495	0.900	0.844	0.250	0.296	0.650	0.583	0.950	0.822	0.211	0.612
FFA	20	Monomorphic		Monomorphic		0.450	0.581	0.600	0.928	0.950	0.904	0.800	0.814	0.800	0.886	0.600	0.596	0.650	0.724	0.900	0.887	0.750	0.788
F32	20	0.150	0.142	0.105	0.193	0.600	0.556	0.800	0.938	0.950	0.905	0.950	0.905	0.800	0.783	0.750	0.612	0.600	0.760	0.900	0.883	0.500	0.695
FE	20	0.100	0.097	0.050	0.050	0.250	0.592	0.750	0.937	0.850	0.882	0.850	0.905	0.850	0.858	0.450	0.483	0.450	0.582	0.950	0.881	0.600	0.717
LE	20	0.050	0.050	0.250	0.232	0.750	0.658	0.700	0.931	1.000	0.946	0.950	0.883	1.000	0.853	0.750	0.595	0.450	0.712	1.000	0.938	0.471	0.677
F35	20	0.300	0.328	0.250	0.312	0.421	0.459	0.850	0.912	0.800	0.885	0.900	0.883	0.850	0.909	0.500	0.558	0.650	0.622	0.900	0.883	0.450	0.653
F29	20	0.150	0.142	0.150	0.142	0.500	0.431	0.550	0.868	0.650	0.729	0.850	0.832	0.900	0.851	0.550	0.636	0.450	0.622	0.750	0.847	0.300	0.481
FUA	20	0.250	0.224	0.050	0.050	0.400	0.467	0.550	0.933	0.950	0.950	0.800	0.844	0.900	0.924	0.450	0.568	0.450	0.554	0.900	0.912	0.400	0.579
F23	20	Monomorphic		0.050	0.050	0.650	0.674	0.750	0.924	0.800	0.945	0.850	0.879	0.900	0.900	0.550	0.573	0.800	0.663	0.900	0.899	0.600	0.676
F11	20	0.150	0.142	0.050	0.050	0.400	0.560	0.650	0.935	0.800	0.892	0.750	0.797	0.850	0.906	0.750	0.585	0.450	0.559	0.800	0.888	0.300	0.451
RIC	17	0.059	0.059	0.176	0.169	0.353	0.590	0.588	0.916	1.000	0.955	1.000	0.909	0.941	0.922	0.412	0.522	0.588	0.750	0.882	0.941	0.625	0.605
FBG	20	0.100	0.097	Monomorphic		0.450	0.612	0.900	0.900	0.900	0.927	0.800	0.836	0.850	0.882	0.550	0.650	0.700	0.687	0.850	0.895	0.800	0.691
F19	20	0.050	0.050	Monomorphic		0.450	0.440	0.700	0.945	0.950	0.912	0.900	0.863	0.850	0.810	0.500	0.385	0.600	0.622	0.950	0.922	0.350	0.426
R19	20	0.150	0.145	Monomorphic		0.350	0.501	0.700	0.949	0.900	0.918	1.000	0.900	0.950	0.914	0.350	0.541	0.750	0.755	0.900	0.906	0.200	0.314
RP	21	0.048	0.048	Monomorphic		0.619	0.617	0.905	0.886	0.810	0.832	0.857	0.756	0.762	0.843	0.429	0.494	0.619	0.738	0.905	0.855	0.095	0.094
FP	20	0.100	0.097	Monomorphic		0.800	0.691	0.550	0.783	0.900	0.777	0.900	0.771	0.550	0.769	0.700	0.579	0.650	0.685	0.750	0.676	0.400	0.559
RT	30	0.133	0.128	Monomorphic		0.667	0.572	0.567	0.899	0.867	0.938	0.867	0.886	0.933	0.873	0.400	0.563	0.767	0.790	0.867	0.936	0.552	0.712
FER	34	0.176	0.214	0.059	0.058	0.647	0.713	0.853	0.924	0.909	0.952	0.941	0.904	0.824	0.879	0.382	0.335	0.853	0.770	0.912	0.928	0.794	0.687
RER	32	0.125	0.119	Monomorphic		0.469	0.550	0.906	0.910	1.000	0.936	0.906	0.906	0.875	0.899	0.469	0.493	0.812	0.802	0.906	0.945	0.433	0.745

Table S2 Pairwise F_{ST} (below diagonal) and N_m (above diagonal) estimates for 21 *Lissotriton vulgaris meridionalis* populations genotyped at 11 microsatellite loci. Values in bold were not statistically significant in exact tests of differentiation, assuming a table-wide significance level of $P < 0.05$ (adjusted $P = 0.001$)

<i>Pop Code</i>	FB	RR	FT	FFA	F32	FE	LE	F35	F29	FUA	F23	F11	RIC	FBG	F19	R19	RP	FP	RT	FER	RER
FB		6.310	0.966	2.070	2.319	2.117	2.756	2.462	1.670	2.301	2.331	1.853	2.344	2.278	1.598	2.203	1.469	1.718	2.420	2.141	2.403
RR	0.038		1.422	2.616	2.980	2.572	3.654	2.990	2.584	2.952	3.055	3.093	3.615	2.922	2.014	3.221	2.323	2.247	3.030	2.339	2.906
FT	0.206	0.149		1.547	1.713	1.501	1.607	1.497	1.205	1.530	1.695	1.396	1.845	1.431	1.062	1.526	1.147	0.797	1.421	1.279	1.318
FFA	0.108	0.087	0.139		7.310	12.143	10.350	5.052	2.956	7.225	9.852	3.789	8.837	5.816	4.244	5.814	2.332	2.280	6.976	5.440	7.296
F32	0.097	0.077	0.127	0.033		23.468	13.177	12.429	3.419	7.788	10.088	5.167	12.062	6.286	4.000	6.173	2.551	2.062	5.484	4.835	6.127
FE	0.106	0.089	0.143	0.020	0.011		38.767	18.608	3.867	15.107	17.211	5.534	11.503	6.228	5.861	7.194	2.593	1.979	5.964	4.775	6.147
LE	0.083	0.064	0.135	0.024	0.019	0.006		22.328	4.834	11.948	20.005	5.736	10.084	9.367	6.311	8.901	3.164	2.159	6.954	5.546	7.257
F35	0.092	0.077	0.143	0.047	0.020	0.013	0.011		5.298	19.056	10.092	5.599	9.479	7.208	5.101	8.454	2.589	1.973	5.325	4.300	5.152
F29	0.130	0.088	0.172	0.078	0.068	0.061	0.049	0.045		6.482	3.815	3.167	4.069	3.484	3.100	4.555	2.614	1.798	3.098	2.672	3.271
FUA	0.098	0.078	0.140	0.033	0.031	0.016	0.021	0.013	0.037		13.308	7.902	13.439	11.421	9.440	17.201	3.517	2.037	6.681	5.129	6.369
F23	0.097	0.076	0.129	0.025	0.024	0.014	0.012	0.024	0.062	0.018		6.805	19.874	8.762	8.121	13.020	2.790	2.235	10.910	8.437	8.865
F11	0.119	0.075	0.152	0.062	0.046	0.043	0.042	0.043	0.073	0.031	0.035		8.583	5.833	5.484	12.673	3.420	2.157	5.485	3.645	4.593
RIC	0.096	0.065	0.119	0.028	0.020	0.021	0.024	0.026	0.058	0.018	0.012	0.028		13.717	7.464	22.657	3.605	2.784	15.761	12.364	15.742
FBG	0.099	0.079	0.149	0.041	0.038	0.039	0.026	0.034	0.067	0.021	0.028	0.041	0.018		6.452	9.176	3.504	2.487	7.069	5.920	6.735
F19	0.135	0.110	0.191	0.056	0.059	0.041	0.038	0.047	0.075	0.026	0.030	0.044	0.032	0.037		26.258	4.047	1.844	7.337	6.034	7.054
R19	0.102	0.072	0.141	0.041	0.039	0.034	0.027	0.029	0.052	0.014	0.019	0.019	0.011	0.027	0.009		5.171	2.349	13.695	7.648	10.132
RP	0.145	0.097	0.179	0.097	0.089	0.088	0.073	0.088	0.087	0.066	0.082	0.068	0.065	0.067	0.058	0.046		2.235	3.324	2.996	3.426
FP	0.127	0.100	0.239	0.099	0.108	0.112	0.104	0.112	0.122	0.109	0.101	0.104	0.082	0.091	0.119	0.096	0.101		2.546	2.560	2.958
RT	0.094	0.076	0.150	0.035	0.044	0.040	0.035	0.045	0.075	0.036	0.022	0.044	0.016	0.034	0.033	0.018	0.070	0.089		15.218	30.325
FER	0.105	0.097	0.163	0.044	0.049	0.050	0.043	0.055	0.086	0.046	0.029	0.064	0.020	0.041	0.040	0.032	0.077	0.089	0.016		249.750
RER	0.094	0.079	0.159	0.033	0.039	0.039	0.033	0.046	0.071	0.038	0.027	0.052	0.016	0.036	0.034	0.024	0.068	0.078	0.008	0.001	

Table S3 Estimates of pairwise relatedness within 21 smooth newt populations and five site pairs using Lynch & Ritland's method (LRM). Values indicating second- and third-order of relationships are pointed out with two and one asterisk, respectively.

Single Populations	
ID	LRM
FB	0.180*
RR	0.098
FT	0.293**
FFA	0.071
F32	0.075
FE	0.050
LE	0.037
F35	0.054
F29	0.136*
FUA	0.045
F23	0.033
F11	0.062
RIC	0.031
FBG	0.071
F19	0.055
R19	0.020
FP	0.251**
RP	0.169*
RT	0.026
FER	0.042
RER	0.029
Population Pairs	
ID	LRM
FB/RR	0.071
FE/LE	0.024
F19/R19	0.033
FP/RP	0.074
FER/RER	0.035

Table S4 Bayesian estimates of recent migration rates among smooth newt populations using the program BAYESASS 3.0 (Wilson and Rannala 2003). Source populations are listed across the top row; populations receiving immigrants are listed in the left-hand column. Each cell contains the mean migration rate and confidence interval (in brackets) for a pair of populations. Self-assignment rates are listed along the diagonal in italics. Most estimates of interpopulation migration are low, and do not differ significantly from values expected in cases of insufficient signal in the data (noninformative CI: 0-0.037). 20 cases show detectable migration rates, with an estimated mean larger 0.037 (in bold): these cases are immigrations from seven populations (RR, F32, F29, R19, FP, FER and RER), acting as a source for exchange among populations at this scale

Pop ID	FB	RR	FT	FFA	F32	FE	LE	F35	F29	FUA	F23	F11	RIC	FBG	F19	R19	RP	FP	RT	FER	RER
FB	0.675	0.161	0.009	0.009	0.008	0.009	0.009	0.008	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009	0.009
	(0.659-0.692)	(0.111-0.211)	(0-0.025)	(0-0.025)	(0-0.024)	(0-0.025)	(0-0.025)	(0-0.024)	(0-0.025)	(0-0.025)	(0-0.025)	(0-0.025)	(0-0.025)	(0-0.025)	(0-0.025)	(0-0.025)	(0-0.025)	(0-0.025)	(0-0.024)	(0-0.025)	(0-0.026)
RR	0.006	0.850	0.009	0.006	0.009	0.007	0.006	0.006	0.008	0.006	0.006	0.007	0.006	0.006	0.007	0.018	0.008	0.007	0.006	0.008	0.008
	(0-0.018)	(0.802-0.898)	(0-0.024)	(0-0.017)	(0-0.024)	(0-0.020)	(0-0.018)	(0-0.018)	(0-0.025)	(0-0.018)	(0-0.018)	(0-0.019)	(0-0.017)	(0-0.019)	(0-0.019)	(0-0.047)	(0-0.021)	(0-0.021)	(0-0.019)	(0-0.023)	(0-0.022)
FT	0.008	0.008	0.832	0.008	0.010	0.008	0.008	0.009	0.009	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.009	0.010	0.009	0.008	0.008	0.009	0.008
	(0-0.024)	(0-0.024)	(0.781-0.884)	(0-0.023)	(0-0.030)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.025)	(0-0.026)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.025)	(0-0.027)	(0-0.025)	(0-0.023)	(0-0.023)	(0-0.025)	(0-0.024)
FFA	0.008	0.008	0.008	0.675	0.150	0.008	0.008	0.008	0.009	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.019	0.010	0.008	0.008	0.015	0.009
	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0.659-0.690)	(0.069-0.219)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.027)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.025)	(0-0.055)	(0-0.028)	(0-0.025)	(0-0.024)	(0-0.046)	(0-0.025)
F32	0.008	0.015	0.017	0.008	0.804	0.008	0.008	0.008	0.010	0.008	0.009	0.009	0.008	0.009	0.008	0.018	0.009	0.009	0.008	0.010	0.011
	(0-0.024)	(0-0.037)	(0-0.044)	(0-0.024)	(0.745-0.862)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.030)	(0-0.022)	(0-0.025)	(0-0.026)	(0-0.024)	(0-0.025)	(0-0.024)	(0-0.051)	(0-0.025)	(0-0.026)	(0-0.024)	(0-0.030)	(0-0.031)
FE	0.008	0.009	0.008	0.008	0.157	0.675	0.008	0.008	0.013	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.015	0.008	0.008	0.008	0.008	0.009
	(0-0.024)	(0-0.027)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0.108-0.206)	(0.660-0.690)	(0-0.023)	(0-0.023)	(0-0.035)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.039)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.025)	(0-0.023)	(0-0.025)
LE	0.008	0.008	0.008	0.008	0.166	0.008	0.675	0.008	0.010	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.011	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008
	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0.115-0.216)	(0-0.024)	(0.659-0.690)	(0-0.024)	(0-0.029)	(0-0.023)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.030)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.025)	(0-0.024)
F35	0.008	0.008	0.008	0.008	0.161	0.008	0.008	0.675	0.013	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.013	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008
	(0-0.023)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0.107-0.215)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0.659-0.690)	(0-0.035)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.035)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)
F29	0.008	0.009	0.008	0.008	0.018	0.008	0.008	0.008	0.814	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.015	0.010	0.009	0.008	0.011	0.009
	(0-0.023)	(0-0.027)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.049)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.022)	(0.757-0.871)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.025)	(0-0.023)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.043)	(0-0.031)	(0-0.025)	(0-0.023)	(0-0.031)	(0-0.026)
FUA	0.008	0.009	0.008	0.008	0.096	0.008	0.008	0.008	0.041	0.675	0.008	0.009	0.008	0.008	0.008	0.048	0.008	0.008	0.008	0.009	0.009
	(0-0.024)	(0-0.025)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0.038-0.154)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0.02-0.079)	(0.659-0.690)	(0-0.025)	(0-0.023)	(0-0.023)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.095)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.026)	(0-0.025)
F23	0.008	0.008	0.008	0.008	0.101	0.008	0.008	0.008	0.010	0.008	0.675	0.008	0.008	0.008	0.008	0.058	0.011	0.008	0.008	0.024	0.010
	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.023)	(0.018-0.183)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.028)	(0-0.023)	(0.659-0.690)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.143)	(0-0.030)	(0-0.023)	(0-0.023)	(0-0.056)	(0-0.028)
F11	0.008	0.009	0.008	0.008	0.066	0.008	0.008	0.008	0.014	0.008	0.008	0.680	0.008	0.008	0.008	0.099	0.009	0.008	0.008	0.009	0.008
	(0-0.023)	(0-0.027)	(0-0.024)	(0-0.023)	(0-0.164)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.041)	(0-0.023)	(0-0.024)	(0.635-0.725)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.230)	(0-0.027)	(0-0.024)	(0-0.024)	(0-0.026)	(0-0.024)

RIC	0.009	0.009	0.009	0.009	0.027	0.009	0.009	0.009	0.011	0.009	0.009	0.010	0.676	0.009	0.009	0.130	0.010	0.009	0.009	0.011	0.010
	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0.659-	(0-	(0-	0.075-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-
	0.026)	0.026)	0.026)	0.026)	0.061)	0.026)	0.025)	0.026)	0.033)	0.026)	0.026)	0.028)	0.692)	0.025)	0.026)	0.187)	0.030)	0.026)	0.026)	0.032)	0.029)
FBG	0.008	0.008	0.008	0.008	0.015	0.008	0.008	0.009	0.014	0.008	0.008	0.008	0.008	0.675	0.008	0.156	0.008	0.008	0.008	0.009	0.008
	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0.659-	(0-	0.103-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-
	0.023)	0.024)	0.024)	0.024)	0.045)	0.024)	0.024)	0.024)	0.037)	0.024)	0.023)	0.024)	0.024)	0.691)	0.024)	0.209)	0.024)	0.024)	0.024)	0.025)	0.024)
F19	0.008	0.008	0.009	0.008	0.009	0.008	0.008	0.008	0.009	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.675	0.138	0.030	0.008	0.008	0.015	0.009
	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0.659-	0.079-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-
	0.024)	0.024)	0.025)	0.024)	0.025)	0.024)	0.024)	0.024)	0.025)	0.024)	0.025)	0.024)	0.024)	0.024)	0.690)	0.197)	0.068)	0.024)	0.024)	0.044)	0.027)
R19	0.008	0.010	0.014	0.008	0.036	0.009	0.008	0.008	0.012	0.008	0.008	0.008	0.008	0.009	0.008	0.768	0.011	0.019	0.008	0.021	0.010
	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0.705-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-
	0.023)	0.029)	0.039)	0.023)	0.082)	0.024)	0.024)	0.024)	0.033)	0.023)	0.023)	0.024)	0.024)	0.025)	0.024)	0.831)	0.032)	0.045)	0.024)	0.061)	0.030)
RP	0.008	0.008	0.008	0.008	0.013	0.008	0.008	0.008	0.009	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.015	0.779	0.053	0.008	0.009	0.009
	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0.726-	0.008-	(0-	(0-	(0-
	0.024)	0.023)	0.024)	0.024)	0.035)	0.023)	0.024)	0.024)	0.026)	0.023)	0.023)	0.023)	0.024)	0.023)	0.024)	0.040)	0.832)	0.097)	0.023)	0.026)	0.026)
FP	0.008	0.009	0.009	0.008	0.016	0.008	0.008	0.008	0.011	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.008	0.009	0.012	0.820	0.008	0.008	0.008
	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0.767-	(0-	(0-	(0-
	0.023)	0.025)	0.027)	0.023)	0.040)	0.023)	0.024)	0.024)	0.032)	0.024)	0.023)	0.024)	0.023)	0.024)	0.023)	0.026)	0.035)	0.872)	0.024)	0.024)	0.025)
RT	0.007	0.007	0.007	0.007	0.009	0.006	0.007	0.007	0.008	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.007	0.086	0.007	0.007	0.674	0.110	0.011
	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	0.033-	(0-	(0-	(0.660-	0.049-	(0-
	0.019)	0.020)	0.020)	0.020)	0.026)	0.019)	0.020)	0.019)	0.023)	0.020)	0.019)	0.022)	0.019)	0.019)	0.019)	0.140)	0.020)	0.020)	0.688)	0.172)	0.030)
FER	0.006	0.007	0.007	0.006	0.009	0.006	0.006	0.006	0.009	0.006	0.006	0.006	0.006	0.006	0.006	0.025	0.010	0.008	0.006	0.724	0.129
	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0.675-	0.066-	(0.651-
	0.018)	0.019)	0.020)	0.018)	0.026)	0.018)	0.018)	0.018)	0.024)	0.018)	0.017)	0.018)	0.018)	0.018)	0.018)	0.064)	0.028)	0.022)	0.018)	0.772)	0.193)
RER	0.006	0.009	0.007	0.007	0.014	0.006	0.006	0.006	0.030	0.006	0.006	0.006	0.006	0.006	0.006	0.027	0.009	0.011	0.006	0.129	0.688
	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0-	(0.675-	0.066-	(0.651-
	0.018)	0.026)	0.019)	0.019)	0.038)	0.018)	0.018)	0.019)	0.070)	0.019)	0.018)	0.018)	0.018)	0.018)	0.018)	0.019)	0.072)	0.026)	0.033)	0.019)	0.215)

Figure S1 A qualitative descriptor of allele frequency distribution used to infer bottlenecks in 21 smooth newt populations. This method compares allele frequency distribution to the distribution expected at mutation-drift equilibrium (L-shaped distribution).

