

Supplementary Table 1
ENA Accession identifiers

Sample ID	Sample	Seq. depth	% mapped	Lineage	Spoligotype	Family	Drug resist.
Pk_F01	ERS26976205	277	99.13	L3	703600340003771	-	MDR-TB
Pk_F02	ERS26976197	201	99.31	L4.9	477777777760771	T1	MDR-TB
Pk_F03	ERS26976195	155	99.11	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	Pre-XDR-TB
Pk_F06	ERS26976213	245	99.17	L2.2.1	000000000003771	Beijing	Pre-XDR-TB
Pk_F11	ERS26976209	163	98.92	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	Pre-XDR-TB
Pk_F13	ERS26976212	184	99.16	L4.5	577777777420771	Ural-2	Pre-XDR-TB
Pk_F14	ERS26976201	283	99.12	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	Pre-XDR-TB
Pk_F17	ERS26976189	232	99.12	L2.2.1	000000000003771	Beijing	MDR-TB
Pk_F18	ERS26976204	131	99.09	L2.2.1.1	000000000003771	Beijing	Pre-XDR-TB
Pk_F20	ERS26976198	249	98.83	L1.1.3.3	777776757413771	EAI6-BGD1	HR-TB
Pk_F21	ERS26976215	199	99.18	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	MDR-TB
Pk_F23	ERS26976188	202	99.23	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	MDR-TB
Pk_F24	ERS26976203	226	99.19	L2.2.1	000000000003771	Beijing	Pre-XDR-TB
Pk_F25	ERS26976208	264	99.05	L4.2.2.2	77777777760771	T1	Pre-XDR-TB
Pk_F27	ERS26976186	196	99.12	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	XDR-TB
Pk_F29	ERS26976219	178	98.97	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	Pre-XDR-TB
Pk_F30	ERS26976191	197	98.38	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	MDR-TB
Pk_F31	ERS26976217	144	99.02	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	MDR-TB
Pk_F32	ERS26976207	214	99.18	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	Sensitive
Pk_F34	ERS26976206	240	99.21	L4.5	577777777420771	Ural-2	Pre-XDR-TB
Pk_F35	ERS26976218	160	99.11	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	Pre-XDR-TB
Pk_F36	ERS26976192	228	99.31	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	HR-TB
Pk_F37	ERS26976220	152	98.86	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	MDR-TB
Pk_F39	ERS26976210	155	99.01	L4.1.1.1	777776777760601	X2	Pre-XDR-TB
Pk_F40	ERS26976190	166	99.15	L4.3.3	77777600000771	LAM	MDR-TB
Pk_F41	ERS26976187	215	99.29	L3	703775740000171	CAS1-Delhi	Sensitive
Pk_F43	ERS26976199	428	98.92	L3	703777700003771	CAS1-Delhi	MDR-TB
Pk_F44	ERS26976211	156	98.28	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	MDR-TB
Pk_F45	ERS26976214	94	98.62	L3	703777740003611	CAS1-Delhi	MDR-TB
Pk_F46	ERS26976202	168	98.82	L3	703777740003771	CAS1-Delhi	Pre-XDR-TB
Pk_F47	ERS26976216	236	99.19	L4.5	540017377420771	-	Pre-XDR-TB
Pk_F48	ERS26976193	232	99.19	L4.8	77777777760771	T1	RR-TB
Pk_F51	ERS26976196	193	99.07	L4.1.1.1	777776777760601	X2	MDR-TB
Pk_F52	ERS26976200	157	98.93	L2.2.1	000000000003771	Beijing	Pre-XDR-TB
Pk_F53	ERS26976194	119	97.96	L4.2.2.2	77777777760771	T1	MDR-TB

DR, drug resistance; RR-TB, rifampicin-resistant TB; HR-TB, isoniazid-resistant TB; MDR-TB, multidrug-resistant TB; XDR-TB, extensively drug-resistant TB

Supplementary Table 2

For each isolate, established drug resistance (DR) mutations

Sample ID	DR	No. DR Variants	Mutations
Pk_F01	MDR-TB	5	<i>rpoB</i> S450L, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> V180F, <i>embB</i> M306I, <i>gid</i> 115delC
Pk_F02	MDR-TB	5	<i>rpoB</i> S450L, <i>rpsL</i> K43R, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> P54L, <i>embB</i> M306V
Pk_F03	Pre-XDR	7	<i>gyrA</i> D94G, <i>rpoB</i> S450L, <i>rpsL</i> K43R, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> 349dupC, <i>embB</i> M306I, <i>ethA</i> 703delT
Pk_F06	Pre-XDR	7	<i>gyrA</i> D94G, <i>rpoB</i> S450L, <i>rpoC</i> I491T, <i>rrs</i> 514A>C, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> T47P, <i>embB</i> M306V
Pk_F11	Pre-XDR	6	<i>gyrA</i> A90V, <i>rpoB</i> S450L, <i>rrs</i> 514A>C, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> V131F, <i>embB</i> Q497R
Pk_F13	Pre-XDR	9	<i>gyrA</i> A90V, <i>gyrA</i> D94N, <i>gyrA</i> D94G, <i>rpoB</i> S450L, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> H71R, <i>embB</i> M306I, <i>embB</i> G406A, <i>gid</i> 102delG
Pk_F14	Pre-XDR	5	<i>gyrA</i> A90V, <i>rpoB</i> S450L, <i>rrs</i> 906A>G, <i>katG</i> S315T, <i>embB</i> G406A
Pk_F17	MDR-TB	6	<i>rpoB</i> S450L, <i>rpoC</i> I491T, <i>rrs</i> 514A>C, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> T160P, <i>embB</i> M306V
Pk_F18	Pre-XDR	4	<i>gyrA</i> G88C, <i>rpoB</i> S450L, <i>katG</i> S315T, <i>embB</i> G406A, <i>pncA</i> 119_130delACTACCATCACG
Pk_F20	HR-TB	3	<i>gyrA</i> A90V, <i>inhA</i> -777C>T, <i>katG</i> T251M
Pk_F21	MDR-TB	3	<i>rpoB</i> D435Y, <i>rrs</i> 517C>T, <i>katG</i> S315T
Pk_F23	MDR-TB	4	<i>rpoB</i> S450L, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> D8Y, <i>embB</i> D354A
Pk_F24	Pre-XDR	7	<i>gyrA</i> D94G, <i>rpoB</i> S450L, <i>rpoC</i> I491T, <i>rrs</i> 514A>C, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> V180F, <i>embB</i> M306V
Pk_F25	Pre-XDR	5	<i>gyrA</i> D94A, <i>rpoB</i> D435V, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> Y103C, <i>embB</i> M306I
Pk_F27	XDR-TB	5	<i>gyrA</i> A90V, <i>rpoB</i> S450L, <i>mmpR5</i> 138_139dupTG, <i>mmpR5</i> 140dupA, <i>inhA</i> -777C>T
Pk_F29	Pre-XDR	6	<i>gyrA</i> D94Y, <i>rpoB</i> S428R, <i>rpoB</i> H445Y, <i>embB</i> Q497R, <i>katG</i> T376S, <i>katG</i> G299S
Pk_F30	MDR-TB	3	<i>rpoB</i> H445R, <i>katG</i> S315T, <i>embB</i> M306V
Pk_F31	MDR-TB	3	<i>rpoB</i> H445R, <i>katG</i> S315T, <i>embB</i> M306V
Pk_F32	Sensitive	0	-
Pk_F34	Pre-XDR	10	<i>gyrA</i> D94N, <i>rpoB</i> S450L, <i>rrs</i> 514A>C, <i>inhA</i> -777C>T, <i>pncA</i> G78S, <i>ahpC</i> -54C>T, <i>embB</i> M306I, <i>embB</i> G406D, <i>ethA</i> Q269*, <i>gid</i> A200E
Pk_F35	Pre-XDR	7	<i>gyrA</i> D94G, <i>rpoB</i> S450L, <i>rpsL</i> K43R, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> 349dupC, <i>embB</i> M306I, <i>ethA</i> 703delT
Pk_F36	HR-TB	2	<i>gyrA</i> D94G, <i>inhA</i> -777C>T
Pk_F37	MDR-TB	4	<i>rpoB</i> S450W, <i>rpsL</i> K43R, <i>katG</i> S315T, <i>embB</i> G406A
Pk_F39	Pre-XDR	5	<i>gyrA</i> D94G, <i>rpoB</i> S450L, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> Y34S, <i>embB</i> M306I
Pk_F40	MDR-TB	5	<i>rpoB</i> S450L, <i>inhA</i> -154G>A, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> Y34D, <i>embB</i> M306V
Pk_F41	Sensitive	0	-
Pk_F43	MDR-TB	5	<i>rpoB</i> S450L, <i>rrs</i> 517C>T, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> D12A, <i>embB</i> M306L
Pk_F44	MDR-TB	5	<i>rpoB</i> D435F, <i>rrs</i> 514A>C, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> C14G, <i>embB</i> M306I
Pk_F45	MDR-TB	4	<i>rpoB</i> S450L, <i>rpoC</i> D747A, <i>katG</i> S315T, <i>gid</i> 351delG
Pk_F46	Pre-XDR	5	<i>gyrA</i> D94G, <i>rpoB</i> S450L, <i>rpsL</i> K88R, <i>katG</i> S315T, <i>embB</i> D354A
Pk_F47	Pre-XDR	5	<i>gyrA</i> D94A, <i>rpoB</i> S450L, <i>pncA</i> 391dupG, <i>ahpC</i> -52C>T, <i>embB</i> M306I
Pk_F48	RR-TB	4	<i>rpoB</i> S450L, <i>rpsL</i> K88R, <i>eis</i> -10G>A, <i>ethA</i> 754_755dupGC
Pk_F51	MDR-TB	4	<i>rpoB</i> S450L, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> Y34S, <i>embB</i> M306I
Pk_F52	Pre-XDR	8	<i>gyrA</i> S91P, <i>gyrA</i> D94N, <i>rpoB</i> S450L, <i>rpoC</i> I491T, <i>rrs</i> 514A>C, <i>katG</i> S315T, <i>pncA</i> C14Y, <i>embB</i> M306V
Pk_F53	MDR-TB	4	<i>rpoB</i> S450L, <i>katG</i> S315T, <i>embB</i> Q497K, <i>gid</i> 102delG

RR-TB, rifampicin-resistant; HR-TB, isoniazid-resistant; MDR-TB, multidrug-resistant; XDR-TB, extensively drug-resistant.

Supplementary Table 3

Mutations identified in candidate drug resistance loci, with their frequencies in the global dataset*

Gene	Change	N	WHO	Sens.	Pre-MDR-TB	MDR-TB	Pre-XDR-TB	XDR-TB	Other
<i>katG</i>	S315T	26	Y	0	39.24	81.30	84.03	83.92	0
<i>rpoB</i>	S450L	24	Y	0	7.81	64.17	71.93	60.03	0
<i>embB</i>	M306I	10	Y	0	2.28	16.59	21.84	32.10	0.3
<i>embB</i>	M306V	8	Y	0	2.02	22.23	34.56	28.51	0.25
<i>gyrA</i>	D94G	8	Y	0	0.55	0.02	34.04	40.65	1.98
<i>rrs</i>	514A>C	7	Y	0	2.14	5.66	12.14	22.46	2.05
<i>gyrA</i>	A90V	5	Y	0	0.42	0	23.35	17.16	1.32
<i>embA</i>	G759R	4	Y	0	0.01	0.04	0.07	0	0
<i>embB</i>	G406A	4	Y	0	0.31	4.27	3.30	3.19	0.06
<i>inhA</i>	-777C>T	4	Y	0	22.28	20.41	27.95	21.78	0
<i>rpsL</i>	K43R	4	Y	0	13.74	35.78	47.75	39.79	11.14
<i>fbiB</i>	K448R	3	Y	0.71	0.56	0.43	0.65	1.37	0.46
<i>gyrA</i>	D94N	3	Y	0	0.11	0	6.44	8.44	0.46
<i>Rv1258c</i>	P414S	3	Y	0.7	0.48	0.08	0.29	0.06	0.42
<i>embA</i>	-8C>T	2	Y	0	0.04	0.33	0.46	0.40	0
<i>embB</i>	Q497R	2	Y	0	0.61	4.63	9.24	8.89	0.09
<i>embB</i>	D354A	2	Y	0	0.31	3.06	2.40	1.54	0.03
<i>fbiA</i>	T302M	2	Y	0.98	1.5	0.61	0.36	0.34	0.49
<i>gid</i>	R83G	2	Y	0.04	0.06	0.05	0.04	0	0
<i>gid</i>	F12S	2	Y	0.01	0.01	0.02	0.03	0	0
<i>gyrA</i>	D94A	2	Y	0	0.13	0	9.16	9.35	0.29
<i>mshA</i>	A134V	2	Y	0.01	0	0	0	0.23	0.01
<i>pncA</i>	V180F	2	Y	0	0.04	0.2	0.26	0	0
<i>pncA</i>	Y34S	2	Y	0	0	0.03	0.01	0	0
<i>rpoB</i>	H445R	2	Y	0	0.28	1.06	0.70	0.46	0
<i>rpsL</i>	K88R	2	Y	0	4.14	9.66	9.29	6.33	2.08
<i>rrs</i>	517C>T	2	Y	0	0.76	3.77	3.79	4.33	0.75
<i>ahpC</i>	-52C>T	1	Y	0	0.5	0.88	0.60	0.29	0
<i>ahpC</i>	-54C>T	1	Y	0	0.19	0.2	0.26	0.11	0
<i>clpC1</i>	E793K	1	Y	0.01	0	0	0.01	0	0
<i>clpC1</i>	T208I	1	Y	0.01	0	0	0.01	0	0.01
<i>eis</i>	-10G>A	1	Y	0	0.19	1.98	3.73	3.88	0.03
<i>eis</i>	P193S	1	Y	0.04	0	0.01	0.01	0	0.03
<i>embA</i>	N629S	1	Y	0	0	0	0.03	0	0
<i>embA</i>	-11C>T	1	Y	0	0.03	0.29	0.21	0.51	0
<i>embA</i>	A409T	1	Y	0.01	0	0.01	0.01	0	0.01
<i>embA</i>	Q57E	1	Y	0	0	0	0.02	0	0
<i>embB</i>	M306L	1	Y	0	0.18	1.26	1.50	1.60	0.03

<i>embB</i>	F330L	1	Y	0	0.01	0.07	0.14	0.06	0
<i>embB</i>	T546A	1	Y	0.01	0	0	0	0	0
<i>embB</i>	Q497K	1	Y	0	0.19	0.96	1.42	4.28	0.17
<i>embB</i>	G406D	1	Y	0	0.74	2.88	2.36	1.31	0.06
<i>embC</i>	-467C>A	1	Y	0.11	0.09	0.01	0.01	0	0.11
<i>ethA</i>	C137R	1	Y	0	0.10	0.18	0.29	0.17	0
<i>ethA</i>	Q269*	1	Y	0	0	0.10	0.07	0.06	0
<i>fgd1</i>	T255A	1	Y	0.04	0.04	0	0.01	0	0.03
<i>gid</i>	A205E	1	Y	0	0	0.02	0.01	0	0
<i>gid</i>	L44P	1	Y	0.01	0.02	0.02	0.01	0.06	0
<i>gid</i>	D85A	1	Y	0.01	0.01	0.02	0.01	0	0.01
<i>gid</i>	T146P	1	Y	0	0	0.01	0	0	0.01
<i>gid</i>	L145S	1	Y	0.01	0	0.06	0	0	0.01
<i>gid</i>	V88A	1	Y	0.01	0.04	0.05	0	0	0
<i>gid</i>	G117R	1	Y	0.03	0.11	0.10	0.05	0.06	0.01
<i>gid</i>	L142S	1	Y	0	0	0.01	0	0	0
<i>gid</i>	A200E	1	Y	0	0.01	0.07	0.06	0	0.08
<i>gid</i>	S70I	1	Y	0.01	0.06	0.01	0	0	0
<i>gyrA</i>	S91P	1	Y	0	0.05	0	5.15	5.87	0.4
<i>gyrA</i>	L346V	1	Y	0.05	0.01	0.01	0.04	0	0.01
<i>gyrA</i>	G88C	1	Y	0	0	0	0.91	0.63	0.09
<i>gyrA</i>	D94Y	1	Y	0	0.14	0	3.72	5.07	0.24
<i>gyrB</i>	A398V	1	Y	0.06	0.04	0.01	0	0	0.03
<i>gyrB</i>	S363R	1	Y	0.01	0	0	0.01	0	0
<i>gyrB</i>	S629A	1	Y	0	0	0	0	0	0.01
<i>inhA</i>	-100C>A	1	Y	0.02	0.05	0.1	0.22	0.34	0.01
<i>inhA</i>	-154G>A	1	Y	0	3.41	2.64	3.21	4.85	0.01
<i>katG</i>	T251M	1	Y	0	0	0.01	0	0	0
<i>katG</i>	-482T>G	1	Y	0	0.01	0	0.01	0	0
<i>katG</i>	Q679Y	1	Y	0	0	0	0	0	0
<i>katG</i>	F272L	1	Y	0	0.01	0	0	0.06	0
<i>katG</i>	G299S	1	Y	0	0.06	0.01	0.03	0	0
<i>katG</i>	A109T	1	Y	0.01	0.09	0.11	0.18	0	0
<i>mmpL5</i>	E552G	1	Y	0.11	0.09	0.01	0.01	0	0.11
<i>mshA</i>	-632G>A	1	Y	0.01	0.01	0.01	0.03	0.34	0
<i>pepQ</i>	R7Q	1	Y	0.07	0.06	0.03	0.03	0	0.09
<i>pncA</i>	C14Y	1	Y	0	0.01	0.04	0.22	0.06	0
<i>pncA</i>	H71R	1	Y	0	0.03	0.4	0.68	0.34	0.01
<i>pncA</i>	V131F	1	Y	0	0	0.03	0.03	0.23	0
<i>pncA</i>	D12A	1	Y	0	0.04	0.47	0.54	0.06	0.07
<i>pncA</i>	T47P	1	Y	0	0	0.09	0.17	0	0
<i>pncA</i>	P54L	1	Y	0	0.01	0.28	0.42	0.34	0.01

<i>pncA</i>	T160P	1	Y	0	0.01	0.24	0.20	0.63	0
<i>pncA</i>	Y34D	1	Y	0	0.01	0.37	0.17	0.51	0
<i>pncA</i>	G78S	1	Y	0	0	0.04	0.12	0	0
<i>pncA</i>	D8Y	1	Y	0	0	0.02	0.01	0	0
<i>pncA</i>	C14G	1	Y	0	0.02	0.20	0.27	0.4	0
<i>pncA</i>	Y103C	1	Y	0	0.01	0.08	0.15	0.11	0
<i>rpoB</i>	R552L	1	Y	0	0	0.10	0.12	0.06	0
<i>rpoB</i>	S428R	1	Y	0	0	0.05	0.02	0	0
<i>rpoB</i>	H445Y	1	Y	0	2.4	3.86	2.06	2.51	0
<i>rpoB</i>	D435Y	1	Y	0	0.83	2.48	1.84	4.16	0
<i>rpoB</i>	I488V	1	Y	0	0.01	0.39	0.3	0.17	0
<i>rpoB</i>	S450W	1	Y	0	0.31	1.39	0.77	0.40	0
<i>rpoB</i>	D435F	1	Y	0	0.11	0.36	0.29	0	0
<i>rpoB</i>	D435V	1	Y	0	0.41	7.01	7.86	15.79	0
<i>rrl</i>	2295A>C	1	Y	0	0	0	0	0.46	0
<i>rrl</i>	2262C>A	1	Y	0.01	0.02	0	0	0	0
<i>rrl</i>	1351C>A	1	Y	0.06	0.05	0.01	0.01	0.06	0.05
<i>rrl</i>	2050T>C	1	Y	0.03	0.02	0.02	0.01	0	0.01
<i>rrs</i>	906A>G	1	Y	0	0.12	0.58	0.60	0.86	0.05
<i>Rv1258c</i>	P369T	1	Y	0.02	0.01	0.01	0.05	0.11	0
<i>Rv1979c</i>	A66V	1	Y	0	0	0	0.01	0.06	0.01
<i>ubiA</i>	A237V	1	Y	0	0.02	0.44	0.37	0.17	0
<i>whiB7</i>	P11S	1	Y	0.05	0	0.01	0.02	0	0
<i>rrs</i>	-187C>T	35	N	99.89	99.94	99.94	99.82	99.94	99.89
<i>ald</i>	-32T>C	30	N	82.55	85.16	90.11	94.93	95.27	89.95
<i>panD</i>	-591C>T	19	N	11.1	7.62	4.51	4.95	8.38	7.98
<i>pncA</i>	-125delC	19	N	11.33	7.83	4.5	4.97	8.55	8.01
<i>alr</i>	-125G>A	10	N	0	0	0	0	0	0
<i>mmpS5</i>	-710C>G	5	N	21.71	30.38	45.26	67.3	61.86	19.12
<i>Rv1258c</i>	580_581insC	5	N	20.56	28.6	42.11	57.70	39.45	18.53
<i>mmaA3</i>	441C>T	4	N	0.03	0	0.05	0.07	0	0.01
<i>ald</i>	Q56H	2	N	0.62	0.4	0.22	0.31	0.57	0.38
<i>ald</i>	-78A>C	2	N	2.71	3.38	6.72	4.06	2.05	1.68
<i>alr</i>	765T>C	2	N	0	0	0	0	0	0
<i>ethA</i>	703delT	2	N	0	0.02	0.21	0.48	0.06	0
<i>fbiD</i>	216G>A	2	N	0.02	0.10	0	0.01	0	0
<i>gid</i>	102delG	2	N	0	2.29	1.43	1.72	2.17	3.2
<i>inhA</i>	-834A>G	2	N	0.04	0.02	0.01	0.02	0	0.01
<i>pncA</i>	349dupC	2	N	0	0	0.01	0.01	0	0
<i>ribD</i>	E27D	2	N	0	0.01	0	0.01	0	0
<i>rplC</i>	-590T>C	2	N	3.76	3.87	2.92	3.58	4.10	2.03
<i>rplC</i>	-605T>C	2	N	2.7	3.38	6.77	4.10	2.11	1.68

<i>rpoB</i>	A420V	2	N	0	0	0	0	0	0
<i>Rv1258c</i>	225G>A	2	N	0	0	0	0	0	0
<i>ahpC</i>	-142G>A	1	N	11.45	11.44	4.60	1.29	3.36	7.38
<i>ald</i>	A183V	1	N	0.01	0.01	0.04	0.12	0.06	0
<i>ald</i>	-80delA	1	N	0	0.01	0	0.06	0	0.01
<i>alr</i>	-1C>A	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>alr</i>	-198C>A	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>alr</i>	-265_-264insC	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>clpC1</i>	2013C>T	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>ddn</i>	456A>C	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>embA</i>	V389M	1	N	0	0	0.02	0	0	0
<i>embA</i>	Q756P	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>embB</i>	2532G>A	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>ethA</i>	754_755dupGC	1	N	0	0.03	0.08	0.19	0	0.01
<i>ethA</i>	E427V	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>ethA</i>	L348R	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>fbiA</i>	-169A>G	1	N	0.02	0.04	0.01	0.01	0.29	0.06
<i>fbiA</i>	-37G>T	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>fgd1</i>	-224G>A	1	N	0.01	0	0	0.03	0.34	0
<i>gid</i>	351delG	1	N	0	1.18	1.06	0.6	0.57	1.82
<i>gid</i>	115delC	1	N	0	0.81	1.01	0.67	1.25	2.59
<i>gyrA</i>	906T>C	1	N	0	0	0	0	0	0.01
<i>gyrB</i>	F383V	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>gyrB</i>	H263R	1	N	0	0.01	0	0	0	0
<i>inhA</i>	51C>T	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>kasA</i>	18C>T	1	N	13	15.09	5.35	1.31	3.59	48.61
<i>kasA</i>	G269S	1	N	4.84	5.09	8.94	6.03	4.45	1.83
<i>katG</i>	R187Q	1	N	0	0.01	0	0	0	0
<i>katG</i>	T376S	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>mmpR5</i>	P14S	1	N	0	0	0	0.01	0	0
<i>mmpR5</i>	138_139dupTG	1	N	0	0	0	0	0.80	0
<i>mmpR5</i>	140dupA	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>mmpR5</i>	-4131_*138del	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>mshA</i>	R256Q	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>panD</i>	-384C>T	1	N	0	0.01	0	0	0	0
<i>pncA</i>	391dupG	1	N	0	0.01	0.18	0.59	0.57	0
<i>pncA</i>	119_130delAC TACCATCACG	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>ribD</i>	349C>T	1	N	0.07	0.04	0.01	0.03	0	0.05
<i>rpsL</i>	-259C>T	1	N	0.92	2.07	0.56	0.37	0.40	0.27
<i>rrs</i>	187_196dupGA TGCATGTC	1	N	0	0	0	0	0	0
<i>thyA</i>	T22N	1	N	0	0	0.01	0.01	0.23	0

<i>thyA</i>	A262V	1	N	0.01	0	0.04	0.05	0.06	0.01
<i>thyA</i>	T202A	1	N	13.73	11.57	15.95	8.97	7.58	3.20
<i>thyA</i>	-42C>G	1	N	0	0	0.01	0.06	0.34	0
<i>thyX</i>	-9G>A	1	N	0.01	0.17	0.46	0.90	0.91	0.02
<i>tlyA</i>	-141T>G	1	N	0.01	0	0	0.01	0	0.01
<i>whiB7</i>	-193C>T	1	N	0	0	0	0	0	0

WHO refers to presence in their mutation list; RR-TB, rifampicin-resistant TB; HR-TB, isoniazid-resistant TB; MDR-TB, multidrug-resistant TB; XDR-TB, extensively drug-resistant TB; * N=152,408