

	p_val	avg_log2FC	pct.1	pct.2	p_val_adj
Sod1.1	9.01E-39	1.23340566	1	0.617	2.45E-34
Plp1.1	3.71E-17	-0.6765384	0.703	0.957	1.01E-12
Snhg11.1	8.07E-13	-0.5615466	0.595	0.904	2.19E-08
Stmn1.1	1.80E-11	0.79385406	0.541	0.139	4.88E-07
Jarid2.1	2.33E-10	-0.6955284	0.306	0.67	6.33E-06
Mbp.1	8.19E-10	-0.4177036	0.784	0.983	2.23E-05
Ftl1.1	2.05E-09	-0.6605076	0.027	0.33	5.58E-05
Cldn11.1	5.41E-09	-0.67661	0.207	0.53	0.00014701
1110008P14F	7.83E-09	-0.5637252	0.414	0.722	0.00021268
Filip1l.1	5.07E-08	-0.2638908	0.856	0.93	0.00137702
Mobp.1	1.54E-07	-0.4519362	0.613	0.826	0.00419162
Cnp.1	2.01E-07	-0.5848487	0.243	0.583	0.00545492
Scg5.1	3.44E-07	-0.4340378	0.577	0.809	0.00935416
Gm2000.1	3.58E-07	0.40460385	0.757	0.53	0.00972755
Rabgef1.1	5.94E-07	0.53561465	0.414	0.122	0.01613644
Mag.1	2.27E-06	-0.5949732	0.234	0.504	0.06175448
Rps24.1	2.43E-06	0.2734582	0.973	0.835	0.06593609
Bsg.1	3.09E-06	-0.3652711	0.667	0.852	0.08402994
Gsn.1	4.15E-06	-0.4795573	0.027	0.235	0.1127626
Rpl3.1	1.16E-05	0.29270559	0.883	0.73	0.31615721
Mal.1	1.35E-05	-0.5558394	0.27	0.496	0.3679822
Pex14.1	1.50E-05	-0.3455804	0	0.157	0.40881721
Pld3.1	1.52E-05	-0.4734468	0.351	0.574	0.41216534
Gm21988.1	1.68E-05	-0.3656052	0.586	0.765	0.45604172
Rpl37.1	1.81E-05	0.27857557	0.991	0.817	0.4906171
Rps8.1	2.00E-05	0.28723203	0.91	0.748	0.54289789
Rps6.1	2.76E-05	0.43390967	0.486	0.217	0.74956064
Slc22a17.1	3.19E-05	-0.3732486	0.459	0.661	0.86829539
Tubb4a.1	3.27E-05	-0.45807	0.216	0.461	0.88940147
Stmn4.1	3.37E-05	-0.4044977	0.396	0.635	0.91656111
Syt11.1	4.18E-05	-0.2887885	0.712	0.817	1
Rpl36a.1	4.32E-05	0.32919049	0.784	0.6	1
Kndc1.1	4.63E-05	-0.4792803	0.108	0.322	1
Dennd6b.1	4.79E-05	-0.3827054	0.036	0.217	1
Npy.1	8.26E-05	-0.5098932	0.198	0.435	1
Tspan2.1	9.63E-05	-0.4556309	0.135	0.339	1
Plip.1	9.83E-05	-0.4094592	0.081	0.278	1
Ppp1r14a.1	0.00014587	-0.3872708	0.063	0.243	1
Snrpd1.1	0.0001816	0.39177255	0.369	0.148	1
Pttg1.1	0.00021348	-0.2847202	0.009	0.139	1
Sema4d.1	0.000225	-0.2811737	0.009	0.139	1
Atp5d.1	0.00023859	-0.3272444	0.523	0.687	1
Cnbp.1	0.00024279	0.40176682	0.559	0.322	1
Mog.1	0.00026158	-0.4275461	0.108	0.287	1
Ppp3ca.1	0.00027876	0.33012172	0.802	0.617	1
Trf.1	0.00028053	-0.4165664	0.153	0.374	1
Ptma.1	0.00028294	0.37261197	0.604	0.374	1
Cdk5.1	0.00029842	-0.380031	0.189	0.391	1
Rpl35.1	0.00030761	0.36897341	0.631	0.391	1
Cirbp.1	0.00030802	0.27400724	0.171	0.026	1

Klhl9.1	0.00033954	0.35140754	0.261	0.078	1
Rpl9-ps6.1	0.00036052	0.34966661	0.676	0.426	1
Mapk1.1	0.00038368	0.38534764	0.532	0.304	1
Rps4x.1	0.00040151	0.3703286	0.568	0.339	1
Ugt8a.1	0.00044436	-0.366704	0.063	0.226	1
Gm36264.1	0.00050476	0.32110755	0.324	0.13	1
Ttr.1	0.0005844	-0.2870678	0.649	0.783	1
Pfdn5.1	0.000638	0.32560352	0.694	0.496	1
Rtraf.1	0.00064345	0.34760716	0.342	0.139	1
Rps7.1	0.00066293	0.27528036	0.82	0.661	1
Atp1a3.1	0.00066839	-0.2805561	0.64	0.809	1
Rpl14.1	0.00066888	0.28343696	0.739	0.626	1
Vamp2.1	0.00071753	-0.2625051	0.631	0.774	1
Rpl8.1	0.00075982	0.28883591	0.82	0.652	1
Rps18.1	0.00078177	0.31304991	0.766	0.565	1
Dgke.1	0.00078393	0.28284325	0.153	0.026	1
Polr2m.1	0.00078857	0.37572706	0.36	0.165	1
Rpl29.1	0.00081222	-0.3604484	0.216	0.417	1
Arhgap20.1	0.00082334	0.32871186	0.18	0.043	1
Abcb7.1	0.00092339	-0.3708697	0.09	0.243	1
Pja2.1	0.00097453	0.33023126	0.613	0.409	1
Ptgds.1	0.00098298	-0.2557109	0.739	0.809	1
CT025619.1.1	0.00110116	-0.251604	0.009	0.113	1
Aplp1.1	0.00113368	-0.2743814	0.577	0.722	1
Map4.1	0.00134573	-0.3192961	0.45	0.591	1
Nrgn.1	0.00161545	-0.2880057	0.694	0.852	1
Rps15a.1	0.00168747	0.28449987	0.802	0.6	1
Ndufb8.1	0.00168747	0.25603441	0.829	0.687	1
Calr.1	0.00169788	-0.3113813	0.333	0.522	1
Dnaja1.1	0.00176344	0.31828926	0.559	0.357	1
Pde10a.1	0.00177926	0.35374013	0.369	0.183	1
Ckmt1.1	0.00184105	-0.3806542	0.27	0.443	1
Egln2.1	0.00184129	-0.3306477	0.144	0.313	1
Ednrb.1	0.00186325	0.26842989	0.153	0.035	1
Enpp2.1	0.00209144	-0.3650803	0.297	0.487	1
Fa2h.1	0.00212623	-0.290362	0.045	0.174	1
Commd1.1	0.00214663	0.28926387	0.252	0.096	1
Mrps14.1	0.00216307	0.3099865	0.396	0.191	1
Kcnj9.1	0.00223929	-0.263976	0.036	0.157	1
Msantd4.1	0.00224613	0.32075395	0.234	0.087	1
Fbxo2.1	0.00240145	-0.3433312	0.117	0.27	1
Nrxn2.1	0.002508	-0.3216446	0.288	0.478	1
Cck.1	0.00252788	-0.3068541	0.568	0.678	1
Hnrnpc.1	0.0026072	0.31082128	0.36	0.174	1
Meis2.1	0.00262777	0.27497873	0.198	0.061	1
Ppp2r2a.1	0.00264828	0.27356828	0.162	0.043	1
Slc35f1.1	0.00267806	-0.2898144	0.063	0.2	1
Saraf.1	0.00271376	0.31413036	0.505	0.304	1
Hdac11.1	0.0028149	-0.3266977	0.405	0.583	1
Id4.1	0.00282137	0.2851438	0.297	0.122	1
Map1a.1	0.00282495	-0.3088328	0.405	0.583	1

Ssu72.1	0.0029275	0.31535156	0.45	0.261	1
Hbb-bs.1	0.00294837	0.2991235	0.45	0.235	1
Rpl27.1	0.0029568	0.250083	0.721	0.583	1
Ttc17.1	0.00296874	0.26475381	0.162	0.043	1
Dnajc5.1	0.00315081	-0.3468346	0.261	0.443	1
Snx3.1	0.00332961	0.30701637	0.378	0.191	1
Vmp1.1	0.00335642	0.29669298	0.622	0.365	1
H2afj.1	0.00379669	-0.3229596	0.324	0.461	1
Eci2.1	0.00381113	0.25592134	0.162	0.043	1
Impact.1	0.00385379	0.29367134	0.64	0.435	1
Gbf1.1	0.00403515	-0.3096663	0.072	0.2	1
Rrm2b.1	0.00408387	0.30968487	0.387	0.235	1
Fam92a.1	0.00409013	0.34066278	0.252	0.113	1
Adnp.1	0.00412322	0.29929848	0.279	0.122	1
Gcsh.1	0.00423207	0.30157226	0.288	0.13	1
Cacnb3.1	0.00434901	-0.3552952	0.198	0.348	1
Gm11808.1	0.00450655	0.27671037	0.252	0.104	1
Matr3.1	0.00456264	0.30526236	0.55	0.357	1
Ttyh1.1	0.0045776	-0.2893703	0.432	0.591	1
B4galt2.1	0.00465967	-0.2954426	0.081	0.209	1
Ctnna1.1	0.00472287	0.25908205	0.171	0.052	1
Sipa1l1.1	0.00476258	0.26750352	0.261	0.104	1
Adora1.1	0.00480648	-0.3003374	0.081	0.209	1
Nbea.1	0.00491394	0.28003701	0.243	0.104	1
Slc10a4.1	0.00497103	0.28306815	0.225	0.087	1
Eno2.1	0.00513916	-0.2724006	0.459	0.557	1
Cd9.1	0.00519234	-0.2766355	0.063	0.183	1
Atp5f1.1	0.00539025	0.26414666	0.811	0.6	1
D130009I18R	0.00542227	-0.3030683	0.126	0.261	1
Ndufv2.1	0.00545097	0.27522613	0.586	0.409	1
Pdlim2.1	0.00547505	-0.2805056	0.09	0.226	1
St13.1	0.0056186	0.28291504	0.414	0.217	1
Epas1.1	0.00566886	-0.2873959	0.144	0.296	1
Nalcn.1	0.00571584	-0.3185388	0.09	0.217	1
1110004F10R	0.0058814	0.31149833	0.324	0.165	1
Pde1b.1	0.00590267	0.29807363	0.306	0.157	1
Naa38.1	0.00595124	0.30047912	0.505	0.322	1
Josd2.1	0.00595693	-0.2931429	0.081	0.209	1
Slc25a23.1	0.00611532	0.25352538	0.243	0.104	1
Dapk1.1	0.00654834	0.27116704	0.288	0.139	1
Cacybp.1	0.00656688	0.29266615	0.477	0.296	1
Orc5.1	0.00668469	0.26509463	0.45	0.278	1
Syp.1	0.00669026	-0.2992263	0.36	0.504	1
Fam174a.1	0.00671838	0.29236898	0.315	0.165	1
Atp1a2.1	0.00693969	-0.2542381	0.586	0.713	1
Prkaca.1	0.00746338	-0.3047115	0.216	0.357	1
Rnf220.1	0.00759318	0.30583572	0.333	0.183	1
Nrep.1	0.00761035	-0.2685297	0.099	0.226	1
Vtn.1	0.00784038	-0.2934039	0.045	0.148	1
Kcnab1.1	0.00789848	0.28477356	0.288	0.139	1
Rapgef4.1	0.00802797	0.29106771	0.288	0.148	1

Ndufb4.1	0.00802979	0.28004594	0.55	0.365	1
Fabp3.1	0.00809039	-0.3084518	0.252	0.4	1
Tnrc6c.1	0.00810847	0.2542437	0.189	0.07	1
Hmgcs1.1	0.00839622	-0.2988325	0.297	0.452	1
Map7d2.1	0.00849863	0.27927222	0.387	0.209	1
Faim2.1	0.00868999	-0.2974424	0.306	0.443	1
Cap1.1	0.00875619	-0.2614177	0.09	0.217	1
Gng2.1	0.00894964	0.26493941	0.342	0.174	1
Blcap.1	0.00898888	0.25768914	0.279	0.13	1
Add1.1	0.00900729	0.26406914	0.27	0.13	1
Nptx1.1	0.0091584	0.25231395	0.216	0.087	1
Tmem240.1	0.00919363	-0.257342	0.063	0.174	1
Srcin1.1	0.00933986	-0.2641519	0.108	0.235	1
Plekhb2.1	0.00948457	0.26421777	0.351	0.2	1
Bex3.1	0.00954995	-0.2677195	0.441	0.591	1
Coa3.1	0.0096652	0.29347083	0.423	0.261	1
Polr2c.1	0.00994186	0.27010248	0.207	0.087	1
Sod1.1	0	1.3468435	0.999	0.507	0
Bc1.1	5.19E-238	0.25409318	0.999	0.987	1.41E-233
Ftl1.1	1.06E-135	-0.7922237	0.028	0.387	2.89E-131
Stmn1.1	1.54E-100	0.68789993	0.436	0.119	4.19E-96
Jarid2.1	5.11E-99	-0.6460234	0.331	0.679	1.39E-94
Plp1.1	8.22E-98	-0.4757773	0.721	0.919	2.23E-93
Hspa8.1	1.12E-96	-0.339124	0.772	0.93	3.05E-92
Snhg11.1	3.05E-76	-0.4514302	0.519	0.786	8.29E-72
Rpl37.1	6.46E-74	0.25080473	0.935	0.853	1.76E-69
Mag.1	6.56E-68	-0.5690411	0.259	0.558	1.78E-63
Mal.1	7.66E-52	-0.5029155	0.274	0.525	2.08E-47
Gm21988.1	3.17E-50	-0.3951993	0.453	0.688	8.62E-46
Cldn11.1	8.29E-45	-0.4656479	0.219	0.441	2.25E-40
Gm2000.1	1.38E-43	0.3256526	0.699	0.52	3.75E-39
Rps19.1	4.20E-41	0.2936769	0.779	0.634	1.14E-36
1110008P14F	5.85E-40	-0.3922329	0.387	0.609	1.59E-35
D130009I18R	1.55E-39	-0.4128225	0.12	0.309	4.22E-35
Tubb2a.1	1.72E-39	-0.310412	0.6	0.786	4.67E-35
Mog.1	2.04E-39	-0.3937345	0.075	0.244	5.54E-35
Abcb7.1	5.62E-39	-0.3731574	0.068	0.233	1.53E-34
Rabgef1.1	4.99E-38	0.37894143	0.297	0.12	1.36E-33
Rpl14.1	8.15E-38	0.29582671	0.72	0.591	2.21E-33
Cnp.1	2.73E-35	-0.4032651	0.285	0.491	7.42E-31
Ptms.1	9.62E-33	-0.2825413	0.598	0.758	2.61E-28
Rpl26.1	1.33E-32	0.30000492	0.673	0.523	3.61E-28
Scg5.1	8.97E-32	-0.3264695	0.452	0.638	2.44E-27
Rpl29.1	2.44E-31	-0.3435583	0.21	0.408	6.63E-27
Gp1bb.1	1.26E-30	-0.313056	0.485	0.666	3.43E-26
Rpl34.1	1.30E-30	0.30179076	0.647	0.49	3.54E-26
Bsg.1	1.90E-30	-0.2792859	0.611	0.788	5.15E-26
Pdlim2.1	4.48E-30	-0.3341835	0.08	0.23	1.22E-25
H2afj.1	1.44E-29	-0.3389559	0.31	0.508	3.91E-25
Gamt.1	9.29E-29	-0.3035085	0.057	0.188	2.52E-24
Npy.1	1.64E-27	-0.3625033	0.231	0.411	4.46E-23

Enpp2.1	3.21E-27	-0.3480621	0.299	0.492	8.72E-23
Cd81.1	9.09E-27	-0.2624952	0.591	0.745	2.47E-22
Ap2s1.1	2.63E-26	-0.3027339	0.394	0.588	7.14E-22
Lamp1.1	2.73E-26	-0.2922679	0.47	0.645	7.42E-22
Ugt8a.1	3.62E-26	-0.3057215	0.079	0.213	9.85E-22
Syt11.1	1.01E-25	-0.2503439	0.599	0.736	2.75E-21
Atp5d.1	1.28E-25	-0.2862409	0.474	0.652	3.47E-21
Hbb-bs.1	1.98E-25	0.35543	0.474	0.303	5.39E-21
Arpc4.1	1.23E-24	-0.3229403	0.234	0.399	3.34E-20
Meg3.1	3.31E-24	-0.2661156	0.527	0.698	8.99E-20
Rpl35.1	1.09E-23	0.26574123	0.605	0.459	2.96E-19
Csf1r.1	1.10E-23	-0.3300715	0.257	0.419	2.99E-19
Fkbp1a.1	1.99E-23	-0.2649924	0.521	0.692	5.40E-19
Cck.1	3.48E-23	-0.2501741	0.607	0.745	9.46E-19
Sirt2.1	9.33E-23	-0.2981591	0.191	0.351	2.54E-18
Gsn.1	1.27E-22	-0.2857615	0.088	0.213	3.45E-18
Hba-a1.1	3.37E-22	0.34454728	0.325	0.18	9.16E-18
Cap1.1	1.51E-21	-0.2544794	0.06	0.167	4.11E-17
Fscn1.1	2.63E-21	-0.2787129	0.152	0.293	7.15E-17
Pld3.1	4.84E-21	-0.2912597	0.33	0.488	1.32E-16
Grb14.1	5.79E-20	-0.2802257	0.109	0.23	1.57E-15
Hdac11.1	9.91E-20	-0.2782163	0.307	0.469	2.69E-15
Gm10260.1	1.75E-19	-0.2638971	0.204	0.35	4.76E-15
Cdk5r2.1	2.72E-19	-0.2697597	0.27	0.418	7.39E-15
Lingo1.1	2.90E-19	-0.2823375	0.314	0.462	7.87E-15
Josd2.1	2.96E-19	-0.2510947	0.101	0.219	8.03E-15
Ttc9b.1	4.39E-19	-0.2777825	0.323	0.47	1.19E-14
Edf1.1	1.18E-18	-0.2560098	0.404	0.552	3.21E-14
Syp.1	1.26E-18	-0.2634847	0.247	0.395	3.42E-14
Kctd17.1	5.48E-18	-0.2604816	0.324	0.468	1.49E-13
Atox1.1	5.86E-18	-0.2596679	0.336	0.481	1.59E-13
Dbp.1	9.47E-18	-0.2689211	0.225	0.363	2.57E-13
Kcnj10.1	4.49E-16	-0.2624486	0.21	0.336	1.22E-11
Sst.1	1.30E-15	-0.2605448	0.409	0.549	3.53E-11
Sod1.1	0	1.34119643	1	0.541	0
Stmn1.1	0	0.84776059	0.594	0.157	0
Hspa8.1	0	-0.3225174	0.842	0.973	0
Plp1.1	0	-0.5266109	0.647	0.919	0
Ftl1.1	0	-0.6523009	0.018	0.326	0
Jarid2.1	8.18E-301	-0.6099833	0.331	0.679	2.22E-296
Snhg11.1	8.65E-283	-0.4121745	0.654	0.884	2.35E-278
1110008P14F	3.80E-247	-0.4735992	0.535	0.801	1.03E-242
Scg5.1	2.54E-228	-0.4225545	0.595	0.838	6.92E-224
Gm21988.1	1.02E-198	-0.4041278	0.531	0.783	2.76E-194
Mag.1	9.18E-189	-0.5062143	0.199	0.479	2.50E-184
Abcb7.1	1.06E-164	-0.4056834	0.08	0.279	2.89E-160
Rabgef1.1	2.57E-157	0.42481155	0.36	0.15	6.98E-153
Cck.1	2.89E-147	-0.2661342	0.785	0.907	7.86E-143
Ptms.1	1.59E-144	-0.2912758	0.684	0.847	4.31E-140
Gm2000.1	2.04E-141	0.31096703	0.705	0.546	5.54E-137
Gp1bb.1	6.56E-139	-0.3166325	0.633	0.816	1.78E-134

Rpl26.1	5.87E-134	0.34885143	0.685	0.511	1.59E-129
Tubb2a.1	9.24E-131	-0.2764776	0.71	0.874	2.51E-126
Rps7.1	2.64E-127	0.28797513	0.76	0.624	7.17E-123
Cldn11.1	1.14E-121	-0.3820917	0.155	0.357	3.11E-117
D130009I18R	2.54E-121	-0.3765209	0.104	0.295	6.90E-117
Syp.1	9.86E-117	-0.3691178	0.36	0.588	2.68E-112
Pld3.1	1.27E-115	-0.3646588	0.395	0.603	3.44E-111
Lingo1.1	4.26E-108	-0.3287696	0.504	0.694	1.16E-103
Rps19.1	6.68E-106	0.26188511	0.771	0.649	1.82E-101
Npy.1	6.13E-99	-0.3654377	0.28	0.48	1.67E-94
Cdk5r2.1	6.50E-97	-0.3398161	0.367	0.566	1.77E-92
Rpl14.1	1.24E-95	0.26445015	0.727	0.606	3.36E-91
Cnp.1	7.55E-95	-0.3540006	0.206	0.405	2.05E-90
Rpl29.1	4.86E-94	-0.3463372	0.211	0.413	1.32E-89
Mal.1	2.51E-91	-0.3712508	0.193	0.392	6.81E-87
Fkbp1a.1	3.11E-90	-0.2709024	0.623	0.805	8.45E-86
Ttc9b.1	6.30E-86	-0.3075857	0.47	0.659	1.71E-81
Bsg.1	4.19E-85	-0.2565133	0.642	0.81	1.14E-80
Prkar1b.1	6.12E-85	-0.284763	0.55	0.722	1.66E-80
Atp5d.1	5.08E-84	-0.2754038	0.556	0.735	1.38E-79
Snap47.1	1.28E-81	-0.2885424	0.477	0.658	3.49E-77
Fscn1.1	1.55E-80	-0.3037183	0.185	0.35	4.22E-76
Rpl34.1	3.50E-80	0.26298561	0.658	0.533	9.50E-76
Fxyd7.1	8.75E-79	-0.313486	0.258	0.441	2.38E-74
Dctn2.1	9.96E-78	-0.2832354	0.447	0.62	2.71E-73
Stmn4.1	9.91E-77	-0.2884505	0.482	0.658	2.69E-72
Cap1.1	6.74E-76	-0.2844476	0.075	0.205	1.83E-71
Rgs4.1	1.08E-74	-0.3222422	0.281	0.469	2.94E-70
Ap2s1.1	3.68E-73	-0.2696342	0.491	0.667	1.00E-68
Arpc4.1	8.45E-72	-0.3043317	0.276	0.448	2.30E-67
Rpl35.1	1.31E-70	0.25294998	0.595	0.463	3.57E-66
Atp5g1.1	4.84E-68	-0.264397	0.493	0.656	1.32E-63
H2afj.1	7.42E-68	-0.2732331	0.361	0.536	2.02E-63
Mobp.1	1.62E-63	-0.2635542	0.541	0.714	4.39E-59
Ckmt1.1	1.56E-62	-0.277039	0.303	0.466	4.24E-58
Enpp2.1	5.74E-61	-0.2778966	0.282	0.448	1.56E-56
Kctd17.1	9.89E-61	-0.2770283	0.396	0.568	2.69E-56
Atox1.1	1.04E-59	-0.2687485	0.36	0.526	2.82E-55
Mllt11.1	2.65E-57	-0.2563788	0.379	0.536	7.21E-53
Nrep.1	4.06E-57	-0.2709613	0.107	0.235	1.10E-52
C1qtnf4.1	6.03E-57	-0.2605681	0.365	0.524	1.64E-52
Synpo.1	5.20E-56	-0.2531025	0.192	0.326	1.41E-51
Lin7b.1	1.20E-55	-0.2602184	0.215	0.361	3.25E-51
Lamp1.1	3.38E-55	-0.2591053	0.43	0.595	9.18E-51
Miat.1	4.78E-54	-0.2657523	0.154	0.292	1.30E-49
Higd2a.1	4.22E-53	-0.2517896	0.303	0.459	1.15E-48
Tyro3.1	4.03E-52	-0.2630512	0.168	0.299	1.09E-47
Cacnb3.1	7.69E-51	-0.2562894	0.22	0.363	2.09E-46
Vcp.1	1.41E-49	0.2645278	0.357	0.235	3.84E-45
Hba-a1.1	3.88E-45	0.25018207	0.296	0.183	1.05E-40
Ptpn.1	1.28E-42	-0.2524529	0.257	0.396	3.49E-38

Sod1.1	0	1.31180723	0.999	0.492	0
Bc1.1	0	0.25871791	0.999	0.99	0
Plp1.1	0	-0.547272	0.712	0.927	0
Ftl1.1	0	-0.7894532	0.019	0.359	0
Stmn1.1	7.71E-256	0.69781254	0.416	0.086	2.10E-251
Jarid2.1	4.66E-229	-0.5901595	0.387	0.687	1.27E-224
Hspa8.1	4.97E-226	-0.3405263	0.744	0.909	1.35E-221
Mag.1	3.11E-185	-0.5839086	0.255	0.545	8.46E-181
Mal.1	1.35E-153	-0.5500257	0.262	0.513	3.67E-149
Cldn11.1	2.48E-153	-0.5259202	0.22	0.474	6.73E-149
Cnp.1	8.16E-127	-0.4683265	0.286	0.524	2.22E-122
Abcb7.1	9.17E-122	-0.404865	0.061	0.239	2.49E-117
Snhg11.1	8.60E-118	-0.3720434	0.497	0.705	2.34E-113
Mbp.1	3.19E-114	-0.2740394	0.809	0.892	8.68E-110
D130009I18R	1.14E-110	-0.4350434	0.138	0.331	3.09E-106
Mog.1	3.32E-106	-0.3814456	0.07	0.231	9.01E-102
Enpp2.1	3.17E-102	-0.4351053	0.282	0.491	8.61E-98
Rabgef1.1	1.06E-97	0.38998329	0.29	0.108	2.88E-93
Mobp.1	1.29E-94	-0.3310928	0.596	0.748	3.50E-90
Ugt8a.1	2.12E-94	-0.3693538	0.069	0.222	5.77E-90
Gm21988.1	3.30E-89	-0.3467549	0.421	0.614	8.97E-85
Gamt.1	1.55E-82	-0.3293776	0.062	0.198	4.20E-78
1110008P14F	6.98E-82	-0.3717222	0.335	0.536	1.90E-77
Pdlim2.1	8.24E-81	-0.3431743	0.08	0.224	2.24E-76
Cd81.1	3.04E-79	-0.2805334	0.597	0.737	8.27E-75
Gsn.1	3.50E-79	-0.3371002	0.078	0.22	9.50E-75
Rpl29.1	3.75E-77	-0.3424713	0.201	0.379	1.02E-72
Grb14.1	7.90E-77	-0.3496738	0.094	0.242	2.15E-72
Tspan2.1	9.32E-76	-0.3407329	0.128	0.282	2.53E-71
Gm2000.1	1.07E-70	0.27582495	0.653	0.502	2.90E-66
Tubb2a.1	1.17E-69	-0.2619244	0.606	0.749	3.18E-65
Bsg.1	1.71E-68	-0.2587452	0.608	0.75	4.65E-64
Ttr.1	6.91E-68	-0.2878245	0.641	0.773	1.88E-63
Rps7.1	3.60E-65	0.2616247	0.704	0.569	9.78E-61
Rpl34.1	1.17E-62	0.27254522	0.617	0.474	3.18E-58
Rpl26.1	9.55E-61	0.27119898	0.647	0.501	2.60E-56
Lamp1.1	1.48E-60	-0.2768527	0.47	0.625	4.01E-56
Sirt2.1	1.57E-57	-0.3161104	0.197	0.349	4.27E-53
Gm10260.1	5.52E-56	-0.2886212	0.192	0.336	1.50E-51
Hba-a1.1	1.65E-55	0.35397729	0.334	0.185	4.49E-51
Scg5.1	1.00E-53	-0.2754833	0.429	0.577	2.73E-49
Josd2.1	2.01E-53	-0.252599	0.088	0.201	5.46E-49
Opalin.1	2.07E-50	-0.2925071	0.114	0.236	5.62E-46
Fabp7.1	1.59E-49	-0.2985271	0.182	0.317	4.32E-45
Id3.1	1.64E-47	-0.3111811	0.208	0.347	4.46E-43
Cmtm5.1	5.69E-47	-0.2924384	0.22	0.354	1.55E-42
Ap2s1.1	7.22E-47	-0.2567769	0.376	0.521	1.96E-42
Stmn4.1	1.94E-46	-0.2560545	0.366	0.497	5.26E-42
H2afj.1	2.23E-46	-0.2679493	0.298	0.439	6.06E-42
Il33.1	9.51E-46	0.2532443	0.156	0.054	2.59E-41
Arpc4.1	5.92E-43	-0.2604651	0.211	0.336	1.61E-38

Hbb-bs.1	5.48E-41	0.29241441	0.452	0.32	1.49E-36
Pld3.1	1.26E-38	-0.2644147	0.287	0.405	3.44E-34
Igf2.1	2.16E-35	-0.2546075	0.081	0.172	5.88E-31
Sod1.1	0	1.47829795	0.999	0.433	0
Stmn1.1	0	0.75729349	0.51	0.155	0
Bc1.1	0	0.3368131	1	0.985	0
Rpl37.1	0	0.25966502	0.953	0.895	0
Plp1.1	0	-0.4190357	0.961	0.999	0
Cd81.1	0	-0.4778429	0.637	0.888	0
Cnp.1	0	-0.4908988	0.607	0.889	0
Mog.1	0	-0.5356021	0.621	0.96	0
Mal.1	0	-0.6470566	0.598	0.919	0
Jarid2.1	0	-0.6524222	0.244	0.614	0
Mag.1	0	-0.7022202	0.537	0.906	0
Cldn11.1	0	-0.7170569	0.487	0.878	0
Ugt8a.1	0	-0.7332245	0.203	0.591	0
Gsn.1	0	-0.777131	0.14	0.531	0
Ftl1.1	0	-0.9411578	0.027	0.469	0
Hmgcs1.1	5.35E-289	-0.6303286	0.205	0.549	1.45E-284
Gamt.1	4.14E-269	-0.645783	0.118	0.438	1.12E-264
Grb14.1	7.07E-266	-0.6241409	0.287	0.627	1.92E-261
Tspan2.1	4.48E-259	-0.5909052	0.332	0.671	1.22E-254
Hspa8.1	8.22E-248	-0.3874242	0.669	0.904	2.23E-243
Syt11.1	5.12E-243	-0.4340402	0.596	0.844	1.39E-238
Pdlim2.1	6.74E-240	-0.6184705	0.234	0.572	1.83E-235
Cmtm5.1	6.29E-226	-0.5641144	0.303	0.62	1.71E-221
Sgk1.1	3.60E-220	0.59905502	0.323	0.074	9.80E-216
Il33.1	5.49E-211	0.57589189	0.303	0.065	1.49E-206
Enpp2.1	2.67E-196	-0.4483707	0.524	0.789	7.26E-192
Sirt2.1	1.02E-195	-0.5173564	0.318	0.621	2.76E-191
Gm21988.1	1.68E-184	-0.4599191	0.365	0.652	4.57E-180
Gm26917.1	5.53E-174	0.29528274	0.805	0.669	1.50E-169
Opalin.1	3.92E-166	-0.4879208	0.336	0.618	1.06E-161
Fkbp1a.1	8.10E-162	-0.4168736	0.477	0.746	2.20E-157
Fa2h.1	3.03E-159	-0.4713662	0.165	0.415	8.24E-155
H2afj.1	9.47E-154	-0.4417052	0.346	0.613	2.57E-149
Snhg11.1	6.48E-151	-0.4154349	0.379	0.646	1.76E-146
Lamp1.1	9.60E-149	-0.3909469	0.495	0.747	2.61E-144
Abcb7.1	4.40E-143	-0.4048398	0.056	0.238	1.20E-138
Fabp5.1	1.14E-142	-0.4258227	0.311	0.562	3.11E-138
Nfasc.1	2.44E-140	-0.4573852	0.165	0.394	6.62E-136
Plip.1	1.13E-137	-0.4161852	0.352	0.619	3.08E-133
Gm2000.1	2.61E-133	0.2977601	0.701	0.567	7.08E-129
Tmem141.1	5.50E-130	-0.413338	0.069	0.249	1.50E-125
Rps19.1	1.32E-127	0.25494098	0.82	0.716	3.60E-123
Josd2.1	1.20E-126	-0.4249709	0.215	0.454	3.25E-122
1110008P14F	1.15E-125	-0.415218	0.249	0.492	3.13E-121
Kndc1.1	1.01E-122	-0.4106255	0.148	0.361	2.76E-118
Ptn.1	4.65E-121	-0.380751	0.446	0.685	1.26E-116
Lgi3.1	3.44E-116	-0.3989192	0.199	0.423	9.35E-112
Rpl29.1	6.73E-115	-0.3828753	0.207	0.428	1.83E-110

Rpl26.1	4.66E-114	0.30623422	0.708	0.572	1.27E-109
Elovl1.1	9.52E-114	-0.327239	0.045	0.189	2.59E-109
Arpc1b.1	1.93E-112	-0.3822449	0.083	0.26	5.26E-108
Cd9.1	7.31E-112	-0.4113085	0.188	0.397	1.99E-107
Sema4d.1	1.25E-110	-0.3471409	0.073	0.237	3.39E-106
Abhd17b.1	2.19E-110	-0.355043	0.116	0.297	5.96E-106
Tmeff2.1	3.70E-109	-0.4208384	0.205	0.415	1.01E-104
Taldo1.1	2.86E-102	-0.367679	0.31	0.528	7.77E-98
Cyp51.1	2.57E-98	-0.3185259	0.051	0.194	6.98E-94
D130009I18R	1.62E-97	-0.3204071	0.078	0.23	4.40E-93
Msmo1.1	6.98E-95	-0.3318833	0.081	0.237	1.90E-90
Stmn4.1	2.98E-92	-0.3140091	0.499	0.707	8.09E-88
Gpr17.1	1.68E-90	-0.291642	0.033	0.148	4.55E-86
Cers2.1	6.42E-90	-0.3365076	0.127	0.291	1.74E-85
Ppp1r14a.1	2.41E-89	-0.3351075	0.394	0.607	6.56E-85
Sh3gl3.1	2.46E-89	-0.3324794	0.142	0.314	6.69E-85
9630013A20F	3.85E-89	-0.2570862	0.016	0.113	1.05E-84
Glul.1	2.27E-88	0.25724523	0.707	0.602	6.16E-84
Pacs2.1	8.52E-88	-0.35087	0.238	0.435	2.32E-83
Rabgef1.1	1.63E-87	0.34628932	0.255	0.112	4.43E-83
Rpl9-ps6.1	2.38E-85	0.26900444	0.564	0.434	6.48E-81
Slc25a38.1	1.81E-84	-0.2624239	0.031	0.14	4.92E-80
Aplp1.1	4.07E-84	-0.2656405	0.608	0.791	1.11E-79
Pfdn5.1	1.14E-83	0.28952955	0.635	0.511	3.09E-79
Gatm.1	1.45E-83	0.37531473	0.451	0.304	3.94E-79
Marcksl1.1	1.49E-82	-0.2993523	0.092	0.243	4.05E-78
Fcho1.1	2.79E-81	-0.254813	0.045	0.156	7.57E-77
Mcam.1	4.98E-80	-0.2648209	0.049	0.167	1.35E-75
Pcyt2.1	1.33E-79	-0.2968134	0.099	0.245	3.62E-75
Fdps.1	3.59E-79	-0.261009	0.053	0.172	9.76E-75
Scg5.1	9.04E-79	-0.3370058	0.321	0.528	2.46E-74
Rpl34.1	1.10E-77	0.2608074	0.658	0.548	3.00E-73
Shisa4.1	2.64E-76	-0.3217762	0.188	0.362	7.18E-72
Rps27rt.1	8.77E-76	0.27219586	0.545	0.424	2.38E-71
Tyro3.1	7.16E-75	-0.3172911	0.119	0.266	1.95E-70
Dhcr24.1	3.90E-74	-0.2656675	0.054	0.171	1.06E-69
Nrgn.1	5.67E-74	-0.2526713	0.645	0.825	1.54E-69
Fabp7.1	2.11E-73	-0.3122189	0.126	0.278	5.75E-69
Reep5.1	3.17E-73	-0.3016339	0.413	0.611	8.61E-69
Ap2s1.1	3.38E-73	-0.3129522	0.341	0.544	9.18E-69
Gm43738.1	2.59E-72	-0.267683	0.064	0.185	7.03E-68
Rap1a.1	1.18E-71	-0.3122085	0.186	0.357	3.20E-67
Lpar1.1	2.30E-70	-0.2933579	0.122	0.269	6.25E-66
Rps6.1	3.67E-70	0.29489247	0.436	0.309	9.97E-66
Gstp1.1	4.73E-69	-0.2764359	0.178	0.335	1.28E-64
Gde1.1	5.20E-69	-0.2996399	0.312	0.494	1.41E-64
Gjc2.1	1.24E-68	-0.258129	0.068	0.185	3.36E-64
Phldb1.1	3.89E-68	-0.2885363	0.161	0.313	1.06E-63
Abca2.1	2.90E-67	-0.2981344	0.207	0.373	7.88E-63
Kcnj10.1	4.36E-67	-0.2964724	0.252	0.421	1.18E-62
Npc2.1	1.41E-66	-0.2829925	0.17	0.321	3.83E-62

Bsg.1	1.55E-66	-0.2586356	0.515	0.691	4.21E-62
Zdhhc9.1	4.54E-66	-0.2506614	0.056	0.165	1.23E-61
Cap1.1	7.33E-66	-0.2506013	0.053	0.163	1.99E-61
Phyhipl.1	8.42E-65	-0.2976625	0.229	0.395	2.29E-60
Lrrn1.1	5.68E-64	-0.2731835	0.118	0.252	1.55E-59
Igsf8.1	1.64E-63	-0.3018898	0.183	0.338	4.46E-59
Map1lc3a.1	3.96E-63	-0.2728335	0.44	0.628	1.08E-58
Higd2a.1	9.12E-62	-0.2783429	0.192	0.345	2.48E-57
Dctn2.1	7.72E-61	-0.2820385	0.313	0.482	2.10E-56
Tubb2a.1	5.86E-60	-0.268651	0.456	0.635	1.59E-55
Atox1.1	8.50E-60	-0.288601	0.3	0.476	2.31E-55
Fscn1.1	8.86E-60	-0.2540646	0.141	0.276	2.41E-55
Gltp.1	9.57E-59	-0.270333	0.172	0.316	2.60E-54
Atp5d.1	2.93E-58	-0.2549625	0.427	0.595	7.97E-54
Agpat4.1	2.57E-56	-0.2562352	0.096	0.215	6.97E-52
Gm10260.1	7.77E-56	-0.2723316	0.236	0.402	2.11E-51
Rbfox1.1	1.09E-54	0.25616663	0.321	0.199	2.97E-50
Secisbp2l.1	8.51E-54	-0.2707759	0.19	0.342	2.31E-49
Slc44a1.1	1.93E-53	-0.2686852	0.194	0.338	5.23E-49
Tmem151a.1	6.20E-53	-0.2531765	0.213	0.349	1.68E-48
Rnd2.1	6.61E-53	-0.267198	0.238	0.381	1.80E-48
BC031181.1	1.12E-52	-0.2575934	0.352	0.51	3.03E-48
Cyb5a.1	8.30E-52	-0.2575968	0.232	0.373	2.25E-47
Cck.1	1.88E-49	-0.2592995	0.421	0.604	5.11E-45
Prr18.1	1.75E-47	-0.2529673	0.199	0.345	4.75E-43
Gstm1.1	1.21E-45	0.25684519	0.362	0.254	3.30E-41
Hba-a1.1	2.61E-34	0.25668369	0.288	0.195	7.10E-30

cluster	gene	cluster_new
ALS_MN	Sod1	ALS
ALS_MN	Plp1	ALS
ALS_MN	Snhg11	ALS
ALS_MN	Stmn1	ALS
ALS_MN	Jarid2	ALS
ALS_MN	Mbp	ALS
ALS_MN	Ftl1	ALS
ALS_MN	Cldn11	ALS
ALS_MN	1110008P14F	ALS
ALS_MN	Filip1l	ALS
ALS_MN	Mobp	ALS
ALS_MN	Cnp	ALS
ALS_MN	Scg5	ALS
ALS_MN	Gm2000	ALS
ALS_MN	Rabgef1	ALS
ALS_MN	Mag	ALS
ALS_MN	Rps24	ALS
ALS_MN	Bsg	ALS
ALS_MN	Gsn	ALS
ALS_MN	Rpl3	ALS
ALS_MN	Mal	ALS
ALS_MN	Pex14	ALS
ALS_MN	Pld3	ALS
ALS_MN	Gm21988	ALS
ALS_MN	Rpl37	ALS
ALS_MN	Rps8	ALS
ALS_MN	Rps6	ALS
ALS_MN	Slc22a17	ALS
ALS_MN	Tubb4a	ALS
ALS_MN	Stmn4	ALS
ALS_MN	Syt11	ALS
ALS_MN	Rpl36a	ALS
ALS_MN	Kndc1	ALS
ALS_MN	Dennd6b	ALS
ALS_MN	Npy	ALS
ALS_MN	Tspan2	ALS
ALS_MN	Plip	ALS
ALS_MN	Ppp1r14a	ALS
ALS_MN	Snrpd1	ALS
ALS_MN	Pttg1	ALS
ALS_MN	Sema4d	ALS
ALS_MN	Atp5d	ALS
ALS_MN	Cnbp	ALS
ALS_MN	Mog	ALS
ALS_MN	Ppp3ca	ALS
ALS_MN	Trf	ALS
ALS_MN	Ptma	ALS
ALS_MN	Cdk5	ALS
ALS_MN	Rpl35	ALS
ALS_MN	Cirbp	ALS

ALS_MN	Klhl9	ALS
ALS_MN	Rpl9-ps6	ALS
ALS_MN	Mapk1	ALS
ALS_MN	Rps4x	ALS
ALS_MN	Ugt8a	ALS
ALS_MN	Gm36264	ALS
ALS_MN	Ttr	ALS
ALS_MN	Pfdn5	ALS
ALS_MN	Rtraf	ALS
ALS_MN	Rps7	ALS
ALS_MN	Atp1a3	ALS
ALS_MN	Rpl14	ALS
ALS_MN	Vamp2	ALS
ALS_MN	Rpl8	ALS
ALS_MN	Rps18	ALS
ALS_MN	Dgke	ALS
ALS_MN	Polr2m	ALS
ALS_MN	Rpl29	ALS
ALS_MN	Arhgap20	ALS
ALS_MN	Abcb7	ALS
ALS_MN	Pja2	ALS
ALS_MN	Ptgds	ALS
ALS_MN	CT025619.1	ALS
ALS_MN	Aplp1	ALS
ALS_MN	Map4	ALS
ALS_MN	Nrgn	ALS
ALS_MN	Rps15a	ALS
ALS_MN	Ndufb8	ALS
ALS_MN	Calr	ALS
ALS_MN	Dnaja1	ALS
ALS_MN	Pde10a	ALS
ALS_MN	Ckmt1	ALS
ALS_MN	Egln2	ALS
ALS_MN	Ednrb	ALS
ALS_MN	Enpp2	ALS
ALS_MN	Fa2h	ALS
ALS_MN	Commd1	ALS
ALS_MN	Mrps14	ALS
ALS_MN	Kcnj9	ALS
ALS_MN	Msantd4	ALS
ALS_MN	Fbxo2	ALS
ALS_MN	Nrxn2	ALS
ALS_MN	Cck	ALS
ALS_MN	Hnrnpc	ALS
ALS_MN	Meis2	ALS
ALS_MN	Ppp2r2a	ALS
ALS_MN	Slc35f1	ALS
ALS_MN	Saraf	ALS
ALS_MN	Hdac11	ALS
ALS_MN	Id4	ALS
ALS_MN	Map1a	ALS

ALS_MN	Ssu72	ALS
ALS_MN	Hbb-bs	ALS
ALS_MN	Rpl27	ALS
ALS_MN	Ttc17	ALS
ALS_MN	Dnajc5	ALS
ALS_MN	Snx3	ALS
ALS_MN	Vmp1	ALS
ALS_MN	H2afj	ALS
ALS_MN	Eci2	ALS
ALS_MN	Impact	ALS
ALS_MN	Gbf1	ALS
ALS_MN	Rrm2b	ALS
ALS_MN	Fam92a	ALS
ALS_MN	Adnp	ALS
ALS_MN	Gcsh	ALS
ALS_MN	Cacnb3	ALS
ALS_MN	Gm11808	ALS
ALS_MN	Matr3	ALS
ALS_MN	Ttyh1	ALS
ALS_MN	B4galt2	ALS
ALS_MN	Ctnna1	ALS
ALS_MN	Sipa1l1	ALS
ALS_MN	Adora1	ALS
ALS_MN	Nbea	ALS
ALS_MN	Slc10a4	ALS
ALS_MN	Eno2	ALS
ALS_MN	Cd9	ALS
ALS_MN	Atp5f1	ALS
ALS_MN	D130009I18R	ALS
ALS_MN	Ndufv2	ALS
ALS_MN	Pdlim2	ALS
ALS_MN	St13	ALS
ALS_MN	Epas1	ALS
ALS_MN	Nalcn	ALS
ALS_MN	1110004F10F	ALS
ALS_MN	Pde1b	ALS
ALS_MN	Naa38	ALS
ALS_MN	Josd2	ALS
ALS_MN	Slc25a23	ALS
ALS_MN	Dapk1	ALS
ALS_MN	Cacybp	ALS
ALS_MN	Orc5	ALS
ALS_MN	Syp	ALS
ALS_MN	Fam174a	ALS
ALS_MN	Atp1a2	ALS
ALS_MN	Prkaca	ALS
ALS_MN	Rnf220	ALS
ALS_MN	Nrep	ALS
ALS_MN	Vtn	ALS
ALS_MN	Kcnab1	ALS
ALS_MN	Rapgef4	ALS

ALS_MN	Ndufb4	ALS
ALS_MN	Fabp3	ALS
ALS_MN	Tnrc6c	ALS
ALS_MN	Hmgcs1	ALS
ALS_MN	Map7d2	ALS
ALS_MN	Faim2	ALS
ALS_MN	Cap1	ALS
ALS_MN	Gng2	ALS
ALS_MN	Blcap	ALS
ALS_MN	Add1	ALS
ALS_MN	Nptx1	ALS
ALS_MN	Tmem240	ALS
ALS_MN	Srcin1	ALS
ALS_MN	Plekhb2	ALS
ALS_MN	Bex3	ALS
ALS_MN	Coa3	ALS
ALS_MN	Polr2c	ALS
ALS_Microg	Sod1	ALS
ALS_Microg	Bc1	ALS
ALS_Microg	Ftl1	ALS
ALS_Microg	Stmn1	ALS
ALS_Microg	Jarid2	ALS
ALS_Microg	Plp1	ALS
ALS_Microg	Hspa8	ALS
ALS_Microg	Snhg11	ALS
ALS_Microg	Rpl37	ALS
ALS_Microg	Mag	ALS
ALS_Microg	Mal	ALS
ALS_Microg	Gm21988	ALS
ALS_Microg	Cldn11	ALS
ALS_Microg	Gm2000	ALS
ALS_Microg	Rps19	ALS
ALS_Microg	1110008P14F	ALS
ALS_Microg	D130009I18R	ALS
ALS_Microg	Tubb2a	ALS
ALS_Microg	Mog	ALS
ALS_Microg	Abcb7	ALS
ALS_Microg	Rabgef1	ALS
ALS_Microg	Rpl14	ALS
ALS_Microg	Cnp	ALS
ALS_Microg	Ptms	ALS
ALS_Microg	Rpl26	ALS
ALS_Microg	Scg5	ALS
ALS_Microg	Rpl29	ALS
ALS_Microg	Gp1bb	ALS
ALS_Microg	Rpl34	ALS
ALS_Microg	Bsg	ALS
ALS_Microg	Pdlim2	ALS
ALS_Microg	H2afj	ALS
ALS_Microg	Gamt	ALS
ALS_Microg	Npy	ALS

ALS_Microg	Enpp2	ALS
ALS_Microg	Cd81	ALS
ALS_Microg	Ap2s1	ALS
ALS_Microg	Lamp1	ALS
ALS_Microg	Ugt8a	ALS
ALS_Microg	Syt11	ALS
ALS_Microg	Atp5d	ALS
ALS_Microg	Hbb-bs	ALS
ALS_Microg	Arpc4	ALS
ALS_Microg	Meg3	ALS
ALS_Microg	Rpl35	ALS
ALS_Microg	Csf1r	ALS
ALS_Microg	Fkbp1a	ALS
ALS_Microg	Cck	ALS
ALS_Microg	Sirt2	ALS
ALS_Microg	Gsn	ALS
ALS_Microg	Hba-a1	ALS
ALS_Microg	Cap1	ALS
ALS_Microg	Fscn1	ALS
ALS_Microg	Pld3	ALS
ALS_Microg	Grb14	ALS
ALS_Microg	Hdac11	ALS
ALS_Microg	Gm10260	ALS
ALS_Microg	Cdk5r2	ALS
ALS_Microg	Lingo1	ALS
ALS_Microg	Josd2	ALS
ALS_Microg	Ttc9b	ALS
ALS_Microg	Edf1	ALS
ALS_Microg	Syp	ALS
ALS_Microg	Kctd17	ALS
ALS_Microg	Atox1	ALS
ALS_Microg	Dbp	ALS
ALS_Microg	Kcnj10	ALS
ALS_Microg	Sst	ALS
ALS_Neuron	Sod1	ALS
ALS_Neuron	Stmn1	ALS
ALS_Neuron	Hspa8	ALS
ALS_Neuron	Plp1	ALS
ALS_Neuron	Ftl1	ALS
ALS_Neuron	Jarid2	ALS
ALS_Neuron	Snhg11	ALS
ALS_Neuron	1110008P14F	ALS
ALS_Neuron	Scg5	ALS
ALS_Neuron	Gm21988	ALS
ALS_Neuron	Mag	ALS
ALS_Neuron	Abcb7	ALS
ALS_Neuron	Rabgef1	ALS
ALS_Neuron	Cck	ALS
ALS_Neuron	Ptms	ALS
ALS_Neuron	Gm2000	ALS
ALS_Neuron	Gp1bb	ALS

ALS_Neuron	Rpl26	ALS
ALS_Neuron	Tubb2a	ALS
ALS_Neuron	Rps7	ALS
ALS_Neuron	Cldn11	ALS
ALS_Neuron	D130009I18R	ALS
ALS_Neuron	Syp	ALS
ALS_Neuron	Pld3	ALS
ALS_Neuron	Lingo1	ALS
ALS_Neuron	Rps19	ALS
ALS_Neuron	Npy	ALS
ALS_Neuron	Cdk5r2	ALS
ALS_Neuron	Rpl14	ALS
ALS_Neuron	Cnp	ALS
ALS_Neuron	Rpl29	ALS
ALS_Neuron	Mal	ALS
ALS_Neuron	Fkbp1a	ALS
ALS_Neuron	Ttc9b	ALS
ALS_Neuron	Bsg	ALS
ALS_Neuron	Prkar1b	ALS
ALS_Neuron	Atp5d	ALS
ALS_Neuron	Snap47	ALS
ALS_Neuron	Fscn1	ALS
ALS_Neuron	Rpl34	ALS
ALS_Neuron	Fxyd7	ALS
ALS_Neuron	Dctn2	ALS
ALS_Neuron	Stmn4	ALS
ALS_Neuron	Cap1	ALS
ALS_Neuron	Rgs4	ALS
ALS_Neuron	Ap2s1	ALS
ALS_Neuron	Arpc4	ALS
ALS_Neuron	Rpl35	ALS
ALS_Neuron	Atp5g1	ALS
ALS_Neuron	H2afj	ALS
ALS_Neuron	Mobp	ALS
ALS_Neuron	Ckmt1	ALS
ALS_Neuron	Enpp2	ALS
ALS_Neuron	Kctd17	ALS
ALS_Neuron	Atox1	ALS
ALS_Neuron	Mllt11	ALS
ALS_Neuron	Nrep	ALS
ALS_Neuron	C1qtnf4	ALS
ALS_Neuron	Synpo	ALS
ALS_Neuron	Lin7b	ALS
ALS_Neuron	Lamp1	ALS
ALS_Neuron	Miat	ALS
ALS_Neuron	Higd2a	ALS
ALS_Neuron	Tyro3	ALS
ALS_Neuron	Cacnb3	ALS
ALS_Neuron	Vcp	ALS
ALS_Neuron	Hba-a1	ALS
ALS_Neuron	Ptprn	ALS

ALS_astro	Sod1	ALS
ALS_astro	Bc1	ALS
ALS_astro	Plp1	ALS
ALS_astro	Ftl1	ALS
ALS_astro	Stmn1	ALS
ALS_astro	Jarid2	ALS
ALS_astro	Hspa8	ALS
ALS_astro	Mag	ALS
ALS_astro	Mal	ALS
ALS_astro	Cldn11	ALS
ALS_astro	Cnp	ALS
ALS_astro	Abcb7	ALS
ALS_astro	Snhg11	ALS
ALS_astro	Mbp	ALS
ALS_astro	D130009I18R	ALS
ALS_astro	Mog	ALS
ALS_astro	Enpp2	ALS
ALS_astro	Rabgef1	ALS
ALS_astro	Mobp	ALS
ALS_astro	Ugt8a	ALS
ALS_astro	Gm21988	ALS
ALS_astro	Gamt	ALS
ALS_astro	1110008P14F	ALS
ALS_astro	Pdlim2	ALS
ALS_astro	Cd81	ALS
ALS_astro	Gsn	ALS
ALS_astro	Rpl29	ALS
ALS_astro	Grb14	ALS
ALS_astro	Tspan2	ALS
ALS_astro	Gm2000	ALS
ALS_astro	Tubb2a	ALS
ALS_astro	Bsg	ALS
ALS_astro	Ttr	ALS
ALS_astro	Rps7	ALS
ALS_astro	Rpl34	ALS
ALS_astro	Rpl26	ALS
ALS_astro	Lamp1	ALS
ALS_astro	Sirt2	ALS
ALS_astro	Gm10260	ALS
ALS_astro	Hba-a1	ALS
ALS_astro	Scg5	ALS
ALS_astro	Josd2	ALS
ALS_astro	Opalin	ALS
ALS_astro	Fabp7	ALS
ALS_astro	Id3	ALS
ALS_astro	Cmtm5	ALS
ALS_astro	Ap2s1	ALS
ALS_astro	Stmn4	ALS
ALS_astro	H2afj	ALS
ALS_astro	Il33	ALS
ALS_astro	Arpc4	ALS

ALS_astro	Hbb-bs	ALS
ALS_astro	Pld3	ALS
ALS_astro	Igf2	ALS
ALS_olig	Sod1	ALS
ALS_olig	Stmn1	ALS
ALS_olig	Bc1	ALS
ALS_olig	Rpl37	ALS
ALS_olig	Plp1	ALS
ALS_olig	Cd81	ALS
ALS_olig	Cnp	ALS
ALS_olig	Mog	ALS
ALS_olig	Mal	ALS
ALS_olig	Jarid2	ALS
ALS_olig	Mag	ALS
ALS_olig	Cldn11	ALS
ALS_olig	Ugt8a	ALS
ALS_olig	Gsn	ALS
ALS_olig	Ftl1	ALS
ALS_olig	Hmgcs1	ALS
ALS_olig	Gamt	ALS
ALS_olig	Grb14	ALS
ALS_olig	Tspan2	ALS
ALS_olig	Hspa8	ALS
ALS_olig	Syt11	ALS
ALS_olig	Pdlim2	ALS
ALS_olig	Cmtm5	ALS
ALS_olig	Sgk1	ALS
ALS_olig	Il33	ALS
ALS_olig	Enpp2	ALS
ALS_olig	Sirt2	ALS
ALS_olig	Gm21988	ALS
ALS_olig	Gm26917	ALS
ALS_olig	Opalin	ALS
ALS_olig	Fkbp1a	ALS
ALS_olig	Fa2h	ALS
ALS_olig	H2afj	ALS
ALS_olig	Snhg11	ALS
ALS_olig	Lamp1	ALS
ALS_olig	Abcb7	ALS
ALS_olig	Fabp5	ALS
ALS_olig	Nfasc	ALS
ALS_olig	Plip	ALS
ALS_olig	Gm2000	ALS
ALS_olig	Tmem141	ALS
ALS_olig	Rps19	ALS
ALS_olig	Josd2	ALS
ALS_olig	1110008P14F	ALS
ALS_olig	Kndc1	ALS
ALS_olig	Ptn	ALS
ALS_olig	Lgi3	ALS
ALS_olig	Rpl29	ALS

ALS_olig	Rpl26	ALS
ALS_olig	Elovl1	ALS
ALS_olig	Arpc1b	ALS
ALS_olig	Cd9	ALS
ALS_olig	Sema4d	ALS
ALS_olig	Abhd17b	ALS
ALS_olig	Tmeff2	ALS
ALS_olig	Taldo1	ALS
ALS_olig	Cyp51	ALS
ALS_olig	D130009I18R	ALS
ALS_olig	Msmo1	ALS
ALS_olig	Stmn4	ALS
ALS_olig	Gpr17	ALS
ALS_olig	Cers2	ALS
ALS_olig	Ppp1r14a	ALS
ALS_olig	Sh3gl3	ALS
ALS_olig	9630013A20F	ALS
ALS_olig	Glul	ALS
ALS_olig	Pacs2	ALS
ALS_olig	Rabgef1	ALS
ALS_olig	Rpl9-ps6	ALS
ALS_olig	Slc25a38	ALS
ALS_olig	Aplp1	ALS
ALS_olig	Pfdn5	ALS
ALS_olig	Gatm	ALS
ALS_olig	Marcks1	ALS
ALS_olig	Fcho1	ALS
ALS_olig	Mcam	ALS
ALS_olig	Pcyt2	ALS
ALS_olig	Fdps	ALS
ALS_olig	Scg5	ALS
ALS_olig	Rpl34	ALS
ALS_olig	Shisa4	ALS
ALS_olig	Rps27rt	ALS
ALS_olig	Tyro3	ALS
ALS_olig	Dhcr24	ALS
ALS_olig	Nrgn	ALS
ALS_olig	Fabp7	ALS
ALS_olig	Reep5	ALS
ALS_olig	Ap2s1	ALS
ALS_olig	Gm43738	ALS
ALS_olig	Rap1a	ALS
ALS_olig	Lpar1	ALS
ALS_olig	Rps6	ALS
ALS_olig	Gstp1	ALS
ALS_olig	Gde1	ALS
ALS_olig	Gjc2	ALS
ALS_olig	Phldb1	ALS
ALS_olig	Abca2	ALS
ALS_olig	Kcnj10	ALS
ALS_olig	Npc2	ALS

ALS_olig	Bsg	ALS
ALS_olig	Zdhhc9	ALS
ALS_olig	Cap1	ALS
ALS_olig	Phyhl	ALS
ALS_olig	Lrrn1	ALS
ALS_olig	Igsf8	ALS
ALS_olig	Map1lc3a	ALS
ALS_olig	Higd2a	ALS
ALS_olig	Dctn2	ALS
ALS_olig	Tubb2a	ALS
ALS_olig	Atox1	ALS
ALS_olig	Fscn1	ALS
ALS_olig	Gltf	ALS
ALS_olig	Atp5d	ALS
ALS_olig	Agpat4	ALS
ALS_olig	Gm10260	ALS
ALS_olig	Rbfox1	ALS
ALS_olig	Secisbp2l	ALS
ALS_olig	Slc44a1	ALS
ALS_olig	Tmem151a	ALS
ALS_olig	Rnd2	ALS
ALS_olig	BC031181	ALS
ALS_olig	Cyb5a	ALS
ALS_olig	Cck	ALS
ALS_olig	Prr18	ALS
ALS_olig	Gstm1	ALS
ALS_olig	Hba-a1	ALS