

Genetic diversity measures for each locus for the three breeds

		OarAE129	ILSTS011	McM527	OarFCB128	OarJMP58	OarJMP29	SR-CRSP-09	CSRD0247	MAF65	MAF209	ILSTS005	OarCP34	OarFCB193	HSC	MAF70	OarFCB304	OarFCB20	HUJ616	MAF214
ESM	No. of samples	88	80	88	87	88	88	90	84	91	91	80	87	88	91	86	87	84	80	91
	NA	4	5	7	6	7	8	4	9	7	7	5	6	6	9	11	6	9	5	4
	Hobs	0.45	0.11	0.47	0.43	0.56	0.47	0.49	0.47	0.80	0.65	0.60	0.57	0.36	0.61	0.70	0.64	0.67	0.24	0.51
	Hexp	0.50	0.15	0.49	0.47	0.59	0.49	0.46	0.49	0.77	0.67	0.63	0.58	0.42	0.57	0.68	0.61	0.73	0.25	0.52
	Fis	-0.02	0.15	-0.08	0.03	-0.09	0.00	-0.18	-0.08	-0.26	-0.09	-0.16	-0.11	0.02	-0.08	-0.09	-0.12	-0.02	-0.07	-0.17
	HWE			***			***											***		
MLB	No. of samples	166	167	173	172	167	169	168	171	173	172	171	172	167	173	172	172	171	172	173
	NA	4	6	7	6	7	10	5	9	4	10	9	5	6	8	14	7	6	13	3
	Hobs	0.35	0.61	0.63	0.51	0.80	0.70	0.62	0.70	0.77	0.67	0.69	0.66	0.34	0.78	0.84	0.68	0.63	0.80	0.13
	Hexp	0.34	0.67	0.65	0.49	0.80	0.76	0.62	0.74	0.75	0.65	0.65	0.69	0.33	0.76	0.86	0.66	0.63	0.82	0.14
	Fis	-0.01	0.10	0.03	-0.04	0.01	0.09	0.00	0.05	-0.03	-0.02	-0.06	-0.01	-0.03	-0.03	0.03	-0.02	0.00	0.04	0.08
	HWE																			
AR	No. of samples	204	225	225	226	223	222	225	225	225	224	225	224	222	224	226	224	223	225	225
	NA	5	6	8	7	11	12	5	8	7	9	6	6	8	10	13	8	12	10	5
	Hobs	0.43	0.53	0.68	0.47	0.80	0.66	0.55	0.73	0.74	0.75	0.47	0.68	0.13	0.86	0.83	0.58	0.84	0.50	0.50
	Hexp	0.68	0.63	0.76	0.52	0.84	0.70	0.60	0.76	0.78	0.77	0.47	0.69	0.12	0.82	0.88	0.61	0.86	0.54	0.52
	Fis	0.38	0.16	0.11	0.09	0.04	0.05	0.09	0.04	0.05	0.03	-0.01	0.03	-0.01	-0.05	0.06	0.05	0.03	0.08	0.03
	HWE	***	**	*																

NA: number of alleles; Hobs: mean observed heterozygosity; Hexp: mean expected heterozygosity; Fis: F-statistic; HWE: test for deviation from Hardy-Weinberg equilibrium (*: P<0.05; **: P<0.01; ***: P<0.001)