

		t-stat	CyberT	LPE	BRB	limma	FC	median pAUC
HGU133A	MAS 5.0	5 (.68)	1 (.75)	4 (.69)	2.5 (.70)	2.5 (.70)	6 (.18)	.70
	RMA	6 (.74)	1.5 (.85)	4.5 (.83)	1.5 (.85)	4.5 (.83)	1 (.84)	.84
	gcRMA	6 (.74)	1.5 (.85)	3 (.83)	4.5 (.79)	4.5 (.79)	1.5 (.85)	.81
	dChip	4 (.80)	2 (.83)	5 (.78)	2 (.83)	2 (.83)	6 (.76)	.82
	LMGene	6 (.75)	2.5 (.85)	2.5 (.85)	1 (.88)	4.5 (.84)	4.5 (.84)	.85
	VSN	6 (.74)	2.5 (.84)	5 (.82)	1 (.86)	2.5 (.84)	4 (.83)	.84
	avg. rank	5.5	1.8	4	2.1	2.4	4.2	
HGU95	MAS 5.0	3 (.59)	1 (.73)	2 (.63)	4.5 (.44)	4.5 (.44)	6 (.10)	.52
	RMA	6 (.68)	1 (.85)	1.5 (.73)	2.5 (.84)	2.5 (.84)	4 (.83)	.84
	gcRMA	6 (.76)	1.5 (.91)	5 (.81)	3.5 (.88)	3.5 (.88)	1.5 (.91)	.88
	dChip	5 (.73)	3 (.82)	6 (.52)	1.5 (.83)	1.5 (.83)	4 (.80)	.81
	LMGene	5.5 (.74)	1 (.86)	5.5 (.74)	4 (.84)	2.5 (.85)	2.5 (.85)	.85
	VSN	5.5 (.57)	4 (.76)	5.5 (.57)	2.5 (.80)	2.5 (.80)	1 (.82)	.78
	avg. rank	5.2	1.9	4.8	3.1	2.8	3.2	
cDNA liver vs liver	Loess	5 (.78)	4 (.88)	6 (.65)	2.5 (.96)	2.5 (.96)	1 (.97)	.92
	Loess(BC)	3.5 (.85)	1 (.96)	5 (.80)	3.5 (.85)	2 (.86)	6 (.66)	.85
	glog Loess	5 (.79)	2 (.96)	6 (.62)	3.5 (.95)	3.5 (.95)	1 (.98)	.95
	glog Loess(BC)	5 (.81)	1 (.96)	6 (.75)	4 (.93)	3.5 (.93)	3.5 (.94)	.93
	VSN	5 (.77)	3 (.96)	6 (.61)	3 (.96)	3 (.96)	1 (.97)	.96
	avg. rank	4.7	2.2	5.8	3.2	2.9	2.2	
cDNA liver vs pool	Loess	4 (.29)	3 (.39)	6 (.16)	1 (.44)	2 (.43)	5 (.17)	.51
	Loess(BC)	2.5 (.09)	2.5 (.09)	5 (.05)	2.5 (.09)	2.5 (.09)	6 (.02)	.09
	glog Loess	4 (.62))	1 (.73)	5 (.56)	2.5 (.69)	2.5 (.69)	6 (.08)	.65
	glog Loess(BC)	4 (.62)	1 (.73)	5 (.58)	3 (.65)	2 (.66)	6 (.06)	.64
	VSN	4 (.50)	1 (.57)	5 (.38)	2.5 (.55)	2.5 (.55)	6 (.05)	.53
	avg. rank	3.7	1.7	5.2	2.3	2.3	5.8	
Simulated	Common	6 (.32)	4 (.53)	5 (.42)	2 (.54)	2 (.54)	2 (.54)	.54
	Local	6 (.15)	4 (.27)	5 (.16)	2 (.60)	1 (.61)	3 (.31)	.29
	Inverse Gamma	5 (.39)	2 (.53)	6 (.35)	2 (.53)	2 (.53)	4 (.48)	.51
	avg. rank	5.7	3.3	5.3	2.2	1.2	3.3	
	total avg. rank	5.0	2.2	5.0	2.6	2.3	3.7	