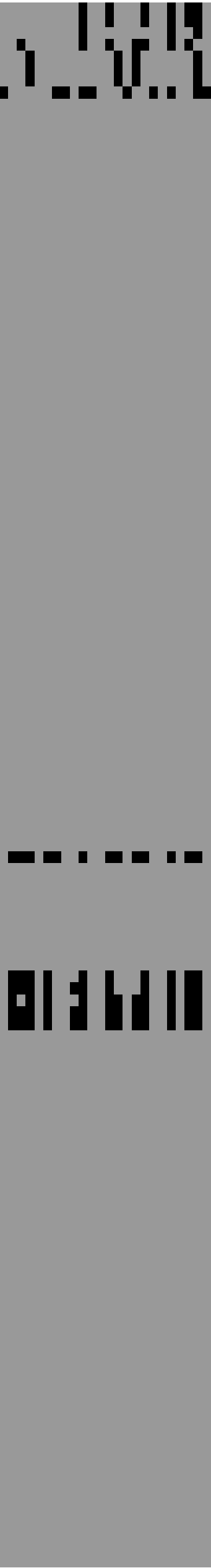
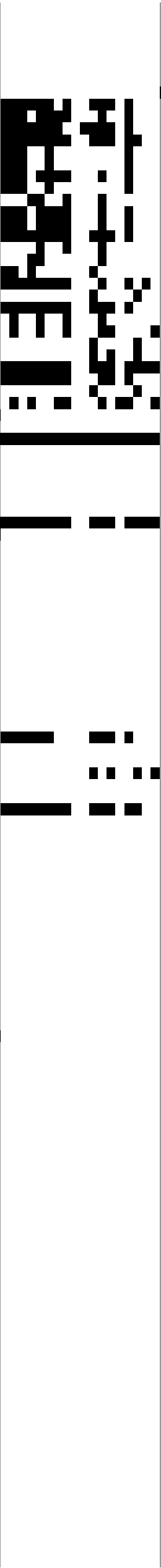
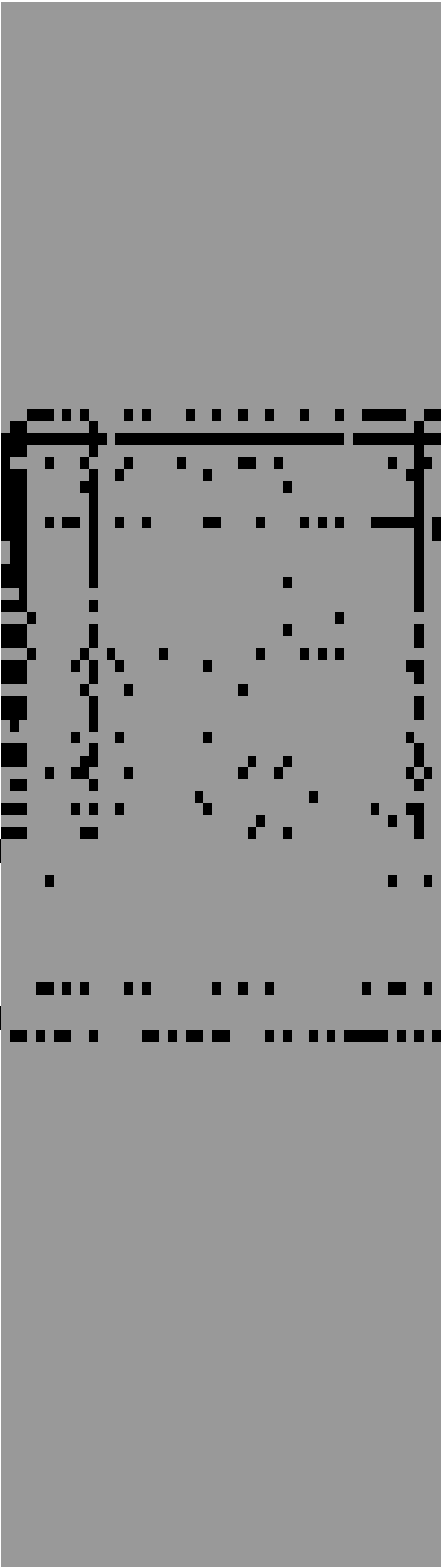
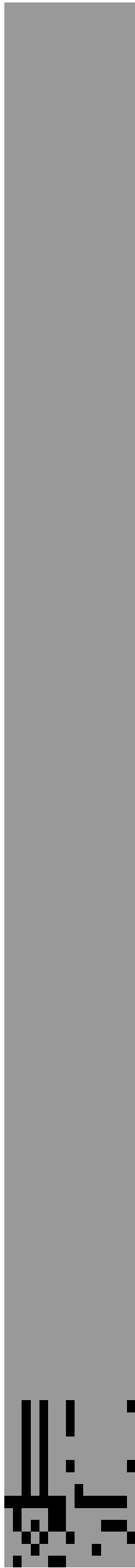


arginine biosynthetic process (GO:0006526)
glutamine family amino acid metabolic process (GO:0009064)
ornithine biosynthetic process (GO:0006592)
cellular aromatic compound metabolic process (GO:0006725)
pyridoxal phosphate binding (GO:0030170)
steroid binding (GO:0005496)
vitamin binding (GO:0019842)
membrane-enclosed lumen (GO:0031974)
electron transport chain (GO:0022900)
monovalent inorganic cation transmembrane transporter activity (GO:0015077)
phosphate metabolic process (GO:0006796)
envelope (GO:0031975)
mitochondrial respiratory chain complex IV (GO:0005751)
mitochondrial electron transport, cytochrome c to oxygen (GO:0006123)
cation transmembrane transporter activity (GO:0008324)
oxidoreductase activity, acting on heme group of donors (GO:0016675)
mitochondrial respiratory chain complex III (GO:0005750)
substrate-specific transmembrane transporter activity (GO:0022891)
transporter activity (GO:0005215)
organelle membrane (GO:0031090)
oxidoreductase activity, acting on diphenols and related substances as donors (GO:0016679)
mitochondrial electron transport, ubiquinol to cytochrome c (GO:0006122)
cell death (GO:0008219)
protein complex (GO:0043234)
NADH dehydrogenase (ubiquinone) activity (GO:0008137)
mitochondrial inner membrane (GO:0005743)
aerobic respiration (GO:0009060)
energy derivation by oxidation of organic compounds (GO:0015980)
activity, acting on NADH or NADPH, quinone or similar compound as acceptor (GO:0016655)
FAD binding (GO:0050660)
intracellular organelle part (GO:0044446)
membrane part (GO:0044425)
NADH oxidation (GO:0006116)
ion binding (GO:0043167)
organic acid metabolic process (GO:0006082)
proton-transporting ATP synthase complex, catalytic core F(1) (GO:0045261)
cytoplasm (GO:0005737)
mitochondrial proton-transporting ATP synthase complex (GO:0005753)
oxidation reduction (GO:0055114)
inorganic cation transmembrane transporter activity (GO:0022890)
purine nucleotide biosynthetic process (GO:0006164)
proton-transporting two-sector ATPase complex (GO:0016469)
ATP synthesis coupled proton transport (GO:0015986)
mitochondrion (GO:0005739)
generation of precursor metabolites and energy (GO:0006091)
hydrogen ion transporting ATP synthase activity, rotational mechanism (GO:0046933)
proton-transporting ATPase activity, rotational mechanism (GO:0046961)
proton transport (GO:0015992)
purine ribonucleotide metabolic process (GO:0009150)
mitochondrial proton-transporting ATP synthase, catalytic core (GO:0005754)
transmembrane ion transport (GO:0034220)
isoleucine-tRNA ligase activity (GO:0004822)
ribonucleotide biosynthetic process (GO:0009260)
ATP metabolic process (GO:0046034)
ligase activity (GO:0016874)
phosphorylation (GO:0016310)
purine ribonucleoside triphosphate biosynthetic process (GO:0009206)
ase activity, acting on the CH-NH group of donors, NAD or NADP as acceptor (GO:0016646)
purine nucleoside triphosphate metabolic process (GO:0009144)
ribonucleoside triphosphate metabolic process (GO:0009199)
mitochondrial proton-transporting ATP synthase, central stalk (GO:0005756)
ATP synthesis coupled electron transport (GO:0042773)
nucleoside triphosphate biosynthetic process (GO:0009142)
nucleotide metabolic process (GO:0009117)
oxidoreductase activity (GO:0016491)
ATPase activity, coupled to transmembrane movement of ions (GO:0042625)
signal peptidase complex (GO:0005787)
mitochondrial envelope (GO:0005740)
mitochondrial nucleoid (GO:0042645)
nucleobase, nucleoside and nucleotide metabolic process (GO:0055096)
nitrogen compound catabolic process (GO:0044270)
carboxylic acid metabolic process (GO:0019752)
dolichol-linked oligosaccharide biosynthetic process (GO:0006489)
glutamate biosynthetic process (GO:0006537)
sulfate assimilation (GO:0000103)
cysteine biosynthetic process (GO:0019344)
methionine biosynthetic process (GO:0009086)
serine family amino acid metabolic process (GO:0009069)
sulfur amino acid metabolic process (GO:0000096)
sulfur compound biosynthetic process (GO:0044272)
aspartate family amino acid metabolic process (GO:0009066)
amino acid biosynthetic process (GO:0008652)
nitrogen compound biosynthetic process (GO:0044271)
cellular amino acid and derivative metabolic process (GO:0006519)
cellular amine metabolic process (GO:0009308)
nitrogen compound metabolic process (GO:0006807)
catalytic activity (GO:0003824)
L-iditol 2-dehydrogenase activity (GO:0003939)
hydrolase activity, hydrolyzing O-glycosyl compounds (GO:0004553)
cellular carbohydrate metabolic process (GO:0044262)
purine nucleoside monophosphate metabolic process (GO:0009126)
oxidoreductase activity, acting on CH-OH group of donors (GO:0016614)
glycogen catabolic process (GO:0005980)
ribonucleoside monophosphate metabolic process (GO:0009161)
nuclear cohesin complex (GO:0000798)
cell division (GO:0051301)
double-stranded DNA binding (GO:0003690)
AT DNA binding (GO:0003680)
cellular response to DNA damage stimulus (GO:0034984)
mitotic sister chromatid cohesion (GO:0007064)
sister chromatid segregation (GO:0000819)
mitotic cell cycle (GO:0000278)
ATP binding (GO:0005524)
M phase of meiotic cell cycle (GO:0051327)
mitosis (GO:0007067)
adenyl nucleotide binding (GO:0030554)
organelle fission (GO:0048285)
regulation of kinase activity (GO:0043549)
purine ribonucleotide binding (GO:0032555)
reproductive process (GO:0022414)
cyclin-dependent protein kinase holoenzyme complex (GO:0000307)
heteroduplex formation (GO:0030491)
nucleotide binding (GO:0000166)
chromosomal part (GO:0044427)
intracellular non-membrane-bounded organelle (GO:0043232)
nuclear part (GO:0044428)
cellular response to stimulus (GO:0051716)
regulation of transferase activity (GO:0051338)
cyclin-dependent protein kinase regulator activity (GO:0016538)
regulation of cyclin-dependent protein kinase activity (GO:0000079)
regulation of S phase of mitotic cell cycle (GO:0007090)
positive regulation of DNA replication (GO:0045740)
regulation of molecular function (GO:0065009)
premeiotic DNA synthesis (GO:0006279)
G1/S transition of mitotic cell cycle (GO:0000082)
cellular biosynthetic process (GO:0044249)
transferase activity, transferring hexosyl groups (GO:0016758)
transferase activity (GO:0016740)
enzyme regulator activity (GO:0030234)
leading strand elongation (GO:0006272)
biopolymer glycosylation (GO:0043413)



YGO000001 (1)
YGO000002 (1)
YGO000003 (1)
YGO000004 (1)
YGO000005 (1)
YGO000006 (1)
YGO000007 (1)
YGO000008 (1)
YGO000009 (1)
YGO000010 (1)
YGO000011 (1)
YGO000012 (1)
YGO000013 (1)
YGO000014 (1)
YGO000015 (1)
YGO000016 (1)
YGO000017 (1)
YGO000018 (1)
YGO000019 (1)
YGO000020 (1)
YGO000021 (1)
YGO000022 (1)
YGO000023 (1)
YGO000024 (1)
YGO000025 (1)
YGO000026 (1)
YGO000027 (1)
YGO000028 (1)
YGO000029 (1)
YGO000030 (1)
YGO000031 (1)
YGO000032 (1)
YGO000033 (1)
YGO000034 (1)
YGO000035 (1)
YGO000036 (1)
YGO000037 (1)
YGO000038 (1)
YGO000039 (1)
YGO000040 (1)
YGO000041 (1)
YGO000042 (1)
YGO000043 (1)
YGO000044 (1)
YGO000045 (1)
YGO000046 (1)
YGO000047 (1)
YGO000048 (1)
YGO000049 (1)
YGO000050 (1)
YGO000051 (1)
YGO000052 (1)
YGO000053 (1)
YGO000054 (1)
YGO000055 (1)
YGO000056 (1)
YGO000057 (1)
YGO000058 (1)
YGO000059 (1)
YGO000060 (1)
YGO000061 (1)
YGO000062 (1)
YGO000063 (1)
YGO000064 (1)
YGO000065 (1)
YGO000066 (1)
YGO000067 (1)
YGO000068 (1)
YGO000069 (1)
YGO000070 (1)
YGO000071 (1)
YGO000072 (1)
YGO000073 (1)
YGO000074 (1)
YGO000075 (1)
YGO000076 (1)
YGO000077 (1)
YGO000078 (1)
YGO000079 (1)
YGO000080 (1)
YGO000081 (1)
YGO000082 (1)
YGO000083 (1)
YGO000084 (1)
YGO000085 (1)
YGO000086 (1)
YGO000087 (1)
YGO000088 (1)
YGO000089 (1)
YGO000090 (1)
YGO000091 (1)
YGO000092 (1)
YGO000093 (1)
YGO000094 (1)
YGO000095 (1)
YGO000096 (1)
YGO000097 (1)
YGO000098 (1)
YGO000099 (1)
YGO000100 (1)
YGO000101 (1)
YGO000102 (1)
YGO000103 (1)
YGO000104 (1)
YGO000105 (1)
YGO000106 (1)
YGO000107 (1)
YGO000108 (1)
YGO000109 (1)
YGO000110 (1)
YGO000111 (1)
YGO000112 (1)
YGO000113 (1)
YGO000114 (1)
YGO000115 (1)
YGO000116 (1)
YGO000117 (1)
YGO000118 (1)
YGO000119 (1)
YGO000120 (1)
YGO000121 (1)
YGO000122 (1)
YGO000123 (1)
YGO000124 (1)
YGO000125 (1)
YGO000126 (1)
YGO000127 (1)
YGO000128 (1)
YGO000129 (1)
YGO000130 (1)
YGO000131 (1)
YGO000132 (1)
YGO000133 (1)
YGO000134 (1)
YGO000135 (1)
YGO000136 (1)
YGO000137 (1)
YGO000138 (1)
YGO000139 (1)
YGO000140 (1)
YGO000141 (1)
YGO000142 (1)
YGO000143 (1)
YGO000144 (1)
YGO000145 (1)
YGO000146 (1)
YGO000147 (1)
YGO000148 (1)
YGO000149 (1)
YGO000150 (1)
YGO000151 (1)
YGO000152 (1)
YGO000153 (1)
YGO000154 (1)
YGO000155 (1)
YGO000156 (1)
YGO000157 (1)
YGO000158 (1)
YGO000159 (1)
YGO000160 (1)
YGO000161 (1)
YGO000162 (1)
YGO000163 (1)
YGO000164 (1)
YGO000165 (1)
YGO000166 (1)
YGO000167 (1)
YGO000168 (1)
YGO000169 (1)
YGO000170 (1)
YGO000171 (1)
YGO000172 (1)
YGO000173 (1)
YGO000174 (1)
YGO000175 (1)
YGO000176 (1)
YGO000177 (1)
YGO000178 (1)
YGO000179 (1)
YGO000180 (1)
YGO000181 (1)
YGO000182 (1)
YGO000183 (1)
YGO000184 (1)
YGO000185 (1)
YGO000186 (1)
YGO000187 (1)
YGO000188 (1)
YGO000189 (1)
YGO000190 (1)
YGO000191 (1)
YGO000192 (1)
YGO000193 (1)
YGO000194 (1)
YGO000195 (1)
YGO000196 (1)
YGO000197 (1)
YGO000198 (1)
YGO000199 (1)
YGO000200 (1)
YGO000201 (1)
YGO000202 (1)
YGO000203 (1)
YGO000204 (1)
YGO000205 (1)
YGO000206 (1)
YGO000207 (1)
YGO000208 (1)
YGO000209 (1)
YGO000210 (1)
YGO000211 (1)
YGO000212 (1)
YGO000213 (1)
YGO000214 (1)
YGO000215 (1)
YGO000216 (1)
YGO000217 (1)
YGO000218 (1)
YGO000219 (1)
YGO000220 (1)
YGO000221 (1)
YGO000222 (1)
YGO000223 (1)
YGO000224 (1)
YGO000225 (1)
YGO000226 (1)
YGO000227 (1)
YGO000228 (1)
YGO000229 (1)
YGO000230 (1)
YGO000231 (1)
YGO000232 (1)
YGO000233 (1)
YGO000234 (1)
YGO000235 (1)
YGO000236 (1)
YGO000237 (1)
YGO000238 (1)
YGO000239 (1)
YGO000240 (1)
YGO000241 (1)
YGO000242 (1)
YGO000243 (1)
YGO000244 (1)
YGO000245 (1)
YGO000246 (1)
YGO000247 (1)
YGO000248 (1)
YGO000249 (1)
YGO000250 (1)
YGO000251 (1)
YGO000252 (1)
YGO000253 (1)
YGO000254 (1)
YGO000255 (1)
YGO000256 (1)
YGO000257 (1)
YGO000258 (1)
YGO000259 (1)
YGO000260 (1)
YGO000261 (1)
YGO000262 (1)
YGO000263 (1)
YGO000264 (1)
YGO000265 (1)
YGO000266 (1)
YGO000267 (1)
YGO000268 (1)
YGO000269 (1)
YGO000270 (1)
YGO000271 (1)
YGO000272 (1)
YGO000273 (1)
YGO000274 (1)
YGO000275 (1)
YGO000276 (1)
YGO000277 (1)
YGO000278 (1)
YGO000279 (1)
YGO000280 (1)
YGO000281 (1)
YGO000282 (1)
YGO000283 (1)
YGO000284 (1)
YGO000285 (1)
YGO000286 (1)
YGO000287 (1)
YGO000288 (1)
YGO000289 (1)
YGO000290 (1)
YGO000291 (1)
YGO000292 (1)
YGO000293 (1)
YGO000294 (1)
YGO000295 (1)
YGO000296 (1)
YGO000297 (1)
YGO000298 (1)
YGO000299 (1)
YGO000300 (1)
YGO000301 (1)
YGO000302 (1)
YGO000303 (1)
YGO000304 (1)
YGO000305 (1)
YGO000306 (1)
YGO000307 (1)
YGO000308 (1)
YGO000309 (1)
YGO000310 (1)
YGO000311 (1)
YGO000312 (1)
YGO000313 (1)
YGO000314 (1)
YGO000315 (1)
YGO000316 (1)
YGO000317 (1)
YGO000318 (1)
YGO000319 (1)
YGO000320 (1)
YGO000321 (1)
YGO000322 (1)
YGO000323 (1)
YGO000324 (1)
YGO000325 (1)
YGO000326 (1)
YGO000327 (1)
YGO000328 (1)
YGO000329 (1)
YGO000330 (1)
YGO000331 (1)
YGO000332 (1)
YGO000333 (1)
YGO000334 (1)
YGO000335 (1)
YGO000336 (1)
YGO000337 (1)
YGO000338 (1)
YGO000339 (1)
YGO000340 (1)
YGO000341 (1)
YGO000342 (1)
YGO000343 (1)
YGO000344 (1)
YGO000345 (1)
YGO000346 (1)
YGO000347 (1)
YGO000348 (1)
YGO000349 (1)
YGO000350 (1)
YGO000351 (1)
YGO000352 (1)
YGO000353 (1)
YGO000354 (1)
YGO000355 (1)
YGO000356 (1)
YGO000357 (1)
YGO000358 (1)
YGO000359 (1)
YGO000360 (1)
YGO000361 (1)
YGO000362 (1)
YGO000363 (1)
YGO000364 (1)
YGO000365 (1)
YGO000366 (1)
YGO000367 (1)
YGO000368 (1)
YGO000369 (1)
YGO000370 (1)
YGO000371 (1)
YGO000372 (1)
YGO000373 (1)
YGO000374 (1)
YGO000375 (1)
YGO000376 (1)
YGO000377 (1)
YGO000378 (1)
YGO000379 (1)
YGO000380 (1)
YGO000381 (1)
YGO000382 (1)
YGO000383 (1)
YGO000384 (1)
YGO000385 (1)
YGO000386 (1)
YGO000387 (1)
YGO000388 (1)
YGO000389 (1)
YGO000390 (1)
YGO000391 (1)
YGO000392 (1)
YGO000393 (1)
YGO000394 (1)
YGO000395 (1)
YGO000396 (1)
YGO000397 (1)
YGO000398 (1)
YGO000399 (1)
YGO000400 (1)
YGO000401 (1)
YGO000402 (1)
YGO000403 (1)
YGO000404 (1)
YGO000405 (1)
YGO000406 (1)
YGO000407 (1)
YGO000408 (1)
YGO000409 (1)
YGO000410 (1)
YGO000411 (1)
YGO000412 (1)
YGO000413 (1)
YGO000414 (1)
YGO000415 (1)
YGO000416 (1)
YGO000417 (1)
YGO000418 (1)
YGO000419 (1)
YGO000420 (1)
YGO000421 (1)
YGO000422 (1)
YGO000423 (1)
YGO000424 (1)
YGO000425 (1)
YGO000426 (1)
YGO000427 (1)
YGO000428 (1)
YGO000429 (1)
YGO000430 (1)
YGO000431 (1)
YGO000432 (1)
YGO000433 (1)
YGO000434 (1)
YGO000435 (1)
YGO000436 (1)
YGO000437 (1)
YGO000438 (1)
YGO000439 (1)
YGO000440 (1)
YGO000441 (1)
YGO000442 (1)
YGO000443 (1)
YGO000444 (1)
YGO000445 (1)
YGO000446 (1)
YGO000447 (1)
YGO000448 (1)
YGO000449 (1)
YGO000450 (1)
YGO000451 (1)
YGO000452 (1)
YGO000453 (1)
YGO000454 (1)
YGO000455 (1)
YGO000456 (1)
YGO000457 (1)
YGO000458 (1)
YGO000459 (1)
YGO000460 (1)
YGO000461 (1)
YGO000462 (1)
YGO000463 (1)
YGO000464 (1)
YGO000465 (1)
YGO000466 (1)
YGO000467 (1)
YGO000468 (1)
YGO000469 (1)
YGO000470 (1)
YGO000471 (1)
YGO000472 (1)
YGO000473 (1)
YGO000474 (1)
YGO000475 (1)
YGO000476 (1)
YGO000477 (1)
YGO000478 (1)
YGO000479 (1)
YGO000480 (1)
YGO000481 (1)
YGO000482 (1)
YGO000483 (1)
YGO000484 (1)
YGO000485 (1)
YGO000486 (1)
YGO000487 (1)
YGO000488 (1)
YGO000489 (1)
YGO000490 (1)
YGO000491 (1)
YGO000492 (1)
YGO000493 (1)
YGO000494 (1)
YGO000495 (1)
YGO000496 (1)
YGO000497 (1)
YGO000498 (1)
YGO000499 (1)
YGO000500 (1)
YGO000501 (1)
YGO000502 (1)
YGO000503 (1)
YGO000504 (1)
YGO000505 (1)
YGO000506 (1)
YGO000507 (1)
YGO000508 (1)
YGO000509 (1)
YGO000510 (1)
YGO000511 (1)
YGO000512 (1)
YGO000513 (1)
YGO000514 (1)
YGO000515 (1)
YGO000516 (1)
YGO000517 (1)
YGO000518 (1)
YGO000519 (1)
YGO000520 (1)
YGO000521 (1)
YGO000522 (1)
YGO000523 (1)
YGO000524 (1)
YGO000525 (1)
YGO000526 (1)
YGO000527 (1)
YGO000528 (1)
YGO000529 (1)
YGO000530 (1)
YGO000531 (1)
YGO000532 (1)
YGO000533 (1)
YGO000534 (1)
YGO000535 (1)
YGO000536 (1)
YGO000537 (1)
YGO000538 (1)
YGO000539 (1)
YGO000540 (1)
YGO000541 (1)
YGO000542 (1)
YGO000543 (1)
YGO000544 (1)
YGO000545 (1)
YGO000546 (1)
YGO000547 (1)
YGO000548 (1)
YGO000549 (1)
YGO000550 (1)
YGO000551 (1)
YGO000552 (1)
YGO000553 (1)
YGO000554 (1)
YGO000555 (1)
YGO000556 (1)
YGO000557 (1)
YGO000558 (1)
YGO000559 (1)
YGO000560 (1)
YGO000561 (1)
YGO000562 (1)
YGO000563 (1)
YGO000564 (1)
YGO000565 (1)
YGO000566 (1)
YGO000567 (1)
YGO000568 (1)
YGO000569 (1)
YGO000570 (1)
YGO000571 (1)
YGO000572 (1)
YGO000573 (1)
YGO000574 (1)
YGO000575 (1)
YGO000576 (1)
YGO000577 (1)
YGO000578 (1)
YGO000579 (1)
YGO000580 (1)
YGO000581 (1)
YGO000582 (1)
YGO000583 (1)
YGO000584 (1)
YGO000585 (1)
YGO000586 (1)
YGO000587 (1)
YGO000588 (1)
YGO000589 (1)
YGO000590 (1)
YGO000591 (1)
YGO000592 (1)
YGO000593 (1)
YGO000594 (1)
YGO000595 (1)
YGO000596 (1)
YGO000597 (1)
YGO000598 (1)
YGO000599 (1)
YGO000600 (1)
YGO000601 (1)
YGO000602 (1)
YGO000603 (1)
YGO000604 (1)
YGO000605 (1)
YGO000606 (1)
YGO000607 (1)
YGO000608 (1)
YGO000609 (1)
YGO000610 (1)
YGO000611 (1)
YGO000612 (1)
YGO000613 (1)
YGO000614 (1)
YGO000615 (1)
YGO000616 (1)
YGO000617 (1)
YGO000618 (1)
YGO000619 (1)
YGO000620 (1)
YGO000621 (1)
YGO000622 (1)
YGO000623 (1)
YGO000624 (1)
YGO000625 (1)
YGO000626 (1)
YGO000627 (1)
YGO000628 (1)
YGO000629 (1)
YGO000630 (1)
YGO000631 (1)
YGO000632 (1)
YGO000633 (1)
YGO000634 (1)
YGO000635 (1)
YGO000636 (1)
YGO000637 (1)
YGO000638 (1)
YGO000639 (1)
YGO000640 (1)
YGO000641 (1)
YGO000642 (1)
YGO000643 (1)
YGO000644 (1)
YGO000645 (1)
YGO000646 (1)
YGO000647 (1)
YGO000648 (1)
YGO000649 (1)
YGO000650 (1)
YGO000651 (1)
YGO000652 (1)
YGO000653 (1)
YGO000654 (1)
YGO000655 (1)
YGO000656 (1)
YGO000657 (1)
YGO000658 (1)
YGO000659 (1)
YGO000660 (1)
YGO000661 (1)
YGO000662 (1)
YGO000663 (1)
YGO000664 (1)
YGO000665 (1)
YGO000666 (1)
YGO000667 (1)
YGO000668 (1)
YGO000669 (1)
YGO000670 (1)
YGO000671 (1)
YGO000672 (1)
YGO000673 (1)
YGO000674 (1)
YGO000675 (1)
YGO000676 (1)
YGO000677 (1)
YGO000678 (1)
YGO000679 (1)
YGO000680 (1)
YGO000681 (1)
YGO000682 (1)
YGO000683 (1)
YGO000684 (1)
YGO000685 (1)
YGO000686 (1)
YGO000687 (1)
YGO000688 (1)
YGO000689 (1)
YGO000690 (1)
YGO000691 (1)
YGO000692 (1)
YGO000693 (1)
YGO000694 (1)
YGO000695 (1)
YGO000696 (1)
YGO000697 (1)
YGO000698 (1)
YGO000699 (1)
YGO000700 (1)
YGO000701 (1)
YGO000702 (1)
YGO000703 (1)
YGO000704 (1)
YGO000705 (1)
YGO000706 (1)
YGO000707 (1)
YGO000708 (1)
YGO000709 (1)
YGO000710 (1