

A 5 TM domain BAT family

	10	20	30	40	50
BAT <i>A. aeolicus</i> 1-50	MGSNAWLFWALASAGFASLTAFKMG LQGIDSDFA	TFIRTLVILAALLL			
BAT <i>N. meningitidis</i> 1-50	MENLKA VFWALLAAFIWGTAPIFFKLG MKGEMPTLAG	IFVHNL TATSLAF			
EmrE <i>E. coli</i> 1-21	MNPYIYLGGA ILAEVIGTTLMKFSEG				
SugE <i>E. coli</i> 1-41	MSWII LVIAG	LLLEVWAVGLK	YTHGFSRLTPSVITVTAMIV		
	60	70	80	90	100
BAT <i>A. aeolicus</i> 51-100	FLTYTGKWQGVNGFTGRNWTFLILSGLATGASWLA YF	KALQLGNASQVAP			
BAT <i>N. meningitidis</i> 51-100	IGLLLLRENPFAYPLKEILSVALGGILGGFLGLWVYY	KAVKVG DVSIVAP			
EmrE <i>E. coli</i> 22-58	FTRLWPSVGTI ICYCASFWLLAQTLAYIPTG	IAYAI			
SugE <i>E. coli</i> 42-62	SMALL	AWAMKSLPVGTAYAVWTG			
	110	120	130	140	
BAT <i>A. aeolicus</i> 101-143	IDKFSLV LVALMAVVF LDERPNTQEWIGLGLVTAGVLV LALKR				
BAT <i>N. meningitidis</i> 101-143	VAASSPLFSTLLAYLILGEGLSFQKIIGALLIVLGVALVSASR				
EmrE <i>E. coli</i> 59-110	WSGVGIVLISLLSWGFFGQRLDLPALIGMMLICAGVLIINLLSRSTPH				
SugE <i>E. coli</i> 63-105	IGAVGAAITGIVLLGESANP MRLASLALIVLGIIGLKLSTH				
					L: : G: : :

B 10 TM domain DMT family

	10	20	30	40	50
YdgF-YdgE <i>E. coli</i> 1-20			MYIYWILLGLAIA TEITGTLS		
EmrE-SugE <i>E. coli</i> 1-19			MNPYIYLGGA ILAEVIGTTL		
PagO <i>S. enterica</i> 1-50	MRKVSISILFMLVSLTWGTTW LAMRIAVETIPPVFATGMRFMFAAPFLII				
RarD <i>E. coli</i> 1-49	MDAKQTRQG VLLALAA YFIWGIAPAYFKLIYYVPADEILTHRVIWSFFF				
	60	70	80	90	100
YdgF-YdgE <i>E. coli</i> 21-70	MKWASVSEGN GGFILMLVMISLSYIFLSFAVKKI ALGVAYALWEGIGILF				
EmrE-SugE <i>E. coli</i> 20-71	MKFSEGFTRLWPSVGTI ICYCASFWLLAQTLAYIPTG IAYAIWSGVGIVL				
PagO <i>S. enterica</i> 51-100	I A WLRKKTLFP PPGQRLFQFVICIFYFCIPFSLMIYGETYVNSGLAAIIF				
RarD <i>E. coli</i> 50-99	MVVLMSICRQWSY LKTLIQTPQKIFMLAVSAVLIGGNWLLFIWAVNNHHM				
	110	120	130	140	150
YdgF-YdgE <i>E. coli</i> 71-120	ITLFSVLLFDESLSLMKIA GLTTLVAGIVLIKSGTRKARKPELEVNHGAV				
EmrE-SugE <i>E. coli</i> 72-109	ISLLSWGFFGQRLDLPALIGMMLICAGVLIINLLSRSTP				
PagO <i>S. enterica</i> 101-150	ANMPVAVL IASVLF LNEKAKLMQIAGLTIAITALTGILLEETNTSTESHV				
RarD <i>E. coli</i> 100-147	LEASLG YFINP LVNIVLGMIFLGERFRMRQWLAVILAICGVLVQLWTF				
	160	170	180	190	200
YdgF-YdgE <i>E. coli</i> 121-170	MAQFEV VHAAWLALAI VLEIVANVFLKFS DGFRRKIFGLLSLA AVLAAFS				
EmrE-SugE <i>E. coli</i> 110-155	MSWII LVIAGLLEVWAVGLKYTHGFSRLTPSVITVTAMIVSMA				
PagO <i>S. enterica</i> 151-200	QGITALISAVLIHAI IYTQCKKRSC TVSVITFNALPCLLAGLILSATGW F				
RarD <i>E. coli</i> 148-198	GSLP IIALGLAFSFAFYGLVRKKIAVEAQTGMLIETMWLLPVAAIYLF AI				
	210	220	230	240	250
YdgF-YdgE <i>E. coli</i> 171-220	ALSQAVKGI DLSVAYALWGGFG IAATLAAGWILFGQRLNRKGWIGLVLL				
EmrE-SugE <i>E. coli</i> 156-205	LLAWAMKSLPVGTAYAVWTGIG AVGAAITGIVLLGESANP MRLASLAL I				
PagO <i>S. enterica</i> 201-249	FERPQVSTFSVHS ILATLYLGA FAGVFGILCYFALQQKANAFQASLVFL				
RarD <i>E. coli</i> 199-249	ADSSSTSHMGQNPMSL NLLLIAAGIVTTVPLLCTAAATRLRLSTL GFFQY				
	260	270	280	290	300
YdgF-YdgE <i>E. coli</i> 221-220	LAGMIMVKLA				
EmrE-SugE <i>E. coli</i> 156-205	VLGIIGLKLSTH				
PagO <i>S. enterica</i> 201-249	IFPLIAVSLEDYIYGAI ISTHSMLLI IPLVIGIFLTLVARNIPVTSRCRC				
RarD <i>E. coli</i> 199-249	IGPTLMFLLAVTFYGEKPGADKMVTF AFIWVALAIFVMDAIYTQRRTSK				
					L