

(A) Amgalaxin

54 : SCGGVLYNPAAEMCCHGNVEPRVGASPM
82 : CCESSSYDPSTQMCCEGTVSNKPPGIAM
110 : CCGSEAYDANSQICCNIGNINTKATGPTAQPG
141 : CCGEFSYDAASQLCCDSHPVLMVGSLPS
169 : CCGRNGYDANTSLCCGDNNVAFVSGPQAA
198 : CCGDMGYNRNTHLCCDSNVLPMPAMGA
225 : CCGSWTYSQQTHLCCCEGVQLYKGMNTG
252 : CCGAVGYNQVNSLCCEGTVPKSPSKPV
280 : CCGTTSYNPLTELCCDGIAFFKTGFIRPT
309 : CCGGAIYDATVARCCDGVPTYNVASCAGLA

Consensus

CCG...YD..T.LCC.G....K.....

(B) Amgalaxin-like 1

223 : CGRIRYIPSKQRCCN-RRVIPRHLPCPKPK
251 : CRTKYYPYSHKCCFGRIVTPKPRPCLLG
280 : CGRRYYNPLTHKCCFGRVVTPRSRPCRVS
309 : CGSKSYNPLTHRCCFGRVVTSKLRHCPLR
338 : CGVRYYNPLTHKCCFGRVVTPRSRPCSRL
367 : CGSKYYNPLTHKCCFGRVVTPKLRPCLLR
396 : CGVRYYNPLTHKCCSGRVVTPRSSPCRTV
425 : CGLKYYPNPLTHRCCFGRVVTPKSRPCPLR
454 : CGVRYYNPLTHKCCFGRVVTPRLRPCLLR
483 : CGVRYYNPLTHKCCFGRVVTPRLRPCLLR
512 : CGVRYYNPLTHKCCLG RVVTPKLRPCLLR
541 : CGVTSYNPITQKCCSRRLVISKLRPCPLK
570 : CGSRYYYPTTQKCCFGHVVKPKTSPCLLR
599 : CGLKFYNPLTFKCCVGNIVTPKPFSCPLP
628 : CGATYYKPVSHRCCYGT VILKSFK-CVIP

Consensus

CG..YYNPLTHKCCFGRVVTPK.RPCL

(C) Amgalaxin-like 2

309 : CCGSSVYTIGTQLCCSGRVLTKNSTINA--CCGTQGYNIRTHR
350 : CCGRTL YNRNTQLCCQGRI LPKRSTINA--CCGTQGYNIRTHR
391 : CCRRTL YNRNTQLCCQGRI I SKNSTINA--CCGTQGYNIRTHR
432 : CCGRTL YNRNTQLCCQGRI I SKSSTINA--CCGTQGYNISTHS
473 : CCRRTL YNRNTQLCCYGR I HAKT LSRKTRLCCGSSSYTTTTHL

Consensus

CCGRTL YNRNTQLCCQGRI..K.STINA CCGTQGYNIRTHR