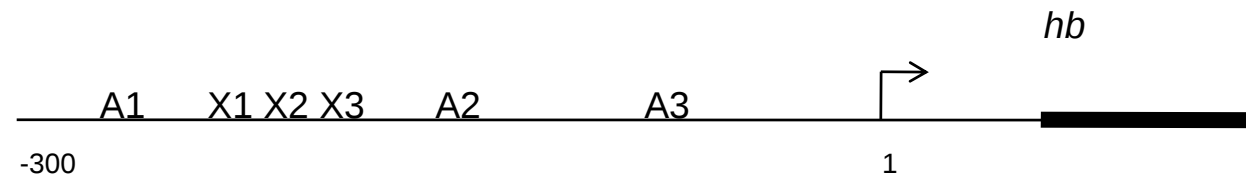


a



b

	A1	X1	X2	X3	A2	A3	
	TGGATTAA	CAGATTA-G	GCCACCAAGCTTAA	ATGATCCG	TGGATTAG	GGGATTAG	<i>D. vir</i>
	AGGATTAA	CAGATTATG	G-----AGCTTAA	ATGATCCG	TGGATTAG	GGGATTAG	<i>D. pse</i>
	TGGATTAA	CAG CT TA-G	G-----AGCTTAG G	ATGATCCG	TGGATTAA A	AGGATCAA	<i>D. ana</i>
	GGGATTAG	CAG CT TA-G	G-----AGCTTAG G	ATGATCCG	TGGATTAG	GGGATTAG	<i>D. ere</i>
	GGGATTAA	CAG CT TA- A	G-----AGCTTAG G	ATGATCCG	TGGATTAG	GGGATTAG	<i>D. yak</i>
	GGGATTAC	CAG CT TA-G	G-----AGCTTAG G	ATGATCCG	TGGATTAG	GGGATTAG	<i>D. sim</i>
	GGGATTAC	CAG CT TA-G	G-----AGCTTAG G	ATGATCCG	TGGATTAG	GGGATTAG	<i>D. sec</i>
	GGGATTAC	CAG CT TA-G	G-----AGCTTAG G	ATGATCCG	TGGATTAG	GGGATTAG	<i>D. mel</i>
	76543210	7654321 0	7	6543210	01234567	76543210	76543210