

NCBI Genome ID NC011761	Gene (locus)	Fe/S	S/Fe	Induced
<i>rus</i> operon				
AFE_3146	<i>rus</i>	13.58	0.07	Fe
AFE_3151	<i>cup</i>	30.53	0.03	Fe
Cytochrome <i>c</i> oxidase complex biogenesis operon				
AFE_3141	<i>ctaR</i>	14.75	0.07	Fe
<i>regBA</i> operon				
AFE_3137	<i>regA</i>	20.00	0.05	Fe
<i>petI</i> operon				
AFE_3108	<i>sdrA1</i>	13.08	0.08	Fe
AFE_3109	<i>petA1</i>	82.61	0.01	Fe
AFE_3110	<i>petB1</i>	51.76	0.02	Fe
AFE_3111	<i>petC1</i>	44.36	0.02	Fe
Sulfide-quinone reductase				
AFE_1792	<i>sqr</i>	0.95	1.05	
Thiosulfate-quinone oxidoreductase complex operon				
AFE_0043	(<i>doxDaII</i>)	0.18	5.49	S
AFE_0045	(<i>doxDaII</i>)	0.43	2.33	S
AFE_0049	(<i>doxDaI</i>)	1.22	0.82	
Cytochrome <i>bd</i> ubiquinol oxidase				
AFE_0955	<i>cydA</i>	0.25	4.02	S
Cytochrome <i>b_o3</i> ubiquinol oxidase				
AFE_0632	<i>cyoB</i>	0.11	9.29	S
Heterodisulfide reductase complex operon				
AFE_2553	<i>hdrA</i>	0.41	2.42	S
AFE_2555	<i>hdrC</i>	0.32	3.1	S
AFE_2586	<i>hdrB</i>	0.59	1.7	S
AFE_0282	<i>fur</i>	1.50	0.66	
AFE_0445	<i>galU</i>	1.15	0.87	
AFE_0539	<i>cysN3</i>	1.05	0.96	
AFE_1342	<i>epsS</i>	0.99	1.01	
AFE_1663	<i>glcF</i>	0.30	3.37	S
AFE_1677	<i>cbbO1a</i>	0.26	3.82	S
AFE_2157	<i>cbbO1I</i>	0.65	1.53	
AFE_2324	<i>pgm</i>	1.53	0.65	
AFE_2599	-	2.29	0.44	Fe
AFE_2602	-	0.91	1.09	
AFE_2836	<i>glbB</i>	0.68	1.47	
AFE_2840	<i>malQ</i>	0.90	1.11	
AFE_2971	<i>cysN2</i>	0.40	2.48	S
AFE_3054	<i>cbbO1b</i>	0.93	1.09	
AFE_3116	-	2.28	0.44	Fe
AFE_3119	-	10.42	0.10	Fe
AFE_3124	<i>cysD</i>	28.32	0.04	Fe