```
                10                  20        30        40        50        60              70        80        90       100
          ....|....|....|....     |....|....|....|....|....|....|....|....|...     .|....|....|....|....|....|....|....|

DEFA1     MRTLTLLTALLLLALQVQT     QSLEETADQVPAQDQPGAEAQDITISFAGDERSAREASKSLIGT     ASCTCRRAWICRWGERHSGKCID-QKGSTYRLCCRR
DEFA2     ||||A||A||||||||||      ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||     |||||||||||||||||||||||-|||||||||||
DEFA3     |K||A||A||||||||||      ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||T||     |||||||||V|K|||||||N|||-|E||A|||||||
DEFA4     |K||A||A||||||||||      ||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||||T||     |||||||||||K|||||||N|||-|E||A|||||||
DEFA5     ||||AF|||||||||A|S     |K||KAD|||S|||||||V||M||||||K||||G|||GIT||     |T||||HSNS|LSH||G||M||S-K||KA|K|||L|
DEFA6     ||||||||||||||||      ||||||||||||||||V||M||||||K||||G|||GIT||     |T||||HSNS|LSH||G||M||S-K||KA|K|||L|
DEFA7     ||||AF|||||||||A||     |N||KAD|||S|||||||V||M||||||K||||G|||GIT||     |T||||HSNS|LSH||G||M||S-K||KA|K|||L|
DEFA8     ||||A||SS||||||HA|A     |P|G|KD|H||||||||DV|GM||||E|||||T|D||-GSKA|     LV|H|S|-TF|QNSYQEL|T|TGIPS|TL||||||--------RG
DEFA9     ||||A||SS||||||HA|A     |P|G|KD|||||||||DV|GM||||E|||||T|D||-GSKA|     LV|H|S|-TF|QNSYQEL|T|TGIPS|TL||||||--------RG
DEFA10    ||||A||A||||||FHA|A     |P|G|ND||||||||||DV|GM||||E|||||T|D||-GSKA|     LV|H|S|-TF|QNSYQEL|T|TGIPS|TL||||||--------RG
DEFA11    ||||A||LS||||||HA|A     |P|G|ED||||||||||DV|GM||||E|||||T|D||-GSKA|     LV|H|S|-TF|QNSYQEL|T|TGIPS|TL||||||--------RG
DEFA12    ||||A||AS||||V|HA|A     |||||R||H||||||||V||M|||||||P|SPY|A-E|Q||     PT|H||P-FT|YS||SP||H|E--G||FQR|R||||
DEFA13    ||||A||AS||FVPHA|A     |||||R||H|S|||||||V||M|||||||P|SPY|A-E|Q||     PT|H||P-FT|YS||SP||H|E--G||FQR|R||||
DEFA14    ||||A||AS||FV|HA|A     |||G|R||H|S||||||||V||M||||||||P|SPY|A-E|Q||     PT|H||A-FT|NS||SP||H|E--G||FQH|R||||
DEFA15    ||||A||AS||||V|HA|A     |||||R||H||||||||V||M|||||||P|SPY|A-E|Q||     PT|H||A-FT|NS||SP||H|E--G||FQH|R||||
DEFA5L    ||||||A||R|||||||      ||||||||||||||||||M||||||||||||||RP|--     -V|||||P|S||L||||||T|R|-GQ|LI|||||||
DEFA16    ||||A||A||VF|||A||     EP|GD|D||L||||||S|V|QM||||E|GD|||||||-GHQSI     HF|I||Y-GR|HSH||S||S|P--|IS|RHKR||L|
DEFA17    ||||A||A|||||V||A||     |KS|KA|||||||||E||F|EVI|||G|N||||QNDT-A|QEA     ST|R||--VF||FR||R||T|AG--R|IQN||||P|RPPNRFRPTVAQDFI
DEFA18    ||||A||A|||||V||A||     |KS|KA|||||||||E||F|EVI|||G|N||||QNET-A|QEA     ST|R||--VF|HFR||R||T|AG--R|IQN||||P|RPPNRFRPTVAQDFI
DEFA19    ||||A||SS||||V||A||     |KS|KA|||||||||E||F|EVI|||G|N||||QNET-A|QEA     ST|R||--VF|HFR||R||T|AG--R|IQN||||P|RPPNRFRPTVAQDFI
DEFA20    ||||A||A||||||FHA|A     EP|G|KD|||||||||||DV|GM||||E|A|||T|D|A-GSRPG     LI|H|S--SF|QRPYKQE|I|T---T|PFQ|||||PDRR----RGPR
DEFA21    ||||A||A||||||FHA|A     EP|G|ND|||||||||||DV|GM||||E|||||T|D|A-GSRPG     LI|H|S--SF|QRPY|EE|I|T---R|LPI|||||PDRR----RGPR
DEFA22    ||||A||A||||||FHA|A     EP|G|KD|||||||||||DV|GM||||E|||||T|D|A-GSRPG     LI|H|S--SF|QRPHKQE|I|T---R|KLK|||||PDGR----RGPR
DEFA23    ||||A||A||||||FHA|A     EP|G|KD|||||||||||DV|GM||||E|A|||T|D||-GSRPG     LI|R|S--SF|QRPY|EE|I|T---T|LPK|||||PDRR----RGPR
DEFA24    ||||A||A||||||FHA|A     EP|G|KD|||||||||||DV|GM||||E|A|||T|D|A-GSRPG     LI|H|S--SF||RPY|EE|I|T---R|QPK|F|||--------RGPR
DEFA25    ||||A||A||||||FHA|A     |P|G|ND|||||||||||V|GM||||E|||||T|D||-GSRSA     LI|H|S--FS||SPYKKI|Y|H----LRRLHF||PSWLNFVD
DEFA26    ||||A||A||||||H|T|A     VT|G|ND|||||||||||V|GM||||E|||||T|D||-GSRSA     LI|H|S--FS||SPYKKI|Y|H----LRRLHF||PSWLNFVD
DEFA27    ||||A||A||||||FHA|A     EP|G|ND|||||||||||V|GM||||E|||||T|D||-GSRSA     LI|H|S--FS||SPYKKI|Y|H----LRRLHF||PSWLNFVD
DEFA28    ||||A||A|||||V||A||     |KS|KA|||||||||||V|GM||||E|||||T|D||-GSRSA     LI|H|S--FS||SPYKKI|Y|H----LRRLHF||PSWLNFVD
DEFA29    ||||A||A|||||V||A||     |KS|KA|||||||||E||F|EVI|||G|N|||T|D||-GSRSA     LI|H|S--FS||SPYKKI|Y|H----LRRLHF||PSWLNFVD
DEFA30L   ||||A||A||||||HA|A     EP|G|KD|||||||||||DV|GM||||E|||||T|D|A-GSRPD     LMSH|G--PS|QRPSQPQ|IFN---||PLK|V|||PPLRPFIPRPPPPPPPPFPRPPPRLG
DEFA31L   ||||A||A||||||Y|T|A     VT|G|RD|||||L||T|||V||L||||||||||T|D||-DRKRK     LK|K|KL-KFSDS
DEFA32L   ||||A||A||||||Y|T|A     VT|G|RD|||||L||T|||V||LA||||||||T|D||-DRKRK     LK|K|KL-KFSDS
DEFA33L   ||||A||A||||||FHA|A     |P|G|ND|||||||T|||V||L||||||||||T|D||-DRKRK     LK|K|KL-KFSDS
DEFA34L   ||||A||A||||||FHA|A     |P|G|ND|||||||||||V|GM||||||||||T|D||-DRKRK     LK|K|KL-KFSDS
DEFA35L   ||||A||AT||||VF|A|A     KP|G|KD||L||||E|||KVP|TIT|LE|||GAT|Q||-GHEKQ     KG|F|IG-LL|YCP
DEFA36L   ||||A||A|||||VF|A|A     KP|G|KD|||||R|E|||KVP|TI|||E||||AT|QV|-GHKKP     KL|V||V-LP|FCL
DEFA37L   ||||A||SS||||||HA|A     |P|G|R
```

Signal peptide | Propiece | Mature α-defensin peptide