Probe ID Agilent	Genome address	Chrom address	Gene mRNA	Sample ID											
				Case 162	Case 192	Case 193	Case 179	Case 200	Case 195	Case 164	Case 184	Case 180	Case 181	case 163	Case 156
A_16_P38023535	chr7:050386290-050386349	7p12.2	*IKZF1*	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔			
A_14_P201201	chr7:050422509-050422566	7p12.2	*IKZF1*	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔			
A_14_P106733	chr7:050426827-050426886	7p12.2	*IKZF1*	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔			
A_16_P01695410	chr7:038277728-038277787	7p14.1	*TARP*	✔	✔	✔	✔	✔		✔	✔		✔	✔	✔
A_16_P01695436	chr7:038290450-038290509	7p14.1	*TCRG*	✔	✔	✔	✔	✔		✔	✔	✔	✔	✔	✔
A_16_P01695465	chr7:038305379-038305438	7p14.1	*TCRG*	✔	✔	✔	✔	✔		✔	✔	✔	✔	✔	✔
A_16_P17913632	chr7:038318910-038318969	7p14.1	*TCRG*	✔	✔	✔	✔	✔		✔	✔	✔	✔	✔	✔
A_14_P104477	chr7:038343026-038343085	7p14.1	*TCRG*	✔	✔	✔	✔	✔		✔		✔	✔	✔	✔
A_16_P37994746	chr9:021067574-021067633	7p14.1	*TCRG*	✔	✔	✔	✔	✔		✔		✔	✔		
A_14_P124911	chr7:033912947-033913006	9p21.3	*INFB1*	✔	✔	✔	✔	✔		✔	✔		✔		✔
A_16_P18538487	chr9:005605531-005605590	9p24.1	C9orf46	✔	✔	✔		✔	✔	✔			✔		
A_14_P116482	chr9:020352727-020352787	9p21.3	*MLLT3*	✔	✔	✔	✔	✔	✔				✔		
A_14_P126758	chr9:020446703-020446762	9p21.3	*MLLT3*	✔	✔		✔	✔	✔				✔		
A_14_P111169	chr9:020510469-020510528	9p21.3	*MLLT3*	✔	✔	✔	✔	✔	✔				✔		
A_16_P02076341	chr9:021910518-021910577	9p21.3	*AF109294*	✔	✔	✔	✔	✔	✔				✔		
A_14_P112983	chr9:021980522-021980581	9p21.3	*CDKN2A*	✔	✔	✔	✔	✔	✔				✔		
A_14_P109345	chr9:036390093-036390155	9p13.2	*RNF38*	✔	✔	✔	✔	✔	✔				✔		
A_16_P40117897	chr14:021981288-021981347	14q11.2	*TCRA/D*	✔		✔	✔	✔		✔	✔		✔		
A_16_P02873808	chr14:021993784-021993843	14q11.2	*TCRA/D*	✔	✔	✔	✔		✔	✔	✔		✔		
A_16_P19976889	chr14:022005835-022005894	14q11.2	*TCRA/D*	✔	✔	✔	✔		✔	✔	✔		✔		
A_16_P40322315	chr14:105413708-105413767	14q32.33	*IGH@*	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔	✔
A_14_P200723	chr14:105481523-105481582	14q32.33	*IGH@*	✔	✔	✔	✔			✔	✔	✔	✔	✔	✔
			Short arm of chromosome 7	✖	✖	■	■	■	✖	■	■	■	✖	■	■
			Short arm of chromosome 9	■	✖	■	■	✖	✖	■	■	■	✖	■	■
			Long arm of chromosome 14	■	■	■	■	✖	■	■	■	■	■	■	■

Legend:

✔ marks loss of a probe; ✖ marks genome loss identified by aCGH and G banding; ■ marks genome loss detected only by aCGH; colour depicts the most frequently affected loci.