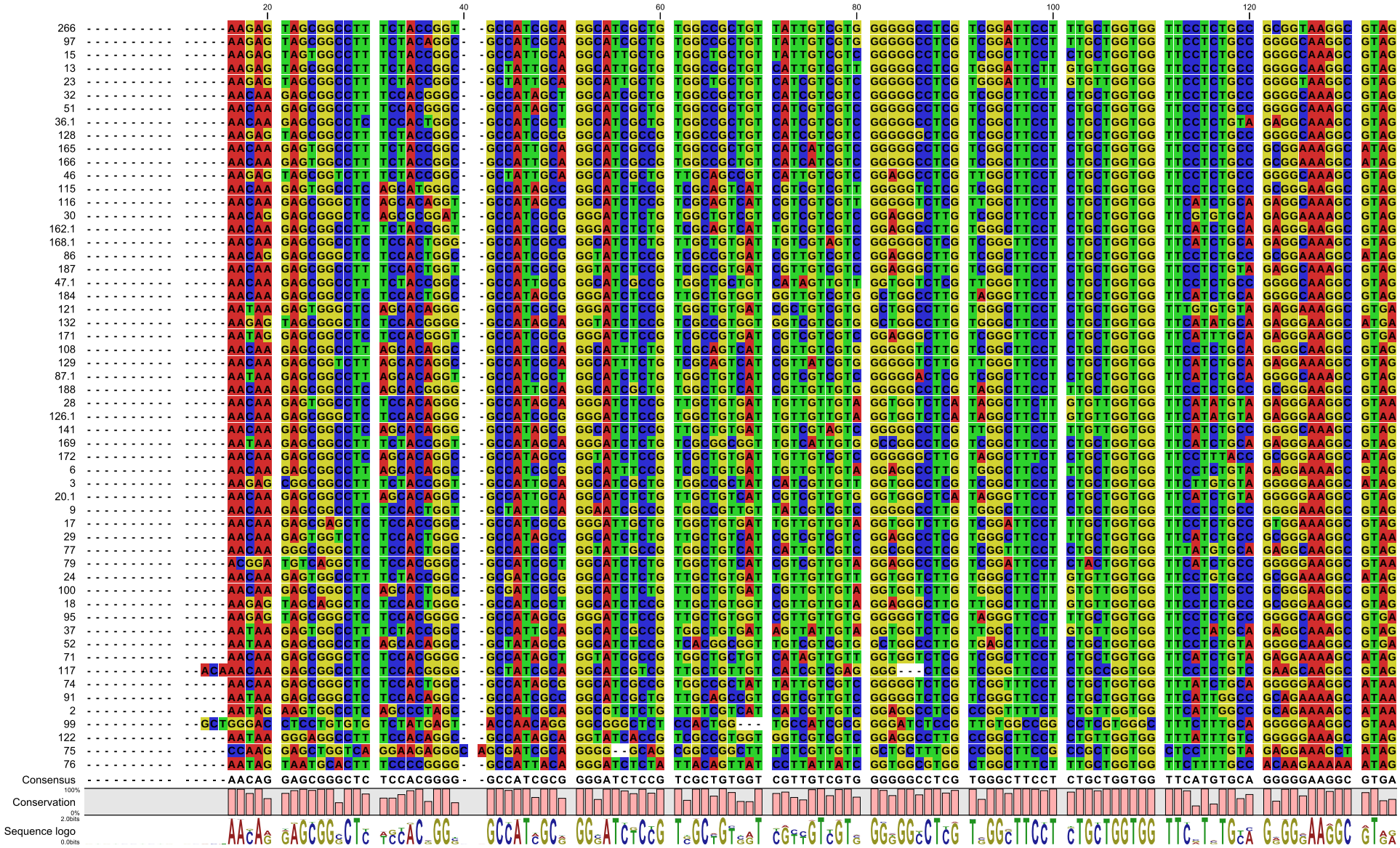
```
                                   20         40         60         80         100        120
11   ---------- -----AACAG GGGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
44   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
192  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
196  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
218  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
220  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
233  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
12   ---------- -----AACAG GGGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCCGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
60   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC ATGA 117
62   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
261  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
270  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
290  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
85   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
246  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
255  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
170  ---------- -----AACAG GGGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
240  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
286  ---------- -----AACAG GAGCGCGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
93   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCCGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
81   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCGCGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
139  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCGCGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
217  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCGCGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
119  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCGCGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
138  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCGCGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
257  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCGCGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
267  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCGCGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
104  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC AGCACGGGC- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCCGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
202  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
225  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
200  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCCGTGGT CGTTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
206  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TGGCTGTGGT CGTTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTAG 117
224  ---------- -----AACAA GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGSATCTCCG TGGCTGTGGT CGTTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
105  ---------- -----AACAG GGGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
203  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCGTCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
247  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCGTCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
14   ---------- -----AATAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATAGCT GGCATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
123  ---------- -----AATAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATAGCT GGCATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
193  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC AGCACTGGT- -GCCATAGCC GGCATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
31   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC TCCACGGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCC GGGGGAAGGC GTGA 117
204  ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC TCCACGGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCC GGGGGAAGGC GTGA 117
136  ---------- -----AATAG GAGCGGCCTC AGCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
262  ---------- -----AATAG GAGCGGCCTC AGCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
50   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCA TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GAGGGAAGGC GTAG 117
215  ---------- -----AACAG GGGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGTCTCA TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
58   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTG TCTACTGGC- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCTGTGGT CGTTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
152  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTG TCTACTGGC- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
154  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTG TCTACTGGC- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
250  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTG TCTACTGGC- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCTGTGGT CGTTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
68   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTG TCTACTGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
82   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATGA 117
140  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATGA 117
149  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATGA 117
150  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATGA 117
151  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATGA 117
153  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATGA 117
210  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATGA 117
245  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATGA 117
259  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATGA 117
263  ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATGA 117
61   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGTGGTCTCA TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
65   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGTCTCA TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
19   ---------- -----AATAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGTCGTCGTG GGGGGTCTCA TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
63   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGTGGTCTCA TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
70   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC ATAA 117
84   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCGTCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
```

```
20 40 60 80 100 120
102   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC AGCACGGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
276   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC AGCACGGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGGA GGGGGAAGGC GTGA 117
158   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCGCGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGCCGTCGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
277   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGCCGTCGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
254   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATRTGTA GRGGGAAGGC GTGA 117
92    ---------- -----AACAG GAGCGGGCTT TCCACGGGG- -GCCATAGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
103   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTT TCCACGGGG- -GCCATAGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
227   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGC- -GCCATCGCG GGCATTGCCG TCGCCGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
94    ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC AGCACGGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTAG 117
110   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC AGCACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATGA 117
134   ---------- -----AACAG GGGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGTCTCA TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
163   ---------- -----AACAG GGGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGTCTCA TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
289   ---------- -----AACAG GGGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGTCTCA TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
135   ---------- -----AATAG GAGCGGCCTC AGCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATTGCCG TCGCCGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
212   ---------- -----AATAG GAGCGGCCTC MGCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATTGCCG TCGCCGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
213   ---------- -----AATAG GAGCGGCCTC CGCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATTGCCG TCGCCGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
214   ---------- -----AATAG GAGCGGCCTC CGCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATTGCCG TCGCCGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
251   ---------- -----AATAG GAGCGGCCTC CGCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATTGCCG TCGCCGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
284   ---------- -----AATAG GAGCGGCCTC CGCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATTGCCG TCGCCGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
199   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC AGCACAGGG- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TGGCTGTGGT CGTTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
21    ---------- -----AAGAG TAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCTATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
176   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TTGCTGTGAT TGTTGTTATC GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
178   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TTGCTGTGAT TGTTGTTATC GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
179   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TTGCTGTGAT TGTTGTTATC GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
241   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TTGCTGTGAT TGTTGTTATC GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
177   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TTGCTGTGAT TGTTGTTATC GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
38    ---------- --ACGAACAG GAGCGGCCTC AGCACGGGG- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TCGCTGT--- CATCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
83    ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
111   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
137   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
191   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
216   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
222   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
234   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
235   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
248   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
271   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
272   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
279   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
112   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
238   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
265   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
285   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
223   ---------- -----AACAR RAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
268   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
109   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
195   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
231   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
228   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCTT GTGTTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
249   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGTACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCTT GTGTTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
174   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC AGCACAGGC- -GCCATAGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGTCGTCGTG GCCGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
143   ---------- -----AACAG GGGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTTGTTGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
144   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCGTCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTTGTTGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
145   ---------- -----AACAA GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATAGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
56    ---------- -----AACAG AAGCGGGCTC TCCACGGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCCGTGGT CGTTGTTGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
242   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC AGCACGGGC- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCCGTGGT CGTTGTTGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
57    ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCGCGGGG- -GCCATCGCG GGCATTGCCG TGGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
287   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCGCGGGG- -GCCATCGCG GGCATTGCCG TGGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
59    ---------- -----AACAG GGGCGGGCTC AGCACAGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGTTGTCGTG GGCGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
107.1 ---------- -----AATAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATAGCG GGGATCTCCG TCGCAGTCAT CGTCGTCGTC GGGGGTCTCA TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
207   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCTT GTGTTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
69    ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC AGCACTGGT- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TGGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
106   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TGGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCC GGGGGAAGGC ATAA 117
80    ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC TCCACGGGT- -GCCATTGCA GGCATCTCCG TCGCTGTCGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTGA 117
146   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCCGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCTT GTGTTGGTGG TTTGTGTGTA GAGGGAAGGC GTAG 117
147   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCCGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCTT GTGTTGGTGG TTTGTGTGTA GAGGGAAGGC GTAG 117
```

```
                                 20                   40                   60                   80                  100                  120
78    ---------- -----AACAA GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCT GGCATCTCCG TCGCGGCGGT TGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTAG 117
40    ---------- -----AACAG GGGCGGCCTC TCCACTGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCA TCGCTGTCGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
66    ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC AGCACAGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
198   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC AGCACAGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
190   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC AGCACAGGG- -GCCATCGCG GGGATCGCCG TCGCCGTGGT CGTCGTTGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
201   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC AGCACAGGG- -GCCATCGCG GGGATCGCCG TCGCCGTGGT CGTCGTTGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
209   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC AGCACAGGG- -GCCATCGCG GGGATCGCCG TCGCCGTGGT CGTCGTTGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
73    ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGCACAGGC- -GCCATAGCA GGTATCTCCG TCGCTGTGGT GGTTGTCGTG GCTGGCCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGCA GAGGGAAGGC ATGA 117
131   ---------- -----AGCAG AAGCGGCCTC AGCACAGGC- -GCCATAGCA GGTATCTCCG TCGCTGTGGT GGTTGTCGTG GCTGGCCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGCA GAGGGAAGGC ATGA 117
72    ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC AGCACAGGC- -GCCATAGCA GGTATCTCCG TCGCTGTGGT GGTTGTCGTG GCTGGCCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGCA GAGGGAAGGC ATGA 117
221   ---------- -----AACAG AAGCGGCCTC AGCACAGGC- -GCCATAGCA GGTATCTCCG TCGCTGTGGT GGTTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
39    GTGTCCTCTG GCACCAACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TGGCTGTGGT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGC------ ---------A GGGGGAAGGC GTAG 117
157   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC AGCACAGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCCGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
64    ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCTT GTGTTGGTGG TTCCTGTGTA GGGGGAAGGC ATGA 117
124   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATAGCA GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCTT GTGTTGGTGG TTCCTGTGTA GGGGGAAGGC ATGA 117
54    ---------- -----AACAA GAGCGGCCTT TCCACTGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCAGCCGT CGTCGTCGTG GCCGGCCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCC GTGGAAAGGC GTAG 117
98.1  ---------- -----AACAA GAGCGGCCTT TCCACTGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCAGCCTT CGTCGTCGTG GCCGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
67    ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACAGGT- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
175   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACTGGC- -GCCATCGCT GGCATCGCCG TGGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGTA GAGGGAAGGC GTGA 117
90    ---------- -----AAGAG TAGCGGCCTC TCCACGGGG- -GCCATAGCT GGTATCTCCG TGGCTGTGGT CGTCGTCGTG GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGTA GGGGTAAGGC GTAG 117
120   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTTGTTGTA GGAGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTTATTTGCC GCGGTAAGGC GTAG 117
243   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGGT CGTTGTTGTA GGAGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTTATTTGCC GCGGTAAGGC GTAG 117
173   ---------- -----AACAG GAGCGGCCTC TCCACGGGG- -GCCATCGTG GGGATCTTCG TCGCAGTCAT CGTTGTTGTG GGGGGCCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
161   ---------- -----AACAA GAGCGGGCTC TCCACTGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCAGTCAT CGTCGTTGTG GGGGGTCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
236   ---------- -----AACAA GAGCGGGCTC TCCACTGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCAGTCAT CGTCGTTGTG GGGGGTCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
275   ---------- -----AACAA GAGCGGGCTC TCCACTGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCAGTCAT CGTCGTTGTG GGGGGTCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
5     ---------- -----AACAA GAGCGGGCTC TCCACTGGT- -GCCATAGCG GGTATCTCCG TCGCTGTCAT CGTTGTTGTC GGCGGCCTCA TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
10    ---------- -----AACAG GGGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGAT TGTTGTCGTT GGGGGCCTCG TGGGCTTCTT GTGTTGGTGG TTCATCTGCC GCGGAAAGGC GTAG 117
142   ---------- -----AACAG GAGCGGGCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCGGCGGT TGTCGTCGTG GCTGGCCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCC GGGGCAAGGC GTAG 117
41    ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACTGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCAGTCAT CGTCGTCGTC GGAGGGCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTTATCTGCC GTGGAAAGGC GTAG 117
42    ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACTGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCAGTCAT CGTCGTCGTC GGAGGGCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTTATCTGCC GTGGAAAGGC GTAG 117
25    ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACAGGC- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCAGTCAT CGTCGTCGTC GGAGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCC GGGGCAAGGC GTGA 117
180   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACTGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCAGCCAT CGTCGTCGTC GGGGGCCTCA TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGTC GGGGGAAGGC GTAA 117
26.1  ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACAGGC- -GCCATAGCG GGGATCTCTG TCGCTGTCAT CGTTGTTGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCC GGGGCAAGGC GTGA 117
127   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACAGGC- -GCCATAGCG GGGATCTCTG TCGCTGTCAT CGTTGTTGTG GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCC GGGGCAAGGC GTGA 117
114   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTT AGCACAGGC- -GCCATAGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGTTGTTGTC GGCGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCA GGGGCAAGGC GTAG 117
35    ---------- -----AACAA GAGCGGCCTT TCTACCGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTCAT CGTTGTCGTC GGGGGCCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCA GGGGCAAGGC GTAG 117
183   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTT TCTACCGGC- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCTGTCAT CGCTGTCGTG GGGGGTCTCG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GAGGGAAGGC ATAG 117
89    ---------- -----AACAA GAGCGGCCTT TCTACCGGC- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGTCGTTGTG GGGGGCCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTGTGTA GGGGGAAGGC GTGA 117
159   ---------- -----AATAA GAGCGGCCTT TCTACCGGC- -GCCATCGCT GGCATCTCCG TCGCAGCCAT CGTCGTCGTC GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGTC GGGGGAAGGC GTAA 117
181   ---------- -----AATAA GAGCGGCCTT TCTACCGGC- -GCCATCGCT GGCATCTCCG TCGCAGCCAT CGTCGTCGTC GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGTC GGGGGAAGGC GTAA 117
43    ---------- -----AACAG GAGTGGCCTT TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TCGCTGTGAT TGTTGTTGTA GGAGGCCTCG TCGGATTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCA GGGGCAAGGC GTAG 117
49    ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACAGGC- -ACCATCGCG GGGATCTCTG TTGCTGTGAT TGTCGTCGTC GGAGGGCTTG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCGTGTGCA GAGGGAAGGC GTAG 117
101   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC TCCACGGGG- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TTGCTGTGAT TGTTGTCGTC GGAGGGCTTG TCGGATTCCT TTGCTGGTGG TTCCTCTGCC GCGGGAAGGC GTAG 117
118   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACGGGG- -GCCATAGCC GGTATCTCTG TTGCTGTGAT TGTTATTGTA GGTGGTCTTG TCGGATTCCT TTGCTGGTGG TTCCTCTGCC GCGGGAAGGC GTAG 117
189   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACGGGG- -GCCATAGCC GGTATCTCCG TCGCTGTGAT TGTTGTTGTA GGGGGTCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCC GCGGAAAGGC ATAG 117
182   ---------- -----AACAA GAGCGGGCTC TCCACGGGC- -GCCATCGCT GGCATCTCCG TCGCAGCCAT CGTCGTCGTC GGAGGGCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCA GAGGCAAAGC GTAG 117
185   ---------- -----AACAA GAGCGGGCTC TCCACGGGC- -GCCATCGCT GGCATCTCCG TCGCAGCCAT CGTCGTCGTC GGAGGGCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCA GAGGCAAAGC GTAG 117
4     ---------- -----AAGAG TAGCGGCCTT TCTACCGGC- -GCTATCGCA GGCATCGCTG TGGCTGCTGT CATCGTTGTA GGAGGCCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTTTGCC GCGGGAAGGC GTAG 117
113   ---------- -----AAGAG TAACGGCCTT TCTACTGGC- -GCTATTGCA GGCATTGTTG TGGCTGCTGT CATCGTTATA GGAGGGCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGCC GCGGGAAGGC GTAG 117
1.1   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTT TCCACGGGC- -GCCATCGCA GGCATCGCTG TGGCTGCTGT CATCGTTGTA GGAGGCCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCA GAGGAAAGGC GTAG 117
156   ---------- -----AAGAG TAGCGGTCTT TCTACCGGC- -GCCATAGCA GGCATCGCTG TGGCTGCTGT CATCGTTGTA GGAGGGCTCG TCGGCTTCCT TTGCTGGTGG TTCATATGTA GGGGGAAAGC GTAG 117
16    ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACAGGC- -GCCATAGCG GGCATCTCTG TGGCTGTCAT CGTTGTAGTC GGGGGTCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGTA GAGGAAAAGC ATAG 117
27    ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC AGCACAGGG- -GCCATAGCT GGTATCTCCG TCGCAGTCAT CGTTGTAGTC GGGGGTCTTG TGGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTCCTCTGTA GAGGAAAGGC GTAG 117
33    ---------- -----AACAA GAGCGGGCTC TCCACTGGC- -GCCATTGCA GGCATCTCCG TTGCTGTGAT TGTTGTTGTA GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTTATTTGTA GAGGAAAGGC GTAG 117
167   ---------- -----AACAA GAGCGGGCTC TCCACTGGC- -GCCATTGCA GGCATCTCCG TTGCTGTGAT TGTTGTTGTA GGGGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTTATTTGTA GAGGAAAGGC GTAG 117
53.1  ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC TCCACGGGT- -GCCATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTGAT TGTTGTTGTA GGTGGCCTCG TCGGCTTCCT CTGCTGGTGG TTTATCTGCC GTGGAAAGGC GTAG 117
48.1  ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC TCCACGGGT- -GCCATCGCG GGGATCTCTG TGGCTGTGGT CGTCGTTGTG GGGGGCCTCG TAGGCTTTCT CTGCTGGTGG TTTATCTGCC GTGGAAAGGC GTAG 117
130   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTT TCTACTGGC- -GCCATCGCA GGCATCGCTG TGGCTGTCAT CGTTGTTGTG GGGGGCCTCG TAGGCTTCCT TTGCTGGTGG TTCCTGTGCA GAGGAAAAGC ATAG 117
7.1   ---------- -----AACAA GAGCGGCCTC TCCACTGGG- -GCCATCGCG GGTATCTCCG TTGCTGTGGT GGTTGTTGTG GGTGGTCTCG TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATATGTA GGGGGAAGGC GTAG 117
160   ---------- -----AACAA GAGCGGTCTC AGCGCGGGC- -GCTATCGCG GGTATCTCCG TCGCAGTCAT CATTGTTGTC GGCGGTCTTG TTGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTTATGTGCA GAGGCAAGGC GTAG 117
186   ---------- -----AACAA AAGTGGTCTC AGCGCGGGC- -GCCATCGCG GGCATCTCCG TCGCAGTCAT CATTGTTGTC GGCGGTCTTG TTGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTTATGTGCA GAGGAAAAGC GTAG 117
88    ---------- -----AACAA AAGTGGTCTC AGCGCAGGC- -GCCATCGCG GGCATCGCTG TTGCTGTCAT CATTGTTGTC GGCGGCCTCG TCGGTTTCCT TTGCTGGTGG TTTATGTGCA GAGGCAAGGC GTAG 117
8     ---------- -----AACAA GAGCGGTCTC AGCGCGGGC- -GCTATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGTCGTTGTG GCTGGTCTCG TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCA GAGGCAAAGC GTAG 117
45    ---------- -----AACAA GAGCGGTCTC AGCGCGGGC- -GCTATCGCG GGGATCTCCG TGGCTGTCAT CGTCGTTGTG GCTGGTCTCG TAGGGTTCCT CTGCTGGTGG TTCATCTGCA GGGGGAAGGC GTAG 117
34    ---------- -----AAGAG TAGCGGCCTT TCTACCGGT- -GCCATCGCA GGCATCGCTG TGGCCGCTGT TATTGTCGTG GGGGGCCTCG TCGGATTCCT TTGCTGGTGG TTCCTCTGCC GCGGTAAGGC GTAG 117
```


Consensus
Conservation
Sequence logo