

Retroviral aspartyl protease domain

<i>Arabidopsis_Athila</i>	180	P C S I R Q L T F S N S L C D L G A S V S I M P L S M A R K L G F V Q Y K P C D L T L I L A D R T S	229
iORF_487	1	-----M V V R V C E A L P L G D V R P T T M T L Q L A D R T Y	28
<i>Arabidopsis_Athila</i>	230	R R P F G L L E D V P V M I N G V E V P I D F V V L E M D E E S K D P L I L G R P F L A S A G A V I	279
iORF_487	29	R H Q A G I L V G V P V I V G N F A F P V D F V V L E M E D K S - E P I I L G R P F L A T A G A V I	77
<i>Arabidopsis_Athila</i>	280	D V K Q G K I N L N L G E D F K M K F E I R N T M K K P T I E G Q T F L V E E M G Q L A N E L L E E	329
iORF_487	78	D V K D A K L T L Q F G E E - K V S F D M R H P T H L P H C P D L C F T I D V I D E C V T E T Y - -	124

<i>Phyllostachys</i> LTR	369	E S N E L E K L T G K G I M G Y V I E L Q S L K G E E R N N T V N T L Y Q N L I Q T Y M D I F K E P	418
iORF_502	1	----M N K L L N K G I S G F I L H L N S L S L Q A P H S S A P P A I S A L L Q Q Y S E V F Q E P	46
<i>Phyllostachys</i> LTR	419	T D L P P E R G C D H S I P I K D N S V P P N I R P Y R V P H R Q K N E M E Q Q I Q N L L E S S I I	468
iORF_502	47	T T L P P H R D I D H A I P L Q E G A T P P N I R P Y R V P H K Q K D E M E H Q I Q Q L L K N Q V I	96
<i>Phyllostachys</i> LTR	469	R P S T S P Y A S P A I L V K K K D G S W R L C I D Y R E L N A Q T I K N K Y P I P V I E D L L D E	518
iORF_502	97	R H S Q S P Y A S P A I L V K K K D S W R L C I D Y R K L N S Q T I K N -----	133

Reverse transcriptase domain