

Table 2. Average GC3 levels, standard deviation and gene number of KOG's functional categories.

	Organism	KOG**			BLUE*			BLACK*			RED*		
		GC3	s.d.	#	GC3	s.d.	#	GC3	s.d.	#	GC3	s.d.	#
Mammals	<i>H. sapiens</i>	0.584	0.159	12942	0.568	0.154	3534	0.584	0.163	6745	0.604	0.155	2663
	<i>G. Gorilla</i>	0.609	0.162	6268	0.593	0.166	1491	0.609	0.166	3357	0.626	0.148	1420
	<i>P. pygmaeus</i>	0.594	0.164	7455	0.583	0.167	1766	0.593	0.166	4012	0.611	0.154	1677
	<i>M. musculus</i>	0.606	0.114	7505	0.596	0.127	1780	0.605	0.112	4032	0.617	0.101	1693
	<i>O. cuniculus</i>	0.630	0.175	5413	0.609	0.179	1296	0.629	0.177	2867	0.653	0.164	1250
	<i>S. tridecemlineatus</i>	0.565	0.154	5455	0.542	0.157	1325	0.567	0.155	2900	0.584	0.144	1230
	<i>B. taurus</i>	0.630	0.167	7139	0.613	0.171	1706	0.632	0.169	3794	0.642	0.155	1639
	<i>E. caballus</i>	0.609	0.164	7102	0.594	0.170	1649	0.608	0.165	3840	0.626	0.153	1613
	<i>P. vampyrus</i>	0.605	0.164	6780	0.590	0.170	1638	0.607	0.165	3607	0.619	0.155	1535
	<i>T. truncatus</i>	0.618	0.167	6812	0.602	0.172	1635	0.617	0.169	3634	0.635	0.155	1543
	<i>L. africana</i>	0.583	0.152	5704	0.575	0.157	1413	0.582	0.153	3007	0.595	0.141	1284
	<i>D. novemcinctus</i>	0.585	0.180	5358	0.563	0.181	1310	0.585	0.182	2832	0.607	0.173	1216
	<i>O. anatinus</i>	0.648	0.166	5287	0.646	0.169	1319	0.645	0.166	2734	0.657	0.161	1234
	<i>M. domestica</i>	0.533	0.145	3598	0.529	0.153	1641	0.531	0.144	3598	0.542	0.137	1578
Reptiles	<i>A. cardiensis</i>	0.539	0.159	5959	0.535	0.158	3063	0.546	0.1655	1498	0.539	0.153	1398
Amphibians	<i>X. tropicalis</i>	0.500	0.112	3584	0.499	0.112	1753	0.499	0.1174	961	0.501	0.108	870

(*) Blue, Black and Red refers to the gene classification of KOG database (see Materials and Methods).

(**) Genes orthologous to KOG human genes.

(#) Number of genes.