

Table 1 List of *Salmonella* genomes used in this study.

GPID	Organism	Status	Contigs	Genes	Serogroup (O antigen)	color
30943	S.Paratyphi A str. AKU_12601	complete	1	4351	O:2	blue
13086	S.Paratyphi A str. ATCC 9150	complete	1	4348	O:2	blue
19465	S.4,[5],12:i:- str. CVM23701	assembly	113	4694	O:4	green
20063	S.Agona str. SL483	complete	2	4508	O:4	green
20045	S.Heidelberg str. SL476	complete	3	4680	O:4	green
20065	S.Heidelberg str. SL486	assembly	48	4432	O:4	green
27803	S.Paratyphi B str. SPB7	complete	1	4561	O:4	green
19461	S.Saintpaul str. SARA23	assembly	2	4350	O:4	green
19463	S.Saintpaul str. SARA29	assembly	182	4757	O:4	green
19459	S.Schwarzengrund str. CVM19633	complete	3	4550	O:4	green
20071	S.Schwarzengrund str. SL480	assembly	67	4547	O:4	green
33067	S.Typhimurium str. 14028S	complete	2	4653	O:4	green
56087	S.Typhimurium str. 4/74	complete	4	4771	O:4	green
241	S.Typhimurium str. LT2	complete	2	4635	O:4	green
50407	S.Typhimurium str. SL1344	complete	1	4549	O:4	green
40625	S.Typhimurium str. D23580	complete	1	4562	O:4	green
61789	S.Typhimurium str. TN061786	assembly	24	4626	O:4	green
-	S.Typhimurium str. DT104	complete	2	4635	O:4	green
53347	S.Choleraesuis str. A50	assembly	18	9130	O:7	orange
9618	S.Choleraesuis str. SC-B67	complete	3	4792	O:7	orange
48457	S.Monteideo str. 19N	assembly	60	4364	O:7	orange
51389	S.Monteideo str. 2009083312	assembly	30	4340	O:7	orange
51391	S.Monteideo str. 2009085258	assembly	34	4339	O:7	orange
51393	S.Monteideo str. 315731156	assembly	40	4354	O:7	orange
46535	S.Monteideo str. 315996572	assembly	50	4364	O:7	orange
49989	S.Monteideo str. 366867	assembly	37	4358	O:7	orange
49991	S.Monteideo str. 413180	assembly	38	4349	O:7	orange
49987	S.Monteideo str. 414877	assembly	46	4357	O:7	orange
49993	S.Monteideo str. 446600	assembly	47	4354	O:7	orange
46539	S.Monteideo str. 495297-1	assembly	51	4360	O:7	orange
46541	S.Monteideo str. 495297-3	assembly	39	4342	O:7	orange
46543	S.Monteideo str. 495297-4	assembly	44	4358	O:7	orange
50023	S.Monteideo str. 507440-20	assembly	44	4348	O:7	orange
46545	S.Monteideo str. 515920-1	assembly	39	4346	O:7	orange
46547	S.Monteideo str. 515920-2	assembly	34	4342	O:7	orange
46549	S.Monteideo str. 531954	assembly	132	4059	O:7	orange
49997	S.Monteideo str. 556150-1	assembly	83	4371	O:7	orange
51379	S.Monteideo str. 556152	assembly	173	4483	O:7	orange
49995	S.Monteideo str. 609458-1	assembly	98	4378	O:7	orange
50021	S.Monteideo str. 609460	assembly	95	4386	O:7	orange
49129	S.Monteideo str. 81038-01	assembly	39	4347	O:7	orange
46907	S.Monteideo str. CASC_09SCPH15965	assembly	69	4512	O:7	orange
51975	S.Monteideo str. IA_2009159199	assembly	103	4409	O:7	orange
51979	S.Monteideo str. IA_2010008282	assembly	81	4381	O:7	orange
51981	S.Monteideo str. IA_2010008283	assembly	165	4472	O:7	orange
51983	S.Monteideo str. IA_2010008284	assembly	123	4414	O:7	orange
51985	S.Monteideo str. IA_2010008285	assembly	42	4350	O:7	orange
51989	S.Monteideo str. IA_2010008287	assembly	70	4381	O:7	orange
51381	S.Monteideo str. MB101509-0077	assembly	52	4354	O:7	orange
51383	S.Monteideo str. MB102109-0047	assembly	185	4477	O:7	orange
51385	S.Monteideo str. MB110209-0055	assembly	194	4483	O:7	orange
51387	S.Monteideo str. MB111609-0052	assembly	32	4343	O:7	orange
49405	S.Monteideo str. MD_MDA09249507	assembly	44	4343	O:7	orange
46903	S.Monteideo str. NC_MB110209-0054	assembly	89	4408	O:7	orange

GPID	Organism	Status	Contigs	Genes	Serogroup (O antigen)	color
46905	S.Monteideo str. OH_2009072675	assembly	116	4452	O:7	orange
20993	S.Paratyphi C str. RKS4594	complete	2	4690	O:7	orange
30831	S.Tennessee str. CDC07-0191	assembly	94	4546	O:7	orange
20595	S.Virchow str. SL491	assembly	5	4597	O:7	orange
20593	S.Hadar str. RI_05P066	assembly	50	4487	O:8	yellow
20069	S.Kentucky str. CDC 191	assembly	53	4383	O:8	yellow
19457	S.Kentucky str. CVM29188	assembly	4	4748	O:8	yellow
20047	S.Newport str. SL317	assembly	63	4720	O:8	yellow
18747	S.Newport str. SL254	complete	3	4710	O:8	yellow
56085	S.Dublin str. 3246	assembly	30	4717	O:9	red
19467	S.Dublin str. CT_02021853	complete	2	4684	O:9	red
30687	S.Enteritidis str. P125109	complete	1	4363	O:9	red
30689	S.Gallinarum str. 287/91	complete	1	4466	O:9	red
56089	S.Gallinarum str. 9	assembly	4	4579	O:9	red
20049	S.Javiana str. GA_MM04042433	assembly	19	4221	O:9	red
236	S.Typhi str. CT18	complete	3	5065	O:9	red
371	S.Typhi str. Ty2	complete	1	4632	O:9	red
20591	S.Weltevreden str. HI_N05-537	assembly	81	4784	O:9 or O:3,10	cyan
13030	S.arizonae serovar 62:z4,z23:-- str. RSK2980	complete	1	4278	O:3,10	gray

All Salmonella genomes were downloaded from NCBI except S. Typhimurium str. DT104, which downloaded from Sanger's bacterial genome database.

All listed genomes are from subspecies *enterica* with the exception of the single *S. enterica subsp. arizonae* genome.