

Sll1336	MADDIRILMCPDHDYDVYIVINPWMEGNIHKSSQERAVEQWKKLHQTIKECAIVDLVKPA	60
ArcA	-----MSTEKTKLG-----VHSEAGKLRKVMVCSPG	26
	* . : * . : : * : : *	
Sll1336	KGWPD MVFTANAGLV LGENVVLSRFYHKERQGE EPYFKAWFEENGFTVYELPQDLPFEGA	120
ArcA	LAHQRLTPSNCD ELLFDDVIWVN-----QAKRDHDFVTKMRERGIDVLEMHNLLTET--	79
	. : : * : : : : : : : : * : : * : * : * : *	
Sll1336	GDALFDREGRWLWAGYGRSELD SHPYIAKWL DTEVVSRLRIDERFYHLDTCFCPLSGGY	180
ArcA	-----IQNPEALKWILDRKITADSVGLGLTSELRSWLESLEPRKLA EY	122
	: : : : : : * * * * : : . *	
Sll1336	LLYYPPAFDAYSNRVIEMRIPPEKRIIVEELDAVNFA CNAVNVNDIIMNLVSRTLKEKL	240
ArcA	LIGG-----VAADDLPASEGAN-----ILKMYREYL	148
	* : : : : * * : * : : : * *	
Sll1336	AEAGFKVRETPLTEFLKAGGA AKCLTLRVTEPI LPDVHATVSIESRVIRMEGHLLDAGIL	300
ArcA	GHSSFLLPPLPNTQFTRD TTCWIYGGVTLNPMYWPARRQETLLTTAIYKFHPEFANA---	205
	. . . * : * * : : : : : : : : : : *	
Sll1336	NQALDLVVENSGSFRVLN FN LGVERNSTSSAEVRVSAPSHQIMEEIMTELIDLGAVPPPQ	360
ArcA	-----EFEI WYGD PDKDHGSSTLEGGDVMPIGN-----GVVLIGMGERSSRQ	247
	. * : : : : * : : : : * : : * : *	
Sll1336	ELCDINTETVTQGGVAPDDFYVSTIYPT EVRVNCEWVQVTGQRM DAAIVVTSNPPSARCV	420
ArcA	AIGQVAQSLFAKG--AAERVIVAGLPKSRAAMHLDTVFSFCDRD---LVTVFPEVVKEI	301
	: : . : : * * : : : : : : * : * : * : *	
Sll1336	LLRDLQVGDRVMVGVEGIRTIKKVESHEGGTRKENKEFAFMAAGVSSERRVELLVEQIAW	480
ArcA	VPFSLRPDPSSPYGMN----IRREE-----KTFLEVVAESLGLKKLRVVETGGNSFAA	350
	: . * : : * : : * : * : : * : * : *	
Sll1336	EMRQIRDQGGKIVVTAGPVVIHTGGAQHLSHLVREGYVHALLGGNAIAVHDIEQATMGTS	540
ArcA	EREQWDDGNNVVCLEPGVVVG YD-----RNTYTNTLLRKAGVEVITISASELGRG	400
	* . * * . : : * * : : * : : * : : *	
Sll1336	LGVDMQRGIPVRGGHRHHLKIINSVRRYGGIRQAVEAGFISKGVMYECVKNNIPYCLAGS	600
ArcA	R-----GGGHCMTCP IVRDPIDY-----	418
	*** * : : *	
	Predicted transmembrane helix	
Sll1336	IRDDGPLPDTEMNLVRAQSRYS ELIQADMLMLSSMLHSIGVGNMTPSGVKMVCVDINP	660
ArcA	-----	
	Predicted transmembrane helix	
Sll1336	AVVTKLSDRGSVE SVGVVTDVGLFLSLLVRQLQLTRPYSLAETL	705
ArcA	-----	