

1 GCTCAAAAGGGATTFTTTTGGGATATCTATCATTTATGATAGCAAGAAAATGTGTTCTTTTATTTTCAATGCTCTTT
1
81 TTTGTAAAGCTTTAGTGTGGGATTTTGGGCGGAAAAATAGGCATAAAAGTGATCAGACCAGACAGGGTTTAGCTCATAATGC
1
161 TTTCAATTGTGTGATCGGTGTACATAAATGGCCAAAATCATTTCTCAGTGGGTGTATGTGCTACGGATTAGGCGGTAC
1
241 AGTTGGGCTGTTTATAGGATTAATCCTATGCTTTGGTTGAAGCAAAATCTTCAGGGTGGAACTAGAAAGCAACGGATGAACG
1
321 GATTTCGACGGTGATGCGTAAAGTTGGCAAGTAAAGATTGCCCCAATAAGAAATGATAAAGTAGTAACTCGAGTATCTG
1
401 GCACCGATAGTFTTTTATGCCATCAATGGAGAGTGATTTTGGAACTGGGCGATATGGTCTATCACCTAACTTATGTTTAA
1
481 AACATAGCCTGTGCGGGATG GGA AAT ATG GGT ACC TCT GAA TTA CTC AAA CAC ATT TAT GAC ATT
1 M G N M G T S E L L K H I Y D I
545 AAT CTG TCT TAT TTG TTA CTG GCG CAA GCG TTA ATT AAT GAT GAA AAA GCT TTT TGC AAA
17 N L S Y L L L A Q R L I N D E K A F C K
605 GTT TTT GTT GGG GGG ATT CAA GGG AAG GGG GGT GCA GGA TAT CTT GAT GCA ACT GGA CTT
37 V F V G G I Q G K G G A G Y L D A T G L
665 TTA CCG CAG ATG GTG AAA TTG GCA GAA ACT AAC CAA CTG ATA TGC CAT TTC GCG TTT AGA
57 L P Q M V K L A E T N Q L I C H F R F R
725 GGG ATC ACA ATA ACA ATT CAA AGT CTT GAC TCA GGG AAT CAA CGT GTG GAT GAT TTA CAG
77 R I T I T I Q S L D S G N Q R V D D L Q
785 CAA ATC CAT ACG GGG ATT TTG TTG TCG AGT AAC TTA TTA CAA CAG TTA ACT TCG AAA GAA
97 Q I H T G I L L S S N L L Q Q L T S K E
845 GAA AAC CTG CCT AAG AAA AGG GCA TAAGTAATG GCG GAG AAA AGT ATT GTT CAG GAG GCG AA
117 E N L P K K R A * M A E K S I V Q E A K
907 A GAC ATC CAA TTG GCG ATG GAG CTC ATT TOG CTC GGT GCT GGT TTA CAG ATG CTG GAA AG
11 D I Q L A M E L I S L G A R L Q M L E S
967 T GAA ACT CAG TTA AGT GCG GGA CGT TTG ATT AAA CTG TAC AAA GAA CTT AGA GGA AGT CC
31 E T Q L S R G R L I K L Y K E L R G S P
1027 G CCG CCA AAG GGA ATG CTA OCT TTT TCA ACG GAT TGG TTT ATG ACC TGG GAA CAG AAT AT
51 P P K G M L P F S T D W F M T W E Q N I
1087 T CAT TCA TCA ATG TTC TAC AAC GCT TAC AGC TTT TTA ATC AAG AAT GGG CAG TGC AGC GG
71 H S S M F Y N A Y S F L I K N G Q C S G
1147 T GTT AAA GCG GTT ATT AAA TCT TAT OGA CTT TAC TTG GAA CAG TGT GCG CCG CAG AGC GA
91 V K A V I K S Y R L Y L E Q C A P Q S D
1207 T TCT CCA CTG TTG GCA TTG ACG CGT GCG TGG ACA TTA GTC CCG TTT GTT GAC AGC GGT AT
111 S P L L A L T R A W T L V R F V D S G M
1267 G CTG CAA CTA TCG TCA TGT AAT TGC TGC AAA GGG ATG TTC ATA TAC CCA CCG CTC CAT CA
131 L Q L S S C N C C K G M F I Y P R L H Q
1327 A CCT AAA AAC AGT TTT GTT TGT AGT TTG TGC CAA CCC OCT TCC AGA GCG GTA AAA AGG CT
151 P K N S F V C S L C Q P P S R A V K R L
1387 T AAA CTT TCG CAA AAT CTT GCG GAT ATA ATA CCT OGA CTG CTG GAT GAA CAG GTA AAA CA
171 K L S Q N L A D I I P R L L D E Q V K H
1447 C GCA GTC TGA GCCTGAACGATTTGTGAATCTATGCTGTGTGTGTGAAGCGGTGATGGAATTTCTCTCTAGA
191 A V *