

Table 3: Transcript abundance of a subset of *P. sylvestris* ESTs at 30 d.p.i. determined by Real Time PCR

ID	DESCRIPTION	Array			qPCR
		1 d.p.i.	5 d.p.i.	15 d.p.i.	30 d.p.i.
23_G07	putative auxin induced	-1,4	-1,0	-1,1	2,5 ±0,08
NXPV_043_G04_F	MtN21 noduline like protein	-1,6	-1,1	-1,2	1,9 ±1,14
NXSI_021_A09	clavata1	1,2	1,4	-1,0	-2,0 ±0,05
NXCI_098_F10_F	chalcone flavone isomerase	1,0	1,2	1,2	-1,5 ±0,06
NXCI_055_d02	anthocyanidine synthase	1,4	-1,0	1,1	2,0 ±0,71
NXSI_012_h05	s adenosylmethionine synthase	1,0	-1,0	1,2	-2,4 ±0,19
40_A03	membrane intrinsic protein	-1,4	-1,3	-1,0	-1,6 ±0,07
involved in Stress and Defense reactions					
NXCI_085_H12_F	tau class glutathione S-transferase	-1,2	1,6	-1,0	1,5 ±0,26
NXNV_096_C08_F	PR10	1,0	-1,2	-1,6	-1,0 ±0,06
02_C09	subtilisine like protease precursor	1,1	1,6	1,1	-5,6 ±0,07
NXNV_162_h07	Thioredoxin	-1,2	-1,1	-1,2	1,1 ±0,14
NXSI_012_D08_F	Peroxidase	1,0	1,1	1,3	2,8 ±0,30
4_G06	antimicrobial peptide	1,2	-1,0	-1,1	-5,6 ±0,07
NXSI_064_A03_F	thaumatin	1,2	-1,2	-1,0	2,1 ±0,70
involved in Cell Wall Modifications					
NXSI_054_F05	glycine-rich protein	1,3	1,0	1,6	-11,5 ±0,03
NXNV_132_G06	endoglucanase 1 (ec 3.2.1.4)	1,2	1,4	1,0	-2,5 ±0,16
02_B03	cinnamoyl alcohol dehydrogenase	1,0	-1,1	1,1	1,4 ±0,49
NXCI_066_h04_F	acetoacetyl CoA thiolase	1,1	-1,0	1,0	2,1 ±0,32
NXNV_164_H08	xyloglucan endotransglycosylase	1,0	-1,2	1,1	-2,8 ±0,15
34_F04	cinnamoyl CoA reductase	1,2	-1,0	1,0	-3,6 ±0,22