

	<u>Fragment I</u> position 1-17		<u>III</u> 21-32		<u>IV</u> 33-55
01A01	I _a : (M)GVFN Y ETETTSVIPAA R	LFK	III _a : AFILDGDNL F PK		IV _a : VAPQA I SSVENIEGNGGPGTIK(K)
02A01	I _j : (M)GVFN Y ES E TTTSVIPAA R	LFK	III _e : AFILDGDNLIPK		IV _a : VAPQA I SSVENIEGNGGPGTIK(K)
03A02	I _z : (M)GVF D YEG E TTTSVIPAA R	LFK	III _e : AFILDGDNLIPK		IV _z : VAPQAV S CVENIEGNGGPGTIK(K)
04 01	I _y : (M)GVFN D EAE E TTSVIPPA R	LFK	III _z : S FILDADN I LSK		IV _x : I APQAFK S AENIEGNGGPGTIK(K)
05 01	I _x : (M)GVFN Y E D EATSVI A PA R	LFK	III _y : S FVLDADN I LIPK		IV _v : VAP E NVSS A ENIEGNGGPGTIK(K)

	<u>V</u> 56-65		<u>VII</u> 69-80		<u>VIII</u> 81-97	
01A01	V _a : I S FPEG F PFK	YVK	VII _a : (D R)VDEV D H T NFK		VIII _a : Y N YSVIEGGP I GD T LEK	ISNEIK
02A01	V _e : ITFPEGSPFK	YVK	VII _k : (ER)VDEV D HANFK		VIII _k : YSYS M IEGGALGD T LEK	ICNEIK
03A02	V _e : ITFPEGSPFK	YVK	VII _z : (ER) I DEV D H V NFK		VIII _z : YSYSVIEGGAVGD T LEK	ICNEIK
04 01	V _z : ITFV E GS H FK	HLK	VII _y : (Q R) I DE I DHTNFK		VIII _y : YSYS L IEGGPLGD T LEK	ISK EIK
05 01	V _y : ITF P EG S HFK	YMK	VII _x : (H R)VDE I DHANFK		VIII _x : Y C YS I IEGGPLGD T LEK	ISYEIK

	<u>X</u> 104-115						<u>XVI</u> 138-145		<u>XVII</u> 146-159
01A01	X _a : IVA T PDGG S ILK	ISNK	YHTK	GDHEVK	AEQVK	ASK	XVI _a : E M GETL L LR		XVII _a : AVESYLLAHS D AYN
02A01	X _g : LVA T PDGG S ILK	ISNK	YHTK	GDHEMK	AEHMK	AIK	XVI _b : (EK)GETL L LR		XVII _a : AVESYLLAHS D AYN
03A02	X _z : IVAAP G GG S ILK	ISNK	YHTK	GNHEMK	AEQIK	ASK	XVI _z : (EK) A EALFR		XVII _a : AVESYLLAHS D AYN
04 01	X _y : I A AAPDGG S ILK	FSSK	YYTK	G N ISIN Q E Q IK		AEK	XVI _y : (EK)GAGL F K		XVII _z : A T EGYLL???????
05 01	X _x : IVAAP G GG S ILK	ITSK	YHTK	GDISLNEEEIK		AGK	XVI _x : (EK)GAGL F K		XVII _x : AVEN Y L V AHP N AYN