A

```
HRP2_3D7     NNSAFNNNLCSKNAKGLNLNKRLLHETQAHVDDAHHAHHVADAHHAHHVADAHHAHHVAD 60
V042.1.05    NNSAFNNNLCSKNAKGLNLNKRLLHETQAHVD---------DAHHAHHVADAHHAHHAAD 51
V042.05      NNSAFNNNLCSKNAKGLNLNKRLLHETQAHVDDAHHAHHVADAHHAHHAADXXXAHHVAD 60
             ********************************          *******.**   ***.**

HRP2_3D7     AHHAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAADAHH 120
V042.1.05    AHHAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAADAHHAADAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAADAHH 111
V042.05      AHXAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAADAHHAACSPCSRCXSXSSCSRCPSCSPCSCSSRS 120
             ** ***************************  :  :     :  :  .  :  :..::

HRP2_3D7     AHHAADAHHAHHAADAHHAHHASDAHHAHHAAYAHHAHHASDAHHAADAHHAAYAHHAHH 180
V042.1.05    AHHAADAHHAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAAYAHHAHHASDAHHAADAHHAAYAHHAHH 171
V042.05      SCSXCPSXSXCSXCSSXSSCSRCPSXSSCSXCXSCSSCIRCSXCSXCSPCSLCPSRSSCS 180
             :   . :      ..:  :   . :  :   . :  :   ..    ...   . :: :

HRP2_3D7     AADAHHAADAHHATDAHHAADAHHAADAHHAADAHHATDAHHAHHAADAHHATDAHHAHH 240
V042.1.05    AADAHH---AHHASDAHHATDAHH---AHHAADAHHATDAHHAHHAADAHHATDAHHAHH 229
V042.05      CSSCXXXSXCXRCSXXXXXXXCSRCXXCXRCSPCXRCSSRSPCXRCSPCNRCSSRSPCSR 240
             .:..     . :.:       . :   . :.: . :.:.   . :.: .::.:.   . :

HRP2_3D7     AADAHHAAAHHATDAHHAAAHHATDAHHAAAHHEAATH 278
V042.1.05    AADAHHAAAHHATDAHHAAAHHATDA------------ 251
V042.05      CSSCSRTPCNCSPCSRTPCNRCSPCSRTPRSRHT---- 274
              .   ..  . .  ..     . .  .
```

B

```
HRP2_3D7     ------------------------------ADAHHAHHAADAHHAH------HAHHAAD 23
T113.1.09    NNSAFNNNLCSKNAKGLNLNKRLLHETQAHVDDAHHAHHVADAHHAHHVADAHHAHHAAD 60
Th113.09     ------------------------------AXAHHAHHAAXAXHAX------------- 16
                                           ******.* * **

HRP2_3D7     AHHAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAADAHH---AHHASDAHH---AHHAAY 77
T113.1.09    AHHAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAAYAHHAHHASDAHHAADAHHAADAHHAADAHHAAD 120
Th113.09     XMLTMQPMPIMLIMQPMPIMLTMQLMLITLIMQPMPIMX------XMQLMLITLIMQPMP 70
                : :.       :.     : :        :.          :        :.

HRP2_3D7     AHHAHHASDAHHAADAH---HAAYAHHAHHAADAH---HAADAHHATDAHHAADAHHAAD 131
T113.1.09    AHHAADAHHAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAADAHHAHHAAYAHHAHHASD 180
Th113.09     IMLIMQPMPIMLIMXPMLIMQXMLTMQLMPITLIMQXMLIMQPMLXMXPMLIMQXMLXMX 130
                  ..        .   :  : :    :          :.     .    .

HRP2_3D7     AHHAADAHHATDAHHAHHAADAHHATDAHH---AHHAADAHHAA-AHHATDAHHAA-AHH 186
T113.1.09    AHHAADAHHAAYAHHAHHAADAHHAADAHHAADAHHATDAHHAADAHHATDAHHAADAHH 240
Th113.09     PMLXMQPMXTMXPMXIMLTMQPMLTMQPMLX----MLTMQPMLIMQPHTMQLMLTMQPHT 186
             .    :.  :  .     : :.  : :.         :          *: :   :  .*

HRP2_3D7     ATDAHHAAAHHEAATH--------- 202
T113.1.09    AADAHHAAAHHATDAHHAAAHHATD 265
Th113.09     MQPMLTMQPHTTKPPHI-------- 203
                   .*    .*
```