

Figure S1.

	1-37 Cytoplasmic	38-66 Transmembrane	67-298 Ectodomain
RSV-1	MSKNKDQRTAKTLERTWDTLNHLLFISSCLYKLNLSVAQITLSILAMIISTSLIAAIIFIASANKVTPPTTAIIQDATSQIKNTTPTYLTQNPQLGISPSNPSEITSQITTILASTTP		
RSV-2			
RSV-3			
RSV-4			
RSV-5			
RSV-6			
RSV-7			
RSV-8			
RSV-9			
RSV-10			
RSV-11		I	
RSV-12			H
RSV-13			
RSV-14			
A2			
RSS	T.....K.....	I	L.....F.....L.....T.....T.....
Long	K.....G.....	I	T.....L.....D.....F.....L.....T.....
Line_19	K.....	I	T.....L.....D.....F.....L.....T.....

	164-----176 Central conserved domain	182-----198 Heparin Binding site
RSV-1	GVKSTLQSTTVKTKNTTTTQTQPSKPTTKQRQNKPPKPNNDHFHEVFNFVPCSI	CNNPTCWAICKRIPNKKPGKTTTKPTKKPTLKTTKKDLKPQTTKPKEVPTTKPTEKPTINTTK
RSV-2	A.....I.....	N..D.....I.....A.S...D.....
RSV-3	S.....	EP.....S.....
RSV-4	S.....	P.....S.....E.....
RSV-5	S.....	P.....S.....E.....
RSV-6	S.....	P.....S.....E.....
RSV-7	S.....	P.....S.....E.....
RSV-8	S.....	P.....S.....E.....
RSV-9	S.....	P.....S.....E.....
RSV-10	S.....	P.....S.....E.....
RSV-11	S.....	P.....AF.....
RSV-12	...R.....N.....	P.....S.....E.....
RSV-13	S.....	P.....S.....P.E.....

RSV-14	S.....P.....S.....E.....
A2	S.....P.....S.....E.....
RSS	S.....KI.....N.....I.....
Long	...N..P.....N.....F.....E.....
Line_19	...N..P.....N.....F.....E.....

RSV-1	TNIITLLTSNTTGNPELTSQEETFHSTSSGGNTSPSQIYTTSEYLSQPPSPSNITDQ
RSV-2	P..R....NS...L.H....L....E.....
RSV-3	H...K..L...T.E..P.....SL....T.KW
RSV-4	M.....E....K.....
RSV-5	L.H...K..IL....E.....
RSV-6	M.....H...F.A.....
RSV-7	M.....E..S....S.....
RSV-8	M.....E.....
RSV-9	V..L....E.....
RSV-10	K.....E.....
RSV-11	...G..Q.A....L.Y...K..L....E..P...V.....P.....T.NK
RSV-12	M.....E..P...V.....SL....T.KW
RSV-13	...R.....Q.H...M..L...T.E..P...V.....SL....T.RW
RSV-14	...K.....H...M..L...T.E..P...V.....SL....T.KW
A2	M.....E..P...VS....P...S...P.TPR.
RSS	...R....N.....H...KG.L....D..P...V.....T.N.
Line_19	...T....N.....K...M.....E..L...VS....HP...S...P.T.R.