RNA class	16S rRNA	23S rRNA	5S rRNA	7SK RNA	Cili. Telo. RNA	Cis-reg. element	GII Intron	GI Intron	Hairp. Ribozyme	Ham. Ribozyme	IRES	Other Ribozyme	Other RNA	Other rRNA	RNAIII	RNase E 5 UTR	RNase MRP RNA	RNase P RNA	snRNA	SRP RNA	Synthetic RNA	tmRNA	tRNA	Viral and Phage	Y RNA
Number of sequences	5	20	150	1	18	32	35	3	1	111	4	13	120	19	4	6	5	51	4	379	158	10	642	12	14
Sensitivity																									
RNAfold 2.0	0.55	0.53	0.68	0.24	0.59	0.68	0.47	0.74	0.60	0.74	0.80	0.81	0.76	0.75	0.75	0.79	0.49	0.74	0.84	0.69	0.85	0.76	0.77	0.89	0.91
RNAfold 1.8.5	0.58	0.53	0.66	0.24	0.58	0.64	0.44	0.62	0.60	0.75	0.80	0.80	0.71	0.75	0.67	0.69	0.47	0.72	0.84	0.69	0.84	0.76	0.72	0.89	0.89
UNAFold 3.8	0.57	0.48	0.65	0.18	0.62	0.66	0.47	0.54	0.60	0.76	0.80	0.80	0.72	0.79	0.74	0.74	0.46	0.71	0.84	0.71	0.84	0.80	0.65	0.89	0.88
RNAstructure 5.2	0.59	0.51	0.65	0.51	0.61	0.67	0.48	0.62	0.60	0.75	0.80	0.81	0.79	0.73	0.74	0.74	0.47	0.71	0.84	0.69	0.84	0.76	0.71	0.89	0.91
Positive Predictive Value (PPV)																									
RNAfold 2.0	0.64	0.60	0.74	0.25	0.58	0.70	0.41	1.00	1.00	0.79	1.00	0.99	0.82	0.85	0.78	0.86	0.47	0.76	1.00	0.69	0.97	0.69	0.85	1.00	0.94
RNAfold 1.8.5	0.65	0.59	0.73	0.21	0.61	0.67	0.38	1.00	0.75	0.79	1.00	0.98	0.76	0.87	0.68	0.75	0.46	0.74	1.00	0.69	0.96	0.69	0.81	1.00	0.96
UNAFold 3.8	0.66	0.57	0.75	0.17	0.66	0.68	0.42	1.00	1.00	0.81	1.00	0.98	0.79	0.91	0.80	0.81	0.44	0.75	1.00	0.74	0.96	0.73	0.74	1.00	0.96
RNAstructure 5.2	0.67	0.60	0.71	0.46	0.63	0.68	0.44	1.00	1.00	0.80	1.00	0.99	0.86	0.85	0.79	0.80	0.46	0.74	1.00	0.69	0.96	0.69	0.81	1.00	0.94
Matthews Correlation Coefficient (MCC))																									
RNAfold 2.0	0.59	0.56	0.71	0.24	0.58	0.69	0.44	0.85	0.78	0.76	0.89	0.89	0.79	0.79	0.76	0.82	0.48	0.75	0.92	0.69	0.91	0.72	0.81	0.94	0.93
RNAfold 1.8.5	0.61	0.55	0.69	0.23	0.59	0.66	0.41	0.78	0.67	0.77	0.89	0.89	0.73	0.81	0.68	0.72	0.47	0.73	0.92	0.69	0.90	0.72	0.76	0.94	0.92
UNAFold 3.8	0.61	0.52	0.70	0.18	0.64	0.67	0.44	0.73	0.78	0.78	0.89	0.89	0.76	0.85	0.77	0.77	0.45	0.73	0.92	0.72	0.90	0.76	0.69	0.94	0.92
RNAstructure 5.2	0.62	0.55	0.68	0.48	0.62	0.67	0.46	0.78	0.78	0.77	0.89	0.89	0.83	0.78	0.76	0.77	0.46	0.73	0.92	0.69	0.90	0.72	0.76	0.94	0.93