

Additional File 2. Gene names, accession numbers and Pearson correlations (r) for the 89 genes among the 8966 most varying genes that met the IWGCNA screening criteria (excluding module membership). The correlations were computed using all 127 samples studied (All), the 98 female samples and the 29 male samples except for the correlation with severity which only had 87 non-missing scores (64 female and 23 male). The CFS Severity column is bolded for clarity.

Gene Name and GenBank	Pearson correlations with gene expression profiles											
	MEblue		CFS Severity				TPH2 SNP					
	r: All	Rank*	r: All	p-value	q-value	r: M	r: F	r: All	p-value	q-value	r: M	r: F
1 ACVR2B (NM_001106)	0.77	8338	0.31	0.004	0.081	0.47	0.49	0.22	0.011	0.885	0.38	0.21
2 AF090939	0.81	8656	0.32	0.003	0.081	0.43	0.60	0.21	0.016	0.885	0.25	0.24
3 AF130054	0.68	7325	0.26	0.014	0.094	0.30	0.62	0.11	0.210	0.885	0.25	0.27
4 AKR1B10 (AF052577)	0.79	8544	0.27	0.011	0.091	0.40	0.44	0.11	0.219	0.885	0.26	0.24
5 AL022341	0.78	8487	0.31	0.003	0.081	0.36	0.51	0.13	0.149	0.885	0.30	0.20
6 AL031055	0.75	8156	0.27	0.012	0.092	0.35	0.40	0.19	0.035	0.885	0.23	0.28
7 AP4S1 (AB030654)	0.76	8266	0.26	0.015	0.097	0.50	0.44	0.15	0.083	0.885	0.32	0.28
8 ARHGEF12 (AB002380)	0.79	8524	0.32	0.003	0.081	0.53	0.47	0.16	0.075	0.885	0.22	0.30
9 ATF3 (NM_004024)	0.58	5822	0.16	0.138	0.218	0.27	0.39	0.13	0.133	0.885	0.26	0.22
10 BAT3 (NM_004639)	0.60	6150	0.22	0.041	0.134	0.33	0.38	0.13	0.147	0.885	0.35	0.27
11 BC008826	0.66	7080	0.22	0.038	0.131	0.36	0.42	0.18	0.040	0.885	0.27	0.20
12 BCAS2 (AB020623)	0.55	5465	0.28	0.008	0.085	0.38	0.47	0.18	0.040	0.885	0.28	0.26
13 C11ORF9 (BC004938)	0.74	8022	0.23	0.036	0.129	0.30	0.41	0.17	0.056	0.885	0.26	0.29
14 C20ORF10 (AB017802)	0.73	7879	0.23	0.029	0.121	0.26	0.44	0.16	0.064	0.885	0.23	0.20
15 CCDC82 (AK027171)	0.81	8671	0.22	0.040	0.133	0.29	0.49	0.25	0.004	0.885	0.39	0.33
16 CD302 (BC020646)	0.62	6529	0.24	0.028	0.117	0.28	0.42	0.18	0.046	0.885	0.29	0.23
17 CDC23 (AB011472)	0.69	7481	0.25	0.022	0.109	0.48	0.36	0.16	0.065	0.885	0.37	0.21
18 CDH4 (AK091496)	0.85	8832	0.31	0.003	0.081	0.39	0.55	0.14	0.106	0.885	0.30	0.23
19 CDR2L (BC013105)	0.66	7057	0.25	0.018	0.103	0.28	0.45	0.18	0.044	0.885	0.21	0.24
20 CPSF6 (NM_007007)	0.72	7811	0.28	0.009	0.087	0.43	0.47	0.17	0.058	0.885	0.23	0.24
21 CRB1 (AY043325)	0.56	5482	0.23	0.032	0.125	0.28	0.35	0.22	0.014	0.885	0.37	0.26
22 CRNKL1 (AF111802)	0.75	8129	0.27	0.012	0.092	0.41	0.47	0.22	0.013	0.885	0.36	0.28
23 CXADR (BC003684)	0.69	7435	0.22	0.042	0.134	0.31	0.42	0.15	0.095	0.885	0.20	0.24
24 DCTN2 (NM_006400)	0.72	7785	0.18	0.087	0.177	0.21	0.40	0.23	0.009	0.885	0.41	0.20
25 DMBT1 (NM_004406)	0.77	8359	0.30	0.005	0.081	0.50	0.41	0.08	0.368	0.912	0.20	0.20
26 EDA (AF040628)	0.68	7359	0.20	0.059	0.152	0.32	0.35	0.15	0.093	0.885	0.22	0.20
27 EIF2C2 (AF121255)	0.76	8268	0.30	0.005	0.081	0.29	0.41	0.18	0.044	0.885	0.27	0.24
28 F11 (AF045649)	0.75	8109	0.27	0.011	0.091	0.22	0.43	0.16	0.068	0.885	0.26	0.23
29 FBXL17 (XM_098421)	0.79	8501	0.28	0.009	0.087	0.43	0.40	0.13	0.137	0.885	0.24	0.20

30 FIP1L1 (NM_030917)	0.82	8694	0.25	0.020	0.106	0.26	0.45	0.17	0.060	0.885	0.26	0.20
31 FOXN1 (NM_003593)	0.75	8136	0.21	0.055	0.147	0.27	0.44	0.21	0.018	0.885	0.23	0.24
32 GART (NM_000819)	0.62	6392	0.29	0.007	0.084	0.28	0.42	0.09	0.309	0.892	0.20	0.36
33 GLI1 (AF316573)	0.46	4061	0.26	0.014	0.094	0.24	0.43	0.22	0.013	0.885	0.27	0.31
34 HSP90AA2 (M30627)	0.80	8566	0.29	0.006	0.083	0.33	0.50	0.11	0.222	0.885	0.26	0.28
35 IKBKB (BC006231)	0.79	8521	0.26	0.016	0.099	0.31	0.39	0.13	0.139	0.885	0.28	0.22
36 IL6ST (AB015706)	0.75	8186	0.36	0.001	0.081	0.39	0.54	0.15	0.090	0.885	0.24	0.23
37 INOC1 (AK002176)	0.78	8453	0.22	0.045	0.137	0.27	0.37	0.13	0.133	0.885	0.21	0.23
38 LIMA1 (AF157325)	0.75	8154	0.35	0.001	0.081	0.30	0.56	0.18	0.040	0.885	0.27	0.21
39 LTV1 (AK027815)	0.81	8626	0.30	0.005	0.081	0.39	0.49	0.19	0.029	0.885	0.29	0.21
40 MED8 (BC010019)	0.85	8862	0.29	0.007	0.085	0.31	0.52	0.22	0.015	0.885	0.35	0.29
41 MYLK (NM_053026)	0.74	8078	0.22	0.037	0.130	0.47	0.38	0.15	0.090	0.885	0.35	0.24
42 NCR1 (AJ006122)	0.71	7656	0.28	0.009	0.087	0.37	0.46	0.15	0.082	0.885	0.25	0.31
43 NDFIP1 (AK075524)	0.76	8238	0.24	0.028	0.118	0.24	0.41	0.25	0.005	0.885	0.21	0.26
44 NKAP (AK026279)	0.76	8300	0.25	0.022	0.109	0.36	0.44	0.23	0.008	0.885	0.28	0.24
45 NPAL2 (AK024017)	0.90	8954	0.35	0.001	0.081	0.37	0.61	0.21	0.020	0.885	0.33	0.22
46 NUP37 (AK026271)	0.70	7512	0.27	0.013	0.093	0.34	0.47	0.14	0.130	0.885	0.28	0.21
47 PBLD (AK027673)	0.84	8777	0.31	0.003	0.081	0.28	0.60	0.17	0.049	0.885	0.23	0.21
48 PCM1 (AK091406)	0.07	595	0.25	0.020	0.105	0.32	0.44	-0.07	0.420	0.924	0.29	0.24
49 PDPK1 (BC006339)	0.85	8853	0.35	0.001	0.081	0.47	0.54	0.16	0.078	0.885	0.24	0.24
50 PGK1 (AB062432)	0.74	8072	0.22	0.045	0.137	0.37	0.43	0.14	0.108	0.885	0.26	0.21
51 PIF1 (AK026345)	0.85	8843	0.32	0.003	0.081	0.24	0.58	0.10	0.282	0.886	0.20	0.24
52 PPP1R14C (AF407165)	0.85	8859	0.24	0.025	0.113	0.21	0.49	0.21	0.016	0.885	0.26	0.24
53 PRDX3 (AF118073)	0.82	8711	0.26	0.017	0.100	0.43	0.44	0.21	0.020	0.885	0.32	0.23
54 PRKCH (BC001000)	0.68	7295	0.16	0.143	0.220	0.27	0.38	0.15	0.089	0.885	0.23	0.20
55 PSMB8 (U17497)	0.58	5866	0.19	0.071	0.164	0.22	0.39	0.23	0.009	0.885	0.37	0.30
56 PTPN2 (BC008244)	0.72	7864	0.30	0.005	0.081	0.55	0.48	0.25	0.005	0.885	0.25	0.25
57 RAB3B (AF498932)	0.81	8636	0.34	0.001	0.081	0.49	0.57	0.18	0.040	0.885	0.34	0.24
58 RNFT2 (BC011878)	0.81	8677	0.35	0.001	0.081	0.42	0.65	0.17	0.058	0.885	0.40	0.22
59 RYK (NM_002958)	0.72	7801	0.21	0.048	0.140	0.26	0.44	0.12	0.182	0.885	0.21	0.21
60 SEC23B (BC005032)	0.70	7635	0.32	0.002	0.081	0.39	0.50	0.13	0.133	0.885	0.25	0.21
61 SLC7A1 (AF078107)	0.71	7650	0.18	0.099	0.186	0.28	0.36	0.22	0.013	0.885	0.40	0.24
62 SNURF (AF101044)	0.80	8568	0.27	0.012	0.092	0.51	0.46	0.18	0.037	0.885	0.32	0.23
63 SNX15 (NM_013306)	0.88	8934	0.35	0.001	0.081	0.44	0.59	0.20	0.025	0.885	0.30	0.24
64 SUCLA2 (AK001458)	0.67	7219	0.20	0.059	0.151	0.25	0.38	0.20	0.021	0.885	0.36	0.22
65 TAS2R16 (AF227139)	0.60	6209	0.20	0.058	0.150	0.22	0.46	0.13	0.158	0.885	0.22	0.21
66 TCEAL7 (BC016786)	0.86	8892	0.37	0.000	0.081	0.50	0.63	0.16	0.069	0.885	0.31	0.28

67 TFB2M (AK026314)	0.86	8877	0.31	0.004	0.081	0.29	0.57	0.21	0.016	0.885	0.22	0.22
68 TH1L (AF161479)	0.81	8674	0.29	0.006	0.083	0.40	0.49	0.15	0.098	0.885	0.32	0.26
69 TMEM111 (AF157321)	0.78	8429	0.23	0.033	0.125	0.26	0.41	0.16	0.067	0.885	0.27	0.20
70 TMEM134 (AK025402)	0.71	7728	0.25	0.019	0.105	0.34	0.41	0.16	0.066	0.885	0.33	0.22
71 TMEM50A (AF081282)	0.79	8545	0.26	0.014	0.094	0.29	0.47	0.17	0.050	0.885	0.22	0.26
72 TP53INP2 (BC035639)	0.68	7376	0.12	0.256	0.287	0.21	0.37	0.14	0.114	0.885	0.34	0.20
73 TPD52L2 (AF004429)	0.84	8802	0.29	0.006	0.083	0.39	0.49	0.17	0.052	0.885	0.32	0.25
74 TRIM45 (BC034943)	0.85	8849	0.31	0.003	0.081	0.40	0.52	0.16	0.075	0.885	0.26	0.29
75 TRIM7 (BC011567)	0.68	7347	0.31	0.004	0.081	0.32	0.51	0.17	0.056	0.885	0.28	0.23
76 TRPA1 (NM_007332)	0.62	6498	0.16	0.132	0.213	0.24	0.38	0.10	0.272	0.885	0.22	0.27
77 TXNDC12 (AF131758)	0.84	8815	0.33	0.002	0.081	0.31	0.67	0.17	0.051	0.885	0.21	0.22
78 UBQLN1 (NM_013438)	0.75	8168	0.17	0.122	0.204	0.25	0.41	0.17	0.055	0.885	0.31	0.28
79 USP34 (NM_014709)	0.91	8962	0.32	0.002	0.081	0.48	0.53	0.16	0.071	0.885	0.25	0.23
80 VAMP5 (AF077197)	0.85	8826	0.33	0.002	0.081	0.47	0.60	0.24	0.007	0.885	0.35	0.27
81 XM_055874	0.82	8692	0.34	0.001	0.081	0.40	0.56	0.19	0.031	0.885	0.26	0.23
82 XM_067644	0.81	8632	0.29	0.007	0.083	0.30	0.57	0.27	0.002	0.885	0.35	0.29
83 XM_083941	0.36	2826	0.27	0.013	0.093	0.32	0.36	0.18	0.041	0.885	0.24	0.23
84 XM_086132	0.74	8061	0.23	0.036	0.129	0.32	0.44	0.26	0.003	0.885	0.36	0.35
85 XM13557	0.81	8628	0.32	0.002	0.081	0.36	0.52	0.19	0.032	0.885	0.38	0.23
86 XM66127	0.85	8821	0.26	0.014	0.095	0.45	0.43	0.18	0.040	0.885	0.24	0.25
87 XM73039	0.63	6589	0.29	0.006	0.083	0.36	0.53	0.17	0.055	0.885	0.36	0.20
88 ZAK (AB049734)	0.83	8763	0.24	0.026	0.114	0.45	0.45	0.18	0.040	0.885	0.22	0.22
89 ZMYND11 (NM_006624)	0.79	8506	0.31	0.004	0.081	0.47	0.48	0.13	0.155	0.885	0.32	0.21

*The rank of each gene in terms of its MEblue correlation out of the 8966 genes used to start the analysis.