

Mean-centered abundances, 49 tumors x MiR 416 detectors

order	detector / tumor	T1102A	T1213A	T1249A	T1311B	T1369A	T165A	T1700A	T1792A1	T1889A1	T1954A	T2130A	T220A	T2465G
1	RNU24-4373379 (FAM,NFQ)	-0.086	0.070	0.466	0.171	0.370	-0.259	0.069	-0.392	-0.503	-0.390	0.004	-0.448	-0.390
2	RNU43-4373375 (FAM,NFQ)	0.110	0.385	0.645	-0.222	0.219	-0.240	-0.867	-0.436	-0.966	-0.880	-0.021	-0.378	-0.509
3	RNU44-4373384 (FAM,NFQ)	-0.036	0.251	0.474	-0.032	0.156	-0.078	-0.079	-0.523	-0.590	-0.479	-0.079	-0.274	-0.367
4	RNU48-4373383 (FAM,NFQ)	-0.453	0.192	0.237	0.516	-0.181	-0.797	-0.343	-0.230	-0.394	-0.288	0.058	-0.065	0.239
5	RNU6B-4373381 (FAM,NFQ)	-0.014	0.601	1.816	0.026	0.248	-2.828	-2.955	-0.221	-3.117	-0.544	1.075	-2.936	-0.304
6	has-miR-155-4395459 (FAM,NFQ)	0.243	-0.310	0.448	0.125	-0.076	0.303	0.089	-0.133	-0.182	-0.112	-0.378	0.433	0.163
7	hsa-let-7a-4373169 (FAM,NFQ)	0.006	0.076	-0.161	0.192	0.096	-0.103	0.181	0.230	0.164	0.279	-0.030	0.227	0.115
8	hsa-let-7b-4395446 (FAM,NFQ)	0.043	-0.058	-0.064	0.302	0.057	0.090	0.063	0.319	0.125	0.161	0.059	0.238	0.082
9	hsa-let-7c-4373167 (FAM,NFQ)	-0.180	0.010	-0.191	0.479	0.197	-0.314	0.059	0.509	0.173	0.276	-0.014	0.567	0.139
10	hsa-let-7d-4395394 (FAM,NFQ)	-0.016	0.016	0.049	0.353	0.107	0.006	0.153	0.250	0.272	0.158	-0.031	0.141	0.047
11	hsa-let-7e-4395517 (FAM,NFQ)	0.146	0.220	0.126	0.285	0.035	0.077	0.310	-5.955	0.356	0.246	0.110	0.242	0.235
12	hsa-let-7f-1*-4395528 (FAM,NFQ)	-0.678	-0.948	0.406	-0.744	1.505	-0.406	-0.533	0.520	-0.695	-0.671	-0.890	-0.514	-0.733
13	hsa-let-7f-2*-4395529 (FAM,NFQ)	0.127	0.603	0.109	-0.908	-0.297	0.122	-1.478	-0.723	0.026	-0.020	0.619	-1.459	-1.678
14	hsa-let-7f-4373164 (FAM,NFQ)	0.084	0.160	0.058	0.146	0.079	-0.086	0.286	0.277	0.385	0.258	0.069	-0.068	0.107
15	hsa-let-7g*-4395229 (FAM,NFQ)	0.197	0.088	0.889	-0.292	0.180	-0.081	0.284	-0.444	-0.821	-0.183	0.082	0.097	-0.560
16	hsa-let-7g-4395393 (FAM,NFQ)	0.059	0.073	0.028	-0.026	-0.166	-0.007	0.150	0.126	0.220	0.216	-0.088	-0.116	0.066
17	hsa-let-7i*-4395283 (FAM,NFQ)	-0.009	-0.092	0.404	-0.366	-0.203	0.348	-0.467	-0.056	0.009	-0.046	0.017	-0.401	-0.547
18	hsa-miR-1-4395333 (FAM,NFQ)	0.276	0.477	0.001	-0.742	-0.148	-2.867	0.440	0.921	0.432	0.840	0.536	0.590	0.552
19	hsa-miR-100*-4395253 (FAM,NFQ)	0.274	-0.150	-0.613	-0.229	0.476	0.205	0.236	-0.236	0.354	-0.123	0.101	-0.077	0.052
20	hsa-miR-100-4373160 (FAM,NFQ)	-0.191	-0.174	-0.098	0.115	0.157	-0.153	0.024	0.305	0.038	0.104	-0.145	0.291	0.154
21	hsa-miR-101-4395364 (FAM,NFQ)	0.165	0.162	-0.028	-0.021	-0.162	0.261	0.146	0.220	0.460	0.260	-0.185	-0.226	0.031
22	hsa-miR-103-4373158 (FAM,NFQ)	-0.012	0.028	0.107	0.066	0.016	0.078	0.188	0.113	0.050	0.185	-0.126	0.110	0.271
23	hsa-miR-106a-4395280 (FAM,NFQ)	-0.074	0.150	-0.051	0.348	-0.254	0.110	0.383	-0.203	0.257	0.312	-0.064	0.005	0.108
24	hsa-miR-106b*-4395491 (FAM,NFQ)	-0.150	0.261	0.521	-0.428	0.342	0.167	-1.149	-1.271	-0.077	-1.189	0.249	-1.950	-1.551
25	hsa-miR-106b-4373155 (FAM,NFQ)	0.027	0.007	0.025	0.093	-0.116	0.202	-0.164	0.040	0.242	0.250	-0.283	-0.118	0.111
26	hsa-miR-107-4373154 (FAM,NFQ)	-0.197	0.337	-0.254	0.045	-0.679	-0.265	0.039	-0.103	0.675	0.025	0.173	0.405	0.326
27	hsa-miR-10a*-4395399 (FAM,NFQ)	0.525	0.568	0.262	0.196	0.012	0.284	0.669	0.102	-0.451	0.549	-0.048	-0.007	0.081
28	hsa-miR-10a-4373153 (FAM,NFQ)	0.007	0.283	0.084	0.023	-0.022	0.207	0.348	0.061	-0.421	0.344	-0.126	0.121	0.270
29	hsa-miR-10b*-4395426 (FAM,NFQ)	0.111	0.123	0.133	-0.218	-0.416	0.151	-0.094	0.231	-0.037	-0.239	0.091	-0.083	0.577
30	hsa-miR-10b-4395329 (FAM,NFQ)	0.028	0.040	0.078	-0.268	-0.173	0.317	-0.294	0.414	-0.366	-0.219	0.006	0.159	0.782
31	hsa-miR-124-4373295 (FAM,NFQ)	0.442	0.178	1.374	0.386	-1.843	-0.843	-2.245	0.510	-2.369	0.359	0.337	-1.762	-0.049
32	hsa-miR-125a-3p-4395310 (FAM,NFQ)	0.063	-0.428	0.048	-0.175	0.112	-0.110	-0.256	-0.058	0.143	0.074	0.086	0.438	0.150