

Cichlid TAAR gene sequences

>contig063687-BurTARe.A003

ATGGAGACCCAGGACGAAGCAGAGCTCTGCTTTCCAAACTCTTCAACATCTCCTGCAAGAACGCCTAAAACATCTCTGTCTCAAGTTTTGCTCCCTTACGTTTGGTGT
TTTCAGTCTCTCTGCTAAGTGGTCTTCAACCTTCTCGTCAGTTGCTCAGTCTCCCACTTCAAGGACGCTCCACACACCCCACTAACATCTCTCTCTGGCTGT
CTCTGACTTTCTCATTGGTCTGTTGTTGATGCCGGCAAAATCTACGAGACACAGCTTGTGGTTCTTGGTCAGCTTGCATGTTTTGTGTGTAGTTATATATGCTTCGT
CATTACCTCTGCCCTCAGTGGGCATTATGGTGCTGATATCAGTCGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTTGCATTACCCACCCAGAATCACTGACAGAAGAGTGAAA
CTCTGTGCTGTGCTGTGTTGGCTCTGCTCGGTTTTTACAACTACTATTATAAAGGACGACCTGCTTCAACGAGAACGACATCTCCTGTATGGAGAAATGTGATTT
GTCATAGACTACATTGTAGGAACCACTGACATTGTTTAACTTTTATTGCTCCAGTTACTGTCATCGTATTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCC
GTGCCATG

>contig059670-BurTARe.A004

ATGGAAGAACTGAACCTCTGCTTCCACAACCTCCTCAACTCCTCTTGTGTGCGGCAAAAGCGCCCAAAATGAGGCTGTGTGTATTACACCTGCTATCATCTATCT
CTCTGCTTTACTGCGAGTACTGAACCTACTTGTCAATCATCTCCATCGCTCACTTCAAGCAGCTGCACACTCCAACCAACCTCCTCCTCTCTCTGGCCGTCTCAGATTT
CTTCGTGGGCCATCATATGGCTTTTGAGATTAGCCTCCTAGATGGCTGCTGGTTTCTTGGTGACCACATGTGTGCTCTGTATAGCAGTTTATAGTTACATTTTACTTCTGT
CTTCAGTAGGAACATATGGTACTCATATCAGCTGACCGCTATGTAGCCATTTGTGACCCCTTGCATTATCCCAACAAATTACTATGAAAAGAGTCTCAGTCTCTATTTGTAC
TTGCTGGGCTTGTTCATTTCTGTATAACAGCTTTATCATGAAGGATAATTTCAAGCAGCCAGGGAGGTATAATTTCTTGTCTGGTGATTGTGTAGTTGTCATTGATTACTTT
GTGGGAATTTTTGACATTTGTTTGGACCTTTGTGCGCCCTGTCATTGTGCATATAGTTCTGTATCTAAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCGGGCAATCGCCTC
TCATATCACTGCTCTCAGACTCCAGGGGTGAGAGACGGTGCATGCTAAGAAATCTGAGCTGAAAGCTGCCAGGACTCTCGGTGTACTTGTATTGCCCTTCTGTATATGT
CTTTTCCCATTTTCTGTTCTCTCAATGGTAGGCCAGAATAGTTTCTTT

>contig045302-BurTARe.A005

ATGGACGGCACTGGAGGTCCTCCCTCTGCTTCCCTAACCTCAACTCCTCCTGCAAGCGGCTGCTGCGACCCACCTCCAGGCCACTCTTCTTACACTCTACTGGC
TTCAGTCTCACTGCTCACTGTGGTGCTCAACCTGCTTGTGGTCGTCTCCATCTCCCACTTCAAGCAGCTCCACACCCCGACCAACGCCCTGCTCCTGTCCCTGGCCG
TGTCGACCTGCTGGTGGGGCTGCTGGTGATGCCCATCGAGGGCCTGCGCTACATTGAGACGTGCTGGCTGCTGGGGAGGCTGATGTGTGCTCTCAGTCTCTATTT
GTCTTACTGCCTTATCTGCTCTCTGGGCAGCATGGTGCTCATAT

>contig034854-BurTARe.A006

ATGATTTCTCTCTCTTCTTTCAGACAGCTCCACACACCCACTAACATCTCCTCCTCTCTCTGGCTGTGTGCTCAGACTTTTTTATTGGTCTGTTGTTGATGCTGCAAAATAC
ATCCGAAAGAGGTTTTGTTGGTTTCTTGGTCACTTGTGCATGTTTAGTGTTTACTTTATGTATGCTCTTCAATTATTACCTCTGCCTCAGTGGGCATCATGGTGCTGATATCAATC
GACAGGTATGCGGCTATTTGTGACCCCTTGCATTACCCCAACAGAAATCACTGCGAAAGAGTGAAACTCTGTGTCTGTCTGTGTTGGCTCTGCTGTGTTATCTACAACAT
TTTCTCTATAAAGGATGAACCTGGTTCAACCAAGGCAACATAAATCTGTTATGGAGAGTGAAATTTCTGTAGACTACATTGCAGGAACCACTGATATTTGTTTAACTTT
TATTGCTCCAGTTACTGTCATCATTTGTTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGCTGTGTCTCAGGCCCGTGCCATGGCCTCTCAGGTTACAGCTGTCAACATCGCACTCTC
CAGTGACTTTAAACAACAAGAACATCAGTATAAAGCAGCCAGGACCTGGGTGTTCTTGTGTTTCTGTTTCTAATATGTTTCTGCTCTCAATTATTTGTTTGTGTTG
GAGGAAAGGTGCTTAATAGCTCATCTGCAACTATTGTGATCTATCTGTACTATTTAACTCCTGTTTAAACCCCTTGATTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAAAAAGCT
GTGAAACTAATTGTACACATCAGATACTGACGCTGGCTCCTGTGAAGTCAGCATACTGtag

>contig061433-BurTARf.A007

ATGGAGATACAAATAAAGCTGAGCTTTGTTTTCCAGAACTCCTCAACAGTTCTCTGCGAGGAGGTGACGCTTTACTGGTCCAAAGCTGTACTCCTGTACATTGAGGTGT
TCTGCATCTCTCTGATCACTGCTGCTCTAAACCTTCTGGTCAATCATCTCAGTCTCCCACTTAAGGCAT

>contig056023-BurTARf.A008

GTGTCCTCCCTCAGGCAGCTTCGCAACCCCACTAACATCTCCTCCTCTCTCTGGCTGTCTCAGATGTTTTTGTGGGACTCCTGTTACTGCCATTAGAAATATTAGAA
GTACAACCTGCTGGGTACTTGGTGATCTTATGTGTTTACTTTATATTTATGACCGCAACAACTGTCTGTGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTCATCTCAGTTGACCGTTA
TGTGGCGAATTTGTGACCCCTTGCATTACCCCAACAGAAATGACTGTGGCGAGAGTCAAAATTTAGTGTTTGTCTGTGTTGGTTTATGCTGTTTTCTACTGCACTCTCTATA
TGAAGGATATGCTAGTTGAACCAAGGAGGTATAAATCTCTGCTATGGAGAGTGTGTTGTTTGTGCTAATATGATATTGCAGGGATTTTGACATAGATTTTCTCTTTTTTGTCTCC
AGTTATATCATCACAGTTGAGTGTTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCGAGCCATGCGGTCTCATGTCACTGAATCAAGCAACAAATCGGAGCTGAAAGCAGCCAG
GACCTTGGGATTCCTGTAGTTGTGTTTCTCCTCTCTTTGA

>contig060903-BurTARp.A009

ATGATGGAGATACAGAAAGGAGTCGAGCTCTGTTTTCCAAAACCTCTCAACACTTCTCTGCGAGGAAGCGCGGCACATCACTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTG
CTGTCAATGTGCTCTCTGATCACTGCTCTTAAACCTTCTGGTCATCATCTCAGTCTCTCACTTCAAGGAAGCTTCAACACCTACCAACATCTCCTCCTCTCTCTGGC
TGTCCTCAGACTTTCTTGTGGGTCTCTTGTCTGATGCCATTTGACATCTTTAGGAACATGGCCTGCTGGGTACTTGGTGATCCTATGTGTTCTGTTTATGGTATCTGACTG
GCCTGACTGGCAACATTTGCCCTTGCCTCAACAGGGAACATAGTTCTAATATCAATTGACCATTATGTGGCTTTTTGTCCCTCTGCAATTACCCCAAGAAATTAAGCTG
GCAAGAGTCAAACTTAGTGTTTCTCTGTGTTGGTTATTTGCCATTTTCTACAGCAGTCTTATATGAAGGATGACTGATAAAGAGGTATAAATCTGCTGATGGAGAGTGT
GTGTTTATCATTTGATGATTTGCAAGGATTTTGACATGGTTTTATCTTTTTTGTGTCAGGTTATCGTAATCTGTATATGAGAGTGTTTGTAGTGGCTGTGTCTCA
GGCTCGAGCCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTCAACATGCAGCGTTCAATGAATCACACAACAAATCTGAGTTGAAAGCAGCTGGGACTCTGTGAATCTTGTAGTT
GTGTTTTAATATGCTACTGTCCATGTCCATTTCTCTGCTTTTCTTTTGGTGTAGAAGACATGTCTACATTGGCTAAACCCAGAGATTGCCTGA

>contig057148-BurTARp.A010

ATGGAGATACACGAAGGACTAGAGCTCTGTTTTCCACAACCTCCTCAACGATTCTGCGAGAAGCCAAACACTTGACTATTTCCACAACATATGCTGCTGTATATTGTGATGTC
ATGCATCTCTCTGATCACTGCTGCTCTTAAACCTTCTGGCCATCATCTGAGCTTCCCACTTCAAGCAGCTTCGACACCCCAAGCAACATCTCCTCTCACTGGCTGTT
TCAGACTTTCTCGTGGGTCTCCTGTTGATGCCGTTACGAATTTTAAAAAGCACCACCTGCTGGATACTGGTGATTTTAAATTGTTTCTTTAATTGGTGCTGACTGGCAAC
ATTACCTGTGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTAATATCAGTCGACCGCTATGTGGCTATTTGTACCCCTTACATTACTCCACCAAGTAATCTGTGGCAAAAGTTAAACTCA
GTGTTTGTCTGTGTTGGTTTATGCTATTTCCAGCAATTAGTCTTTTGAAAGAGTACCTGATTGAACCAAGGAGGATTAATTCCTGTATGAGAGAGTGTGCTAATATGA
TATTGCAAGAGCTATTGACCTTGTGTTTATCTTTCAATTTCAATTAATCTGTCATCATAGTTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCATGCCATCGCG
TCTCAGGTTACAGCTCTGCAAAATCAGTGTTCTCTGAATCAAGAAAACAAATCAGAGTTGAAAGCAGCCAGGACACTTGGAGTTCTTGATATGAGAGTGTGTTGATGCGCTGTGTCTCA
CTGCCATATTACTGTGTCTCTTTATAAGGGAGGAC

>contig049535-BurTARp.A011

ATGATGGAGACAAGGACAGTATATGCTTTCCAGAAGTCTTCAACTCTTCTGCGAGGAGACCAGCATTTCACTGGTCCGAAGCTGTGCCCTGAATACCGTGCTGTGC
TCCATCTCTGTAATCACCATAGCGCTGAACCTCCTTGTCTATCATCTCAGTCTCCCTTCTCAGGAGATTCTCCACACACCCCACTAACATCTCCTCCTCTCTTGGCTGT
GTCAAGCGTCTTGTGGGGCTCCTGTTGTGCTGCCGGAGAAATCTTCCAGGAATAGCTTGTGGGCTTTCCGGTAACCTTTTGTGTTCTCTTTAAATATGTTGCTTTCA
TCATTACCTCGGCTCAGTGGGAAACATGGTTCTCATATCAGTTGACCGCTATGTGGCGCATGTGTTATCCTCTGCATTACTCTACCAGAATTAAGTGTGACAAAGAGTTAAAC
GTTCTGTTTTGTTGTTGTTGGCTCTGTTGTTTTGTATAGTAGTGCTCTTTTAAAGATGAGCTGATTCAACCAAGGAGGCAATAATCTGCTATGGAGAAATGTGTTTTG
TCATCACTCTTATTGCGGAACATGTGATCTTTTGTAACTTTATTTGTTCCATTTCTGTTATTTGTAGTTCTGTATATAAGAGTATTTGCAGTGCGCTGTGTCTCAGGCCCTG
GCCATGCCCTCTCAGCTTTTCAAGTGAATCTGACAACAAGAAATCTGAGTTGAAGCAGGAAGCACTTTGGTGTTCTAATAGTTGTTGTTTGTGCTCAATA
CTATTGCGTCTCTTTCAGGGGAAGACTCACTCAGTGAGTCATCCACATCAATTGTCCGTTATCTCTCTATTTTAACTCCTGTTTGAACCTCTGATCTATGCACTATT
TTACCCCTGGTTTAAAAAGCTATTAAACACATTGTCTATGCTTCAGATATTTACAGTGGCTCCCATGAGGACAACATACTA

>contig045302-BurTAR.A001

ATGGATAGCTCTGGAGGTCCTCCCTCTGCTTCCCAACCTCAACTCCTCCTGCAAGCGGCTGCTGCGACCCACCTCCAGACCGGTTGTTCTCTACACTCTACTGGC
CTCCATCTCCTCTGCTCAAGTGCTGCTCAACCTGCTTGTGTCATATCCATCTCCCACTTCAAGCAGCTTAACACCTCGACCAACACCCCTGCTCCTTCCCTGGCTGT
GTCTGACCTGCTGTGGGGCTGCTGGTGATGCCATCGAGGGCCTGTACTACATCGAAACGCTGCTGGCTGCTGGGGAGGCTGATGTGTGCTCTCAGTCTCTATTGTTG
CTTACTGCCCTCATCTGTCTCTCTGGACAGCATGGTGCTCATATCTGTAGATCGCTATATAGCCATCTGTGACCCTCTGCTCTATTCTCAAAGATCAGAGTGAACAGA
GTGAAGCTTTCAAGTCTGTGCTGGGCCCTGCTCTCTCTCACTAAGTGGCTGCATTCTCATGGAGCACATAGGGTGGCCAGACAGGTTCAAGTCTGTCAAGGGA
GTGTTGTTGTGTTTCATCAGCGCTGCTTTGGGTACAATAGATCTCTTTTCTCATTTCTCGGGCCATGTGCTTTAATGTTTGTCTGTACATGAGGGTCTTTGTGGTTGCTGT
TTCTCAGGTACGTATCATTCCGTCGAGGCAGCTGTGAGAGCACCTCCAGCTGCTAAAAATCAGAGCTGAAAGGACCCAGGACACTCGGGATTTTGATAGCTGTGTT
TCTAATGTGCTTCTGCCCTTATATATTACCTTCTTTGCAAGGTGACGACACCTCTATGAACCTTACCTATTACGCTCTATTCTCGTGGATAATGCTGACAAATCTTGTGTG
AACCTGTGATTTATGCTCTGTTTACCCCTGGTTTGAAGAGCTATCAGACTCATTGTACCCCTCAGAATACTGCAGCCTCACTCCAGAGATGTCAAGATCCTGtag

>contig020038-BurTAR.A002

ATGGACAGGCGAGGACAGAATTGAACCTGCTACCCCTGAGCTTGCGAATCTGTCTTGCAGGGGTTTAAACAGTCTCAGCCCTGAGGCTTCTCCTCTCTATACACTGTTTC
TTGTCTATCTCTGTGCTAGTCTGAATGTGCTGGTTATCATATCTCCATCTCCCACTTCAAGCAGCTCCACATGCCCAACACCTGCTCCTTCCCTGGCCAT
CTCAGACCTCTTGGTGGGCTGCTTGTGATGCCGGTGGAAAGCATGCGGTTTATAGAAACCTTGTGGATGCTGGGAGATCTCATGTGTGCTTTTACTTACATTATTCGGT
TTCACTCTCACTCAGCCTCTGTGGGCAACATGGTGCTCATATCAATTGATCGCTAGCTAGCTATTTGTTATCCTCTGCAGTACCCCACTAAAATCAACAGCAGC
GGAGCTGTCTGTGACTCTGTGCTGGGCCCTGTTGCTCCTCTACAAAGGAGTATGATCTTAAAGGAGCATCTCAGGACGCCAGACAGGCAACACCTGTACAGGTCAGT
GTTTGTGGTGTATTAACATCTGCTGAGCCATCGACCTTGTCTTTTCACTGGCCCTTGTCACTCATTAATCTGTATGATGAGATGTTTGTGTGCGCTGT
CTCAGGCTCATGCCATGCGGTCTCATATTACAGCTGCTGCAGCTGGTACAGTAAAAATCACCGCAAGAAATCAGAGAAAAAGGAGCCAGGACTCTTGGCGTTGTGA
TATTTGTGTTTTGATGAGTTTGTGCTGTTTACTATCCCTCTCTTGCAGGGCAGGACATTTCAACAGTGTCTCATCTTGGGCTATTGTTTCTGGATGCTGTACTTCA
ATTTGTGCTGAATCCACTGATATATGCTTTTTTCTACCCCTGGTTTGAAGAGCTATCAGACTCATTGTCTCCCTGAAGATACTAGAGAGGACTCCTCTCAGGCAATA
TACTTtaa

>contig006087-BurTAR.B032

ATGGAGTTATTCAATGTGACTGTTAACTGTGAGCTTCTCTCTGCGATTCAACAAAAGAACAAATATGTGTGTTATATATGTTGTCTCAGCTCAATTATGCTTCTTAC
AATATGTGGAATCTCTTGTGATAATTTCTATAATTTACTTTAGATATCTCCACTCTCAACAACTTATCCTCTCTATGGCTGTGGCTGATCTACTAATTTGGTCTTAC
AATATTTCCCTTTGAGCATGACAGTGTCTTAAAGCCATGTTTGTATATACAGTTTACTGTGCAACTTAAAGAAGCACAATGGATGTAAGATGGGTGTATCTTCTTTAA
ATTTGTGCTGATTTCTGTTGATGATATATGCTGTTTGCACCCCTCTGATATATAAAACAAATAACTGATTGTGTTGCCATGAAGATGGGCTTGAAGATTTGGGCTGT
TGCTATCTGTGTGGAAATTTGCTCTCCTGCTGTTTTTATTTAGACAGAAATGAGACAAAGTGCCTTTTGCGCTCTCATTGCGGCATCAGTGGTATATATATCCCA
ACAATAGTTTTACTTTTTCATGTACACCAAAATTTCTGTTGTTGCAGTGAAGCAGGCACGAGCATCCATAATACAATTTCTCAGAACACAAAGTCTAAGCAGTTTCCAGT

ACGGAGAGAAAGGCCACAAAGACATTAAACCATAGTTATTGGAATATTTTTAAATTTTTGGGGTTCCTCTTTTTCTTAGTTATTCAATTTGTTCCCTCTGGATAGTTTTATACCTTTAT
GTGCTTCTTGTAACCTGGTTTGAACATTTTAACTCAATGCTCAATCCCTTTATTTATGCTTTTCTTTTACACTTGGTTTAGAAGAGCTTTTAAATGATAATTTCTGG
AAAAATATTTCAAGGTGATGTTACTAACATAAACTACACtga
>contig061977-BurTARs.A012
ATGGATACACAGGATGTGGCAGAGCTCTGTTTTCCACAACCTCTTCAACACCTCCTGCAAGAAACCTCTGTCAAGAATTTGTGTTCCCTCATGTTGTGTTGCTCCATCTC
GCTGCTCAACTGTGACTCTCAACCTGCTGCTCATCTCAGTCTCCCACTACGGGACGCTCCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTCTGCTGGCTGTCTCAGACTCT
CTTTGTTGGCTTCTGATGCTGCTGGAGAAATCCTCGAAATACAGCTGCTGGTCTTCTGGTGACCTCACCTGTTCTATGTACAAATATATGTCTTTAAATGTTACTCTTA
CCTCAGTGGGAGACATGGTGTAAATACAAATGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACGAGAATCACAGACAGAAAGAGTAAACTCTGTGTTTTG
TCTGTGTTGGCTCTGCTCTGTTTTCTATAGCAGCCTGTTTGTAAAGGATGATCTAACTCAACCAAGGGAAGCATAAATCCTGCTATGAGAGATGTACAATTTGTTTGACTT
AATTACAGGAACGATTGACCTCTTTTTAACCTTTTTTGTCCAGTTACTGTCATTGTAGTTCTGTATCTGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCGCGCCATGC
GCTCTCATGTTACAGTTGCTGCTCTGACGCTTTGAGTACTCTAACAAACAAAGAAATCAGAGTTAAAGCAGCGCAGGACTCTGGGTGTTCTGTAGTTGTGTTCTACT
GTGTTTTCTGCCCTTATATTGTGTGTTACTCTTGCCAGGGAAGACCTACTCAATAGTTTCATCTGATCCCTTTTGTCTATCTGTGTTATTTAACTCATGCTCAAAACCTTTGA
TCTATGCACTGCTCTACCCCTGGTTTAAAAAGGCTGTGAAACTCATAATCTCTTTACACATACTGCAAGCCTGGTTCTGTGAGATTAGCAATCTGtaa
>contig061433-BurTARs.A013
ATGGAGATCCAGATGCATCCAGAGGCAAGCTCTGTTTTCCAGAGCTACCGAACAGTTTCTGCAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAACCGGTGCTCCTGAACGT
TGGGCTTTTCGTCATCTCTGTGATCACTGCTGCTTAACTCTTAATCTGCTCATCATCTCAGTCTTACCACCTCAGGCAGCTCCACACTCCCAAGTAACATCTCCTCTCTCT
TGGCTGTCTGCTGACTTTTTTGTGGGTTTTCTGTTGCTGCCGGTAGAAATCTTCAAAAACACGGCCTGCTGGGTATTGTTGATCTCATGTGTTCACTTTATATTTATCTGA
GCGGCATTCTTATGAATGCTCAATTGAATTAATGTTTTTATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACGAGAATCACTGTGACACGAG
TCAAACCTCAGTGTTTTGTGTTGTTGTTTTATGCTATTTTACATGAGTCTTTACACAAAGGATGTCTTGATAAAGCCAGGCAGGATGTTCTCCTGCTATGGAGAGTGTG
TGTTTTTTATTGAAGATATAAAGTGGAACTGTTGACATGTTTTTATGTTTTTGTCCAGTTATATATCATGTTTCTGTATACAAAGAGTATTGTAGTGGCAGTGTGCTCAGG
CCCGTCCCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTACACTTCAGCGTTCATTGACCTTCAAGCTGTGAGCTGAAAGCAGCCAGGAACTTGGAGTCTTGTGAATTTG
GTTCTGGCAAGTATTGCCCCATTTACTTCTACTCTCTTGTGACGGCAATGTGGTCAAAGCTTCATCTGCGACTTTTTTGATCATTGTTATTTAACGCTTGTTTAAAC
CCACTGATCTATACCCCTGTTTTACCCCTGGTTTAAAAATGCTGTGTTAACTTATTATCACCTGCGAGATATTCAAGCATAACAGTAGTGAAGCCAACATACTAtag
>contig061091-BurTARs.A014
ATGGAGATACCGAAAGGAGTCGAGCTCTGTTTTCCACAACCTCTCAACAGTTTCTGCAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTTGCT
CTCATGTATCTCTGCTCACTGCTGCTCTAAACCTTCTCGTCATCATCTCAGTCTCCCCTTCAAGGAGCTGCACACACCCAGTAACATCCTCCTCTCTCTGCTGGCC
GTCTCAGACTTTTTTTGTGGGCTCCTGTTGTTGCCTTTTAGAAATTTTTAGAAACACAAGTCTGCTGGGTACTTGGTGATCGTATGTTTCTGCTTATTGTTATTTGACCAAGC
AACATTTACTGTGCTTTCAATAGGGAACATTTGTTCAATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAAGTAATTTTGGCGAAAGTCAAA
CTCAGTGTGTTGCTCTGTTGGTTTTATGCTTTTTTCTACAGCAATCTTTATACAAAGATATCATGATTGAACAGGCAGGTATAATTCTTGCATGGAGAGTGTGTAATTTT
TAGCAGCAATTTGCTATTGTGCTGACCTTATTTATCTTTTTTGTGCCAGTAACTGTTATCATAGTCTTGTATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAAGCTCGCTG
CCATGCGCTCTCATGTCTACCTTACAGCTTCAGCGTCTCACTGAATCAAAACAAGAACTTGAAGCTGAAAGCAGCCAGGACTCTGGGGATCTTGTAGTTGTGTTTTCT
AGCATGCTCTCTCCCACTACTGCTACTCTTGTGTTGATGAAATGCAATCAATACCTGAGCTGCATCTTTTGGCGTCAATTATCTTTACATTAACCTCTGTCTAAACCCCT
TTGATCTATGCTGTTTTTACCCTGGTTTAGAAATGCTGTGTTAACTTATTATCACCTGCGAGATATTCAAGCATAACAGTAGTGAAGCCAACATACTAtag
>contig060707-BurTARs.A015
ATGGAAGAAACTGAACCTTCTGCTTTCCACAACCTATTCAACTCCTCTTGTGTGCGGCAAAAGCATTCAAAATGAGGCTGTGTTTTATTACACTCCACTCTCTTCCATCTC
TGTGCTTACTACAATTTGAAACCTGCTTGTGATCATCTCCATTGCTCACTTCAAGCAGCTGCACACCCCAACCAACCTCCTCCTCTCTCTGCGCCGTCTCAGATTTT
TTCGTGGGCCCTCATCATGGCTTGTCAAGATTAGCCTCCTAGATGGCTGCTGGTTTTCTTGGTGACCCATGTGTGCTCTGTATAGCAGTTTAGATTACATTTACTTCTGCG
TTCAAGTAGGAACATGGTACTCATATCAGCTGACCGCTATGTAGCCATTTGTGACCCCTGCAATTATCCCAACCAAAATTAATGATAAGAAAGTCTGAGTCTCTATTTGTA
TGCTGGGCTGTGTTCAATTTCTGTATAACAGTCTTATCATGAAGGATAATTTCAAGCAGCCAGGGAGGTATAATTCTTGTCTGGTGATTGTGTAGTTGTCTGATTGATTCTTG
TGGGAATTTTTGACTTTGTTTTGACCTTTGTGCGCCCTGTCTATTGTCTCATCATGTTTGTATGTTTGTGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGGGCAATGCGCTCT
CATATCACTGCTCTCAGACTCCAGGGGTGAGAGACGGTGATGCTAAGAAATCTGAAGTGAAGGCTGCCAGGACTCTCGGTGACTTGTATTGCCCTTCTGATATGTC
TTTTCCCATTTTCTGCTCAATGGTAGGCCAAGATAGTTTCTTGTATATAGATCTGTACCTTTGAGCTCTTGCTGTTCTATTTAACTCTTGTGAACCCATTAATC
TACATTTTTGCTACCCCTGGTTTTGAAATCTATCAAGCTCATTGTGACATTTAAGATATTAGGCATGGCTCCAGTGAGGCCAGTACTAtag
>contig059673-BurTARs.A016
ATGAAACCTTTGAAGAAAGCTGAACCTGCTTTTTCCACAACCTCCTCAACTCCTCCTGCAAGGAAGCCATGCGTCTTTATACATTTTTCTATCCTTATTATATACCCTGTCC
TCCATTTCTTGTCTCAGCAAGCTGCACACCCCAACCAATCTCCTCCTCCTATCTTGTGGCTGTCTGATTGCTCGGTGGGTCTCCTGATTTTTATTTCAAATATTGATTATA
GATGGTGTCTGGTTTTCTGGTGAATTCATGTGTAGTATGTAATTTCTCTGGACTATTAATACCTCTGCAATCAATAGGAACCATGGTCTCATCAATGAATTTGACCGTTATGT
GGCTATTGTATACCCTCTCCATTACTCTACCAAAAGTCAACCCCAAAAGAACAAAGCATGTGTTTTATCTCTGTTGGATTTGTTCTTCAGTCTTCCAATGTCTCCTGCTAA
AGACAACCTGGTGCAACCTGGCAGGTATAATCCTGCTATGGGGAGTGTGGTGTGTTGGCCATGCTTTTGGAGTTGCAGATCTATTGCTGTCCATTATTGGTCTCT
GTCACTGTGATGTAGTTCTTTATCTAAACGTAATTTGTTGGCTGTAGCTCAAGCTGTGCGCTCGGGTCAATATGCAAGCTGCACAGTACAGTACAGTACAGTACAGTAC
AAATGTTAAGAAATCTGAATGAAAGCAGTAAGGACCATCAGTGTCTTATCATTTGTGTTTCTAATATGTCTTGCCCACTATTGGTGTCACTCTCAGGTCAAGATGTC
CATGCTCAGTGTCTTCTGTTGCTATTTGAACTTTGTAATTTGTTGTTCTATTAACTCCTGTCTAAACCCCTCTAATCTATGCTTTTATTTTACCCTGGTTCAGAAAATCTGTGTTAAAC
AAATTTGTAACCTTAAATATTAAGATCTGGCTCCTGTGACACCAATATCATGtaa
>contig057301-BurTARs.A017
ATGGAGGGGGTTGAATCTGCTTTCCACATCTGCTCAACTCCTCTTGCAGAAAGGCTCTGCATCTGTCTCAGTTTCCACGCTCATTACATGATAATATCTTCTATCTCT
GTGCTCACTGCAACTCTTAACTGCTGGTGCATCATCTCCATCTCCCCTTCAAGCAGCTCCATAATCCCAACCAACTTCCCTCCTCTCTCTGCTGGCTGTCTCCGATTTCTT
TGTGGGTCTCTGTTTTGCTCTTTTACATGATTTATAGACGGCTGCTGGATTTTTGGTGAATTCATGTGATTTCTGTATTATGTTATGGCACAAATCAACCTCTTCTCAA
TAGGAACCATGGTACTGATCATGATTGACCGTTATGTGGCCATTTGTGATCCTTGCATTATCCCATCAAAGTCACTGCAAAAAGAGTTGCAGATCTGTGTTTCACTGTGTT
GGAGCTTTTCTGCCCTTGTGCTGGTAGTTTTCTCTTAAAGGACAACTTGAACACAGCAAGCAGGTTTTTAATCTTGTGTGGGAGAGTGTGTTGTCATATTAACCTTTATTGA
TATGTTGCAGATCTTGTCTTGAACCTCCTACTTCTTATCTGTCTCATATGTTCTGTATTTGAGAATTTTGTAGTGGTTGTGTCTCAGGTTTCGGGCCATCGGGACTCATA
CTGCAGGTGTACATACCAAGTGTTCAGGAAGGGAATCCAAAGAAATCAGAGATGAAGCAGCCAGGACTCTTGGTATTGTTGAATTGCATTTGTCTATGCGCTT
ACCATTTTATGTGTCACAGCTCAGCGGCAAGTGCCTCTCAACGATCATCTCTGCAATTTGTTGTGCTTTTTCTATTTAAATCGTGCCCTCAACCTATCATCTAT
GCCTTATTCTACCCCTGGTTTAAAAATCTATTAAAGCTTATTGTTACATTTCAAATACTGAAGTCTGGCTCCAGGAATGCCAACATAGTCAAAGTGACAtaa
>contig057145-BurTARs.A018
ATGGAGATACAGAAAGTGCCTGAGCTTGTGTTTTCCACAATTTCTCAACAATCTCTGCAAGAAAGCCGACACTTCATTGGTCAAGGCGGTGCTCCTGAACATTTGTGTTCT
CCTGATCTCTGCTCACTGCTGCTCTAAACCTTCTCGTATCATCTTCAAGTCTCCCACTCAGGAACCTTCACACACCAAGTAACATCGCTCCTCTCTCTGCTGCTGTC
TCAGACTTTCTTGTGGGCTCTTCTGTTGATGCCAGCAGAAATATTAAGAAGCAGCAGCTGCTGGGTACTTGGTGACATTATGTGTTCTGTTTATTGGTATCTGACCGGCA
CATTGCTCTGTGCTTCAATAGGGAACATGTTCTAATATCAGTTGATCGTTATGTGGCTATTGTGACCCCTTGCATTACCCGACCAAGATTACTGTGAACGACGAACCAAACT
CAGTTGTGCTGTTATGTTGTTTTATGCTATTTTCTACTGGAGTCTTTATAGAAGATATCTGATTGAACCGGCGCAGGTATAATCTGCTCAGCGAGAGTGTATGTTGTG
AGCAGTATATGCAAGGATATTGACCTTTTTTATCTTTTATGTTCCACTTTCTGTCATCATGTTCTTTATATGAGAGTATTGTGGCGGCTGTGCTCAAGCTCGTG
GCTGCTCATCTCATGTGATCTGTGACACTTCAGCACTTCAAGCAATCAAGCAAGAAATCTGAAGTGAAGCAGCCAGGACTCTGGGGGTTCTGTAGTTGTGTTTTCT
GTCAATGTTACTCTCAATTTACTGCTATTATCTGCTGAAGAAATGTGGTCAATGATCCATCTGCATCTACTGTTATCATTTATTTTACATTAACCTCTGTCTAAACCCCTT
GTCTATGCTGTTGTTTTACCCTGGTTTAAAAATGCTGTGTTAACTTATTGTCACTCTGCAGATCTTCAAGCATGGCACCTGTGAGGCCAACATACTAtaa
>contig056023-BurTARs.A019
ATGGAGATTCAGATGCATCCAGAGGCAAGGCTCTGTTTTCCAGAGCTACTGAACAGTTTCTGCAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAACCGGTGCTCCTGAACGT
TGGGCTTTTCGTCATCTCTCTGATCACTGCTGCTCTTAACTCTTCAATCTGTTCAATCATCTCAGTCTCCCCTCAGGCAGCTCCACACTCCCAAGTAACATCATCATCCTCTCTC
TGGCTGTCTCTGACTTTTTTGTCTGTTTTTGTGATGCCGGTAGAAATCTTCAAAAACACGGCCTGCTGGGTATTGTTGATCTCATGTGTTCACTTTTATACTTATCTGA
GCTCATCTTATATGATGCTTCATTTGAAATGATTATTCTCGTATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACGAGAATCAGGTGCGCAGAG
TCAAACCTCAGTGTTTTGCTGTGCTGGCTTTATGCTATTTGTACAACATCATCTATACAAGCATGCCCTGATAAACCCAGGCAGGTATGGTTCTGCTATGGAGAGTGT
GTTTTGTTGTTGATGATAATTATGGAATTGTTGACTTTGTTGATCTCTTACTGTTCCAGTTACGATACGATCGTAGTTCTGTATACGAGAGTGTGTTGGTGGTTGTGCTC
AGGCTCGTGCCATGCGCTCTCATGCTGTACAGCTTCAGCGCTTCAAGTCAAGCAACAAATCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGAACCTTGGGATCTTGTAGT
TTGTGTTTTCTGGCGTGTACTGTTCACTTTTACTGCTACTTTTTCTGCAAGCAATGAAGTTAATGCTTCTTCTGCATCTCTATCCTCAITGTTTATTATTTTAACTCTTGC
CTAAACCCCATTAAGTATGACTGTTTACTCCTGGTTTTAGAAATGCTGTGTTAACTTATTATCATCACTCTGCAGATTTAAAGGCTAACAGCATGAGATCAACATACTAcagag
ataa
>contig056021-BurTARs.A020
ATGGAGATACAGAAAGGAGCTGAGCTCTGTTTTCCACAACCTCCTCAACATTTCTGCAAGGAAGCCGACGCTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTTGCTGCT
TCTGCTCATCTCTCTGCTCACTGCTGCTCTAAACCTTCTCGTATCATCTTCAAGTCTCCTCACTTCAAGGAAGCTTCAACACCCAGCAACATCCTCACTCTCTCTGCTGT
CTCAGACTTTCTGATGGGCTCTTCTGATGCCAGCAGAAATCTTGAAGAGCATGAGCTGCTGGGTACTTGGTGATCTTATGTGTTTCTGTTTATTTTTCTGACTGTAAA
CCTTACCTGTGCTTCAATAGGGAACATGTTCTTATATCGATTGACCGTTATGTGGCTATTGTGACCCCTTGCATTACTCCACAAAGAACTACTGTGGCAAGAGTCAAACT
CAGTGTGTTGCTATGTTGCTTCTTCACTTCACTGCACTTTTATACGAGTCTTATACGCAAGAAATCTGATTGAACCCAGGCAGGTATAATCTGTTATGGTGAAGTGTGCTGTG
CATCAGTGATTTTCTGGAATGGTTGACCTTATTTATTTTTTATCTTCCAGTTATATCATATGATTTCTGTATACAAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGCTG
CTGCGCTGCTCATCTTACCGCTGTACAGCTTCAGCGTTCATTGAATCAACAAACAAATCTGAGCTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGGTCTTGTAGTTGTGTTTTCT
GTCATGCTACTGTCCATTTATTGCTACTCTCTCACTGATAAAAACTGCTGCAATGATCCAGCTGCATCTTTTGTGATCTTTATCTTTTAACTCTGTATAAACCCCTTT
GATGTATGCCCTGTTTTACCCCTGGTTTAAAAATGCTGTGTTAACTTATTATCACATTGCAAGATATTCAAGCATAACCTCTGTGAGGCCAACATACTAtaa
>contig056020-BurTARs.A021
ATGGAGATACAGAAAGAAACAAAGTTGTGTTTTCCACAACCTCCTCAACAGCTCCTGCAAGGAAGCCAAACACTTCACTGGTCCAAAGATGTGCTCCTGAACACTGTGCTG
TCTGCTCATCTCTGCTCACTGCTGCTCTAAACCTTCTCGTATCATCTTCAAGTCTCAGTCTTCACTCAGGAAGCTTCAACACCCAGTAAATATCCTCCTCTCTCTGCTGT
CTCAGACTTTCTTGTGGGCTCTTGTGATGCCATAGGAATCTTGAAGAACACAGGCTGCTGGGTACTTGGTGATATAATTTGTTCTTTTATTGGTATTTAACCAAGCAA
CATTGCTGCTTCTGCTGCTTCAATAGGGAACATGTTCTTATATCGATTGACCGTTATGTGGCTATTGTGACCCCTTGCATTACTCCACAAAGAACTACTGTGGCAAGAGTCAAACT
CAGTGTGTTGCTATGTTGCTTCTTCACTTCACTGCACTTTTATACGAGTCTTATACGCAAGAAATCTGATTGAACCCAGGCAGGTATAATCTGTTATGGTGAAGTGTGCTGTG
CATCAGTGATTTTCTGGAATGGTTGACCTTATTTATTTTTTATCTTCCAGTTATATCATATGATTTCTGTATACAAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGCTG
CTGCGCTGCTCATCTTACCGCTGTACAGCTTCAGCGTTCATTGAATCAACAAACAAATCTGAGCTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGGTCTTGTAGTTGTGTTTTCT
GTCATGCTACTGTCCATTTATTGCTACTCTCTCACTGATAAAAACTGCTGCAATGATCCAGCTGCATCTTTTGTGATCTTTATCTTTTAACTCTGTATAAACCCCTTT
GATGTATGCCCTGTTTTACCCCTGGTTTAAAAATGCTGTGTTAACTTATTATCACATTGCAAGATATTCAAGCATAACCTCTGTGAGGCCAACATACTAtaa
>contig056020-BurTARs.A021

CATCAATGATATTGCTGTTGTTGTGACCTTGTTTTCTTTATTGTTCCGGTTTCTGTCTATTGTAGTTCTGTATATCAGAGTATTTGTGGCAGCTGTGTCTCAGGCTCGT
GCCATGCGCTCTCATGTGACCATCTGTCACACGTGCAGCGCTCACTGAATCAAAACAACAACAACTGAGCTGAAAGCAGCCAGGACTCTGGAGTTCTGTAGTTGTGTTTC
TGGCATGCTTCTGTCCACTCTACTACTTTTCTCTTGTTGATGAAATGCAATCAATGATCCAGCTGCAATCTTTTGTGGTCATTATATTTACTTTAACTCGTGTCTAAATCCT
TTGATCTATGCCTTCTTTACCCTCGTTTAGAAATGCTGTTAAAGCTTATCATCACTCTGCAGATTTTCAAGTATAATatgagtgaggccaacatactataa
>contig055697-BurTARs. A022
ATGATGGAGGAACCTGAACTCTGCTTTCCAAAACCTCTTAATATCTCTTGCGACGAGGCCAAAGCGTCCCTCACTTTGAGATCATGCTGACTTACATTCTGCTCTCCTTCAT
TCTTTTGTTACTGTGATTCTTAACTGCTGGTCAATTATCTCCATCTCACACTCTGAGGCTGCACACCCCCACCAACTTCTCCTCTCTCTCTGGCTGTGCGTGATT
TCTTTGTAGGCTCTCCTTATGTTCTTTCAAATAGTGCTCATCGATGGATGCTGGTTTCCCTCGGTGACATCATGTGCACTCTGTATCAGTATCTAGCAATTCATTATACCTCAGC
CTCAGTAGGAACCATGGTGATCATATCTGCTGATAGGTATTTGGCTATTGTACCCTCTGCTATTACTCCACCCAATAACACAACAAGAGTTAATATATGATAAGTTTGT
GTTGGTTTTTTTCTGTGATCTTTAGAGTTTGATTGTGAAGGATAACTTGAACAACACCGAGGAAGTATAACTCCTGCAATTGGAGAGTGTGTCTTTGTCGTTAACTACATTG
CTGGGCTTTTGTATCTTTTGTTCCTTCATTGTTCCCACTACTGTGATTGTAGTTCTGTATCTGAGAGTGTTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCGTGCCATGAGGTGT
CAACTTGCAGTCACTCACAGCGATCAGTAACAGTAACGTGTACGAAATCGGAGCTGAAAGCAGCCCGTACTCTTTGGTGTGTTGTAGTTGTGTTCTTATATGTATGTG
CCCATATTACTGCGTTGCTCTCACAGGCCAAGATAACTTCCATAAGGCTTCATCTGCTGCCTTTGTAATTTGTTGGTGACTTTAACTCTTGCCCTAAACCCCTATCATTTAT
GTCTTTTTTATCCCTGGTTCAGAAAGTCAATCAAACCTTATTGCTACTCTTCAAATACTGCAGCCTGACTCCCGTGAGACTAACATGcattaa
>contig054630-BurTARs. A023
ATGGAGAACGCTGTATGGACAACAATCTGCTTTCCACAGCTCCCCAACACCTCCTGTAGGAAGCCGCTGCAACATCACAATCAGACCATTTTTCTTACATTCTGCTTT
GCTGCATCTCTCTGCTCACAGTGACTCTCAACGTCCTGGTCATCATCTCTATCTCCCACTTCAGGCAGCTTCACAACCAAAACCACTCTTCTCCTCTCTCTCGCTGT
CTCAGACCTCCTTGTGGGCTCCTGCTGATGCCGCTCGAATCCTCCTTTAGGGGGCTGCTGGTTTGGGCACCTTCATGTGTGGAAGTGTTTTACTATGCTCTTTT
GTTCTCACATCTGCTCAGCTAGGAAACATGGTGCTTATTTTCATTGACCGGTATGTAGCTATTTGTGACCCCTTGTCTTACCCCACTGCTGATGAGAGAAAGTCCA
AATCAGTGTCTGTCTGTGTTGGGCTGTTCACTGCTGTATAACGGCACAATACTAAACAACCTTTCTGAAGCAGCCAGACAGATATAATTCTTGTGACGGGGAATGTCATAG
TGTAAATAATTCTCACTAAGTGGTGCTTTTGTGTCGTAGCTACCTTTGATGCCCCCACTGCTGTGATTATATTTCTGTACATGAGAGTATTTCTGTGCTGCTGTCTCAGG
CTCAGGCTATGAGATCTCATGTTGCCCTTTGTACTTCAAAGGGTTCAGTTACGTTGCCATTAAAGAAGTCTGAGAGAAAAGCAGCTACAACATTGGTGTGTTGTGGCT
GTGTTCTGATGTGTTCTGCTTACTTTTATCCCTCTCTCGCAGGGCAGGACACATCAACCAGTGTGGAATTTTCAAGTTTTGGGGTCTGGTGTACTTTATGTAATTC
TGCTAAATCCACTTATCATGCGTTTTCTATCCCTGGTTTAGGAAGACTGTTAAACTGATAGTTACATTGCGAGATTTTGCAGCCTGACTCTTGTAGTGGCAACATGta
9
>contig049540-BurTARs. A024
ATGGGACACACAGGAAAATCTGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATCTCTCTGCAAAAAGCCCTGCCATTGCTCGGTCCAAAGCTGTGTTCTCATATTGTAATGT
CTCAGTTTCTTTCTGACGGTGGTCTCAACTGCTTGTGATCATCTCAGTCTGCCACTTCAGGCAGCTTCACACACCCCACTAACATCTGCTCCTCTCTGCTGTG
CTCAGACTTTCTTGTGGCTCCTATTGTCACTGCGAGAAATCCTCCGAAGTACAGCCTGTTGGTTTCTTGGTCAGCCACATGTTAATGTATATTTTGTGCTCTTGAC
TGTTACCTCTGCTCAGTGGGCATATAGTGCTGATACAGCTGACCCGCTGATGAGCTATTTGTGACCCCTTTGAATTACCCCATCAGGATCACTGACAGAAAGAGTGAAC
TCTGTGTTTGTCTGTGTTGGCTGCTGCTCATCGCCTTCAGCTGTTTCTGTAGAGTACGCTGCATCAAAAAAGAAAACAAATTCCTGCTATGGAAGATGTGTCGTT
GTGTTCTCAATACATTCAGGAGATTGTTGACCTCATTTTAACTTCATTGTACCAATCTACTGTGATCAGTATGTTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCC
CGCTCTATGCGCTCTCATAGCTGACAGCTGTCAGAAATCCTTCCAATGACGCTCAACAAAAGGCTGAACCTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTGTTCTGTGT
TTCTAATGTGTTTCTGCCCTTATTACTGTGTTTCTCTGTAGGAGAGAATTCATCAATAGTTTCATCTGCTCTTTTGTGGCTATCTGTTTGGTTTAACTCATGTCTAAAC
CCTTTGATCTTACTGATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTAGTTGTCACTCTACAGATACTGCAGCCTGGCTCCAGTGAGGTAAGTATTTGtaa
>contig049534-BurTARs. A025
ATGGAGAAAGGAGTCGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCCTCAACAATTCCTGCATCAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAGCCGTGCTCCTGAACATTGTGCTGTGCTGC
ATCTCTTTGATCACTGCTGGTCTCAACTCTTCTGTTATCATCTCAGTCTGCCATTTCAGGCAGCTTCACACACCCCACTAACATCCTCCTCTCTCTGGCTGTGTCAGA
CTTTCTTGTGTTGGCTCCTGTTAATTCAGCTGAGATTTTGAAGTACAGATCTGCTGGGTATTTGGTGAATCCATGTGTTCACTTTATACATCTAGGCTACATGTTGTA
ACATCTTCAATAAGTAACATGATTTCTCATACAGTTGATCGCTATGTGGCAATTTGTGATCCTCTGACATTACCCCACTAGAAATTTCTGTGGCAAAATCAGACTAGTGTGTT
GTATGTGTTGGTTTTATTCTGCGCTTTCTACAGCACTCTTGTACAAAGAATATCCTGATTGAACCAGGCGAGGTATAATTCTGTTATGGAGAGTGTGTCTTTATCACCAGTG
ATATTGCTGCGCAATGACCTTGTGTTTATCTTTTATCGTACCAGTTCCATCATAGTATGTTCTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCTGCGCATGCA
CTCTCATGTTACAGTGCACCTTCAGCGTTCACTGAATCAAAACAACAAATCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGACCCCTGGGGTCTTCTGTAGTTGTGTTTCTGCGCCAGTTTC
TGTCATTTTATTGTACTTTCTGTTGAGAAGCATGATCAGTGATTCATCTGCCCTATTGTGGTTCATGCTCTATTATTTAACTCTTGTCTAAACCCCACTAATTTATGCC
CTGTTTACCCTTGGTTTAGAATTTGAAAGTACATCATCACTTTTCAGATATTCAGCGGTGACAGCAGTGAGGCCAACGTAATAtag
>contig041024-BurTARs. A026
ATGGAGATTGAGAAAGCAGCTGAGCTTTGTTTCCACAACCTCCTCAACAGTTCTCTGCAGGAAGCCAAACACTTCATTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTGCTG
TCCTGCACTCTCTGATCACTGCTGCTCTAAACCTCCTGGTCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGAAGCTTCATACACCCAGTAACATCCTGCTCCTCTCTCTGGCCG
TCTCAGACTTCTTCTGTTGGCTCTTCTGCTGATGCCATTAGAGATCTTTAGAAACACAGCTTCTGGGTACTTGGTGATGTAATGTGTTCTGTTTATGGTACCTGACCAAC
AACAT TACCTGTGCTTCAATAGGCAACATAGTTCTAATACAGTTGAGCCATTGTGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACCCCACTAGAATTACTTTGGCGAAAGTCAAAA
CTCAGTGGTTTGTCTGTGTTGGTTTTTTTCTATTTTCTACTGGAGTCTTTATTGAAAGATATCCTAGTTGAACCAGGCGAGGTATAATTCTGCTATGGAGAGTGTGTGCTTA
TTAATTAAGCAATTCAGGGATTGTGACCTTGCTTTGTCCTTTATAGTTCCAGTTACTGTTATCATATAGTCTTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCG
TGCCATGCGCTCTCATGTGTACAGCTGTCACACTTCAGTGTTCACTGAATCAAGCAACAACTCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGACTCTGGGGTCTGTTGATGTTGATTT
TGGCATGCTGCTGCCATTTACTGCTACTCTCGGTTGATAAAAGTGGTCAATGATTCTATCTGCATCTTTTGTGGTCTTGTGCTTTTAACTCTGTTTAAACCC
ACTGATCTATGCTCTGTTTTACCCTGGTTTGAAGAAAGCTATTAGATGTGTTATCACTCTGCTGATATTTAAGCATGACAGCAGTGAGGTCAACGTAATAtag
>contig034854-BurTARs. A027
ATGGATACCCAGGGCGGAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACACCTCCTGCAAGAAGCCACAACTCCTCTATCACAAAGTTTTGCTCTTTACATTCTGATGC
CATCAATGCTCTGCTGCTGCTCTTAAACCTTCTGCTCATCATCTCAGTCTCCTTACTTCAGGCAGCTTCACACACCCCACTAATATCCTCCTCTCTCTGGCTCTGCA
CTTCTCACTGCTTCTCCTTATGCTGCCACTAGAATAATTGAACACACGGCCTGCTGGGAGCTTCGAGTCTGGTGATCTTATGTGTTCTGTTTATCTATCTGACAGCGGCTTTT
CTGTGCTTCAACTTGAACATATAGTCTCAATTCAGTTGACCGCTATGTAGTATTTGACCCCTCTTCAATCCCAACAGAATACCGTGGAAGAGTCAAACTCTGTTG
TTTTGTTGTTGTTGTTGTTTGTTCACCTTCTACGGCAGTCTTTTAAACAAAGAGTGTCTAATTAAGCCGGCCAGGTATAATTCTGTTATGAGTGTGTTGTTGTTGATTA
TGATTTGCGAGGTTTATGATCTTGTGTTATCTTTTATTTTCCAGTATCTGTTATCATAGTCTTTTATATGAGAGTGTGTTGGTGGCTGTGTCTCAAGCTCTGCGCATG
GCTCTCATGTTACAGCTGTGCGACTTCAGCGTTCAAGCAACTCAAGCAACAACTGAACTGAACGACGCCAGGAACCTTGGAGTTCTGTTAGTTGTTGTTGTTG
TTACCTTCGCTTTTACTGCTACTCTCTTATTGAAGTAAATGTGATCAATGACTCATCTACATTTTCTGATCATTGTGTTTACTTTAACTCGTGTCTAAACCCACTGATGTA
TGCCCTTTTTTACTCTGGTTTAGAATGCTGTAAACCTTATTATCACTCTGCAGATTTTAAAGCATGACACTACTGAAGCAACATGttttaa
>contig059766-BurTARs. A029
ATGGAGGAAACTGAACTCTGCTTTCAACAACCTCTTAAACCTCCTGCATGAGGCCAGGCGTCCACACTTTGAGATCATGCTGACTTATATTTTGTGCTGCCCTCATTTCT
TCTGCTTACTGTGATTCTTAACTGTTGGTCACTATCTCCGTCTCACATTTCAGGCAGCTCCACACCCCCACCAACCTCCTGCTCCTTTCTCTGGCTGTGCGTGATTCT
ATGTGGGCTCCTCTTGTCTTCCAAATTTGTGCTCATAGATGGCTGCTGGTTTCTCGGTGACATCATGTGCACTCTGTATCAATACCTAGCATATGTCATACCTCGGCC
TCCATAGGAACCATGGTGATCATATCTGTTGATCGATATTTGGCTATTGTTACCCTCTGCATTACTCCACAAGATCACACAACAAGAGTAAAATTTGTTGCTTATCTGT
GTTGGATCTGTTCTGTCATCTTTCAAAGTCTGATTCTGATGGATAACCTGGAGCAACCGGAGGTATAACTCTTGCATTGGAGAGTGTGCTTTGTCATTAACTAATGATCG
CAGGACTGTTGATGTTACTTTTTCCCTTATTGTTCCCTTTACTGTGATTGATGTTTGTATCTGAGAGTGTGTTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCGTGCCATGAGGTCT
CAGCTTGCAGTCACTCACAGCGATCAGTAACAGTAACGTGCAAGAAATCGGAGCTGAAAGCAGCCCTGGACTCTTGGTATTGTTGTTTGTGTTCTCATATGATGTG
TCCATATTACTGTGGCTCTCACAGGCCAAGATAACTTGCCAAGTGCTTCATCACTGACATTTGTTCTATGTTTGGTCTACTTTAACTCATGTCTGAACCCCATATATAT
GTCTTTTTCTACCTTGGTTGAGAAATCCATAAAAGTCATTGTTACTCTTCAGATACTGCAGCCTGACTCTGCCAGGCCACCGTGCTtag
>contig065494-BurTARs. A030
ATGGAGGAAACTGAACTCTGCTTTCAACAACCTCTTAAACCTCCTGCATGAGGCCAGGCGTCCACACTTTGAGATCATGCTGACTTATATTTTGTGCTGCTTCAATTC
TGTGCTTACTGTGATTCTTAACTGTTGGTCACTATCTCCGTCTCACATTTCAGGCAGCTCCACACCCCCACCAACCTCCTGCTCCTTTCTCTGGCTGTGCGTGATTCT
ATGTGGGCTCCTCTTGTCTTCCAAATTTGTGCTCATAGATGGCTGCTGGTTTCTCGGTGACATCATGTGCACTCTGTATCAATACCTAGCATATGTCATACCTCGGCC
TCCATAGGAACCATGGTGATCATATCTGTTGATCGATATTTGGCTATTTGTTACCCTCTGCATTACTCCACAAGATCACACAACAAGAGTAAAATTTGTGCTGTTTGT
GTTGGATCTGTTCTGTCATCTTTCAAAGTCTGATTCTGATGGATAACCTGGAGCAACCGGAGGTATAACTCTTGCATTGGAGAGTGTGCTTTGTCATTAATACATG
CAGAGCTTGTGATGTTACTTTTTCCCTTATTGTTCCCTTTACTGTAGTTGATGTTTGTATCTGAGAGTGTGTTGGTGGCTGTGTTCTCAGGCTGTGCTCAAGCTCGTGCCATG
CAGCTTGCAGTCACTCACAGCGATCAGTAACAGTAACGTGCAAGAAATCGGAGCTGAAAGCAGCCTGGACTCTTGGTATTGTTGTTGTTGTTGTTCTCATATGATGT
GTCATATTACTGTGTTGCTCAGAGGCCAAGACAGCTTGCCAAGTGCTTCATCACTGACATTTGTTCTATGTTTGTGCTTACTTAACTCATGTCTGAACCCCATATATAT
ATGCTTTTTCTACCCCTGGTTGAGAAATCTATAAAAGTCATTGTTACTCTTCAGATACTGCAGCCTGACTCTTCAAAGTCAACCATGCGGtag
>contig057305-BurTARs. A031
ATGGCAGAAACTGAACTCTGCTTTCCAAATCTCAACTCCTCCTGCGAGTAGAGTAAAGCGTTTCTCCCTCGGACTCAGTGCTTATTATGTAATCCTAACCATCATTTCTCT
CTTACTGTGGCTCTAAACCTCTGGTTCATCATCTCCACTTCCCAAGTCCACACTCCTCAAAACCAACCTCCTCCTCTCCCTGGCAGCTCTGATTCTTCTTGT
GGTCTCAATATGTGCTTCAAAGTACGCTGATAGTGGTTGTTGGTATCTTGTGACTCATGTGCTGCTTGTATTAATGTTTTCGACATAGTTGTACTTCTCGCTCAGTA
GGAACCATGGTGCTCATTTCAAGTTGACCGTTATGTGGCCATTTGTGATCCTCTTCAATACCCCAAAAGTCACTCTCAAAAGAGTTTCAGACCTGTGCTCTAATGTGTTG

GATTTGCTCGCTCCTAGTAGTCGGTGTGCTCTTGAAGGATAACCTGGATAAACCCAGGTAGATTTAATTCCTGCTTTGGAGAGTGTGTGATTTTACTCTTGTGCAATAC
AAGTTACCGGATCTTATTTTGAACATCCTCCTTCCCACTACTGTCACTGCATAATTTGTAGTTAAGAGTATTTGCCGTGGCCGTGTTTCAGATTGGGCCATGCAACCTCATG
TTCCAGCTGTGCACACAGAGGGGGGAAAGTAAGTCCAAAAAATCTGAACGTGAAGACAGCTAGGACTCTTGGCATTGTATTTGTGTCATTCTGATATGCCATTCCCATAT
TACAGTGTAATACCTCTCAGGCCAGGACACACTGCTTGATTTTATCCGTTACCTTTTTTATGTTTGTTTTATTTAATTCCTGCTCAACCCCTATCATCTATGCCTTTTTC
TACCCATGGTTTAGAAAGCTTGTGTTAAATCTATTGTATCATTTCAAATGCTCAAGTCTGBCCTCCAGTGATGCCAGCATGCTGga
>contig040586-ZebTAR.A001
ATGGATAGCTCTGGAGGCTCCTCCCCCTGCTTCCCCAACCTCAACTCCTCCTGCAGGCGGCTGCTGCGACCCACCTCCCAGACCGTGTGTTCTCTACACTCTGCTGGC
CTCCATCTCCCTGCTCACTGTGGTGTCTAACCTGCTTGTGCTCATCTCCATCTCCCACTTCAGACAGCTTAACACCTCGACCAACACCCCTGCTCCTTCCCTGGCTGT
GTCTGACCTGCTGGTGGGGTTGCTGGTGATGCCCATCGAGGGCCTGGACTACATCGAGACGTGCTGGCTGCTGGGGAGGCTGATGTGTGCTCTCAGCTCTTATTTG
TCTTACTGCCTCATCTCTGTCTCTCTGGACAGCATGGTGTCTATATCTGTAGATCGCTATATAGCCATCTGTGACCCTCTGCTCTATTCTCAAAGATCACAGTGAACAGA
GTGAAGCTTTTCACTGTGTCTGCTGGGCTGCTCTCTCTCTACAATGGCTGCATTCTCATGGAGCACATAGGGTGGCCAGACAGGTTCACTCCTGTCAACGGGA
GTGTGTGGTGTTATCAGCCCGCGCTTTGGGTACAATAGATCTCTTTTCTCATTTCTCGGCCATGTGCCTTAATGTTTGTCTGTACATGAGGGTCTTTGTGGTTGCTG
TTTTCTCAGGTACGTATCTTGGTGGCAGGACAGCTGTGAGAGCAGCTCCAGCTGTCTAAAAAATCAGAGCTGAAGGCAGCCAGGACACTCGGGATTTTGATAGCTGTGT
TTCTAATGTGCTTCTGCCCTTATTATTATCTCTCTCTTGCAGGTGACGACACCTCTATGAGCTTACCCTTATTACGCTCTATTCTCGTGGATAATGCTGACAAATTTCTGTGT
GAACCTGTGATTATGCTCTGTTTACCCCTGGTTTAGAAGAGCTATCAGACTCATTGTACCCTCAGAATACTGCAGCCTCACTCCAGAGATGTCAAGATCCTGtag
>contig040586-ZebTAR.A002
ATGGACGGCACTGGAGGTCTCCCCCTGCTTCCCTAACCTCAACTCCTCCTGCAGGCGGCTGCTGCGACCCACCTCCCAGGCCGCTCTTCTCTACACTCTGCTGG
CTTCAGTCTCACTGCTTACTGTGGTGTCTCAACCTGCTTGTGGTGTCTTCCATCTCCCACTTCAGAGCAGCTCCACACCCCGACCAACCCCTGCTCCTGTCCCTGGCC
ATGTCTGACCTGCTGGTGGGGTGTGGTGATGCCCATCGAGGGCCTGGCTACATCGAGACGTGCTGGCTGCTGGGGAGGCTGATGTGTGCTCTCAGTCTTATTT
GTCTTACTGCCTTATCTCTGTCTCTCTGGGAGCATGGTGTCTATATCTGTAGATCGCTATATAGCCATCTGTGACCCTCTGCTCTATTCTCTCAAAGATCACAGTGAACAG
AGTGAAGCTTTTCACTGTGTCTGCTGGGCTGCTCTCTCTCTACAATGGCTGCATTCTCATGGAGCACATAGGGTGGCCAGACAGGTTCACTCCTGTCAACGGGA
AGTGTGTTGTGTTTCATCAGCCAAACTTCAGGAACAGTAGATTCTTTTGTCAATTTCTTGGCCCTGTGGCGTAATGTTTGTCTGTACATGAGGGTGTGTTGTGGTTGCT
GTTTCTCAGGTGCGTGCATTCAGTCGACGACGCTGTGAGAGCAGCTCCAGCTGTCTAAAAAATCAGAGCTGAAGGCAGCCAGGACACTCGGGATTTTGATAGCTGT
GTTTGTAAATGTGCTTCCCTTATTTATCTCTCCCTTGCAGGTGTGAACAGCTGTCAAGATTTGCCCTTGCATGCTGCTTTCGATGCCCATGGTGTGTGGATGTGAATTAATGCTGTG
TGTGAACCCCTGTGATTATGTTCTGTTTTACCCTGGTTTAGAAGAGCTATCAGATTCAATGTCTCAGCCTCAGAATACTGCAGCCTCACTCCAGAGAGCTCAAAATCCTGTga
9
>contig033536-ZebTAR.B029
ATGGAGTTATTCAATGTGAGCTGTTAACTACTGTGAGCTTCTCTCTGCGATTACAAAAAGATAAATATGTGTGTTATTATATGTTGCTCAGCTCATTATGCTTCTTAC
AATATGTGGAATCTTCTTGTGATAATTTCTATAATTTACTTTAGATATCTCCACACTCCTACAACTACCTTATCTCTCTATAGCTGTGGCTGATCTACTAATGGTGTCTT
AATTTTCTCTTGGAGCATGACAGTGTCTCTAAAGCCATGTTTGTATATATAACAGTTTACTGTGCAACTTAAGAAGCACAAATGGATGTAAACATGGGTGTATCTCTCTATTAA
ATTATGTGATTTTCTGTGTGATGATATGCTGTTTGGCCACCTCTGATATATAAACTAAAAATCACTGAATGTGTGTGCCATGAAGTGGGCTTGGAAATTTGGGCTGT
TGCTATCTTGTGTGGAATTTTGTCTTCTGCTGTTTGTATTTAGACAAATGTGACACAAAGTTCGCTTTTTCGCTCTCATTTGCCGCATCAGTGGTAGTATATTATATCCCA
ACAAATAGTTTACTTTTTCATGTACACCAAAATCTTGTGTTGCACTGAGGCAGGCACGACGATCCATAATACAATTTCTCAGAACAGCTCAAAAGCAAGTTTCCAGT
ACGGAGAGAAAGGCCACAAAGACATTAAACCATAGTATTGGAATATTTTAAATTTGTTGGGTTCTCTTTTTCTTAGTTATTCATTGTTCTCTGGATAGTTTATACATTTAT
GTGCTCTTTGAACCACTTTAACTGGTTTGAATTTTCAATGCTCAATCCCTTATTATGCTTCTTTTACACTTGGTTTAGAAGAGCTTTAAAAATGATAATTTCTGG
AAAAATATTTCAAGGTGATGTTACTAACATAAACTAacatga
>contig003909-ZebTAR.A003
ATGGACAGGCAGGACAGAAATGAACCTGCTACCCCTGAGCTTGCGAATCTGTCTTGCAGGGGCTTAACACGTCCTCAGCCTGAGGCTGTCTCTCTATACACTGTTC
TTGCTATCTCTGTGCTAACTGTAGCTCTGAATGTGCTGGTTATCATATCCATCTCTCATTTCAGGCAGCTCCACATGCCACCAATGTCTGCTCTCTCTCTGCGCAT
CTCAGACTCTTGGTGGGCTGCTTGTGATGCCGGTGAAGCAATGCGGTTATGATATAAACTAAAAATCACTGCTGGCTGCTGGAGATCTCATGTGCTCTTTACTTACATGCTCGGT
TTCACCTCTACCTCAGCCTCTGTGGGCAACATGGTGTCTATATCAATTTGATGCTAGTATGACTATTTGTTATCTCTGCACTACCCCACTAAAAATCACTCAGACGAGGT
GGAGCTGTCTGTGACTGTGCTGGGCTGTTGCTCCTCTACAACGGGATGATCTTAAAGGAGCATCTCAGGCAGCCAAACAGGCATAACACCTGTCAACGTCAGT
GTTTGGTGGTGAATTAACATGTCTCTGGAGCAATGCGACTTGTCTTACTTTCATCGGCCCTTGCTCAGTCAATTATCATTTCTGTACATGAGAGTATTTGTGTAGCGGTGT
CTCAGGCTCATGCCATGCGGCTCATATATTACAGCTGCTGCGAGCTGGTACAGTAAAAATCAGGCCAAAGAAATCAGAGAAAAAGGCCAGCCAGGACTCTTGGCGTTGTGA
TATTTGTGTTTTGTAGAGTTCCTGTCGGTATTACTATCCCTCTCTGCAAGGCGAGGACATTTCAAACAGTGTCTTCACTCTGGGCTATTGTTCTCGGATGTACTTCA
ATTTCTGTCTGAATCCACTGATATATGCTTTTTCTACCCGTGGTTTAGAAAAGCTATCTGTTCAATTGTCTCCTCGAAGATACATAGAAAGGGCTCCTCTCAGGCCAAATA
TACTTtaa
>contig063680-ZebTARe.A004
ATGGAAGAAAGCTGAACCTGCTCTTTCCACAACATTTCAACTCCTCTTGTGTGCGGCAAAAGCAATTCACAAATTGAGGCTGTGTTTATTACACTCCACTGTCTTCCATCTC
TGTGCTTACTACAATCTGAACCTGCTTGTGATCATCTCCATCGCTCACTTCAAGCAGCTGCACACCCCAACCAACCTCCTCCTCCTCTCTCTGCGCGTCTCAGATTTCT
TTGCGTGGGCTCATCATGGCTTTTGAATAGCCCTCCTAGATGGCTGCTGGTTTCTTGGTGACACATGTGTGCTCTGTATAGCAGTTTAGAATCAATGCTACTTCTGCG
TTCAGTAGGAATATGGTACTCATATCAGCTGACCGCTATGTAGCGCTTGTGAGCCTTGTACGCTTGTATTTCCACCAAAATCACTATATAAAAGGCTCAGTCTCTATTGTACT
TGCTGGGCTGTGTTCAATTCTGTATAACAGTCTTATCATGAAGGATAATTTGAAGCAGCCAGGGAGGTATAATCTTGTCTGCTGATTGTGTAGTTGTCAAT
>contig061509-ZebTARe.A005
AAAGTCACTGCAAAAAGAGTTCAGATCTGTGTTTCACTGTGTTGGAGCTTTTCTGCCCTTGTCTGGTAGTTTCTCTTAAAGGACAACCTTGAACACAGCAAGCAGGTTTA
ATTTCTGTGTGGGAGAGTGTGTTGCCATTAATCTTATGAATATGTTGCAGATCTGCTTTGAACCTTCTTACTTCTTACTGTGCATTATAGTTCTGATTTGAGAATAT
TTGTAGTGGTTGTGTCTCAGGTTTGGGCCATCGGCACTCATCTCAGGTTGTACATACAGTGTTCAGGGAAGGGAATCCAAAGAAATCAGAGATGAAGATGAAGACGCA
GGACTCTTGGTATTGTTGAATGCAATCTTGTCTGCGGCTTACCATTATTTATGTGTACACTCAGGCCAGAAATGCCCTCCTCAACGGATCATCTTCTGCAATTTGTTT
TATGCTTTTTTCTATTTTAAATCGTCCCTCAACCCCTATCATGCTTATTTACCCCTGGTTTAGAAAATCTATTAAGCTTATTGTTACATTTCAAATACTGAAGCTGGCT
CCAGGAATGCCAACATAGTCAAAGTGACAGAAtag
>contig061414-ZebTARe.A006
ATGAGTCTTTACACAAGAGGATGCTTGATAAAGCCAGGCAGGTATGCTTCTGCTATGGAGAGTGTGTGTTTTTATTGAAGATATAACTGGAAGCTGTTGACATTGTTTTA
TGTTTTTTTGTTCAGATTATATCATCATGTTCTGTATACAAGAGTATTTGTAGTGGCAGTGTCTCAGGCCCGTGCCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTGCACATTCAG
CGTTGATGAATCAATCAAAACAAATCTGAGCTGAAGCAAGGATGCTGCAAGCTTGGAGTTCTGTGATGTGTTCTGGCAAGTATTTGCCATTTTACTCTACTCTCTGTT
GACGGCAATGTGGTCAAAGCTTCATCTGCGACTTTTTTGTATGATTGTTTATTTAACTCTTGTTTAAACCCCACTGATCTATACCCCTGTTTTACCCCTGGTTTAGAAATGCTG
TTAAACTTATTATCACCCCTGCAGATATTCAAGCATAACAGTAGTGAAGCCAACATACTAtag
>contig053136-ZebTARe.A007
GTGATTGTAGTCTTTATCTAAACGTATTTGTTGGCTGTGACTCAAGCTCGTGGCTCGGCTCAGCATATTTGCAGCTCTGACACACGAGAGGTCAGTAAGTACAAATGT
TAAGAATCTGAAATGAAGCAGTAAGGACCATCAGTGTCTTACTATGTTGTTCTTAATGTGCTCTGCCATACTACGGTGTGCACACTCTCAGGTCAAGATGCCATCCT
CAGTGCTTCATCTGTTGCATTTTGTAATGTGTTTGTCTCATTTAAACTCCTGTCTCAACCCCTAATCTATGCTTTATTTACCCTGGTTTCAAGAAATCTGTTAAACAAATTTG
TATCACTTAAATATTGAAGTCTGGCTCCTGTGACCAATAATCATGTACACAGAATGA
>contig053129-ZebTARe.A008
ATGGCAGAACTGAACCTCTGCTTCCAAATCTCAACTCCTCCTGCGAGTAGAGTAAAGCGTTCTCCCTCGGACTCAGTGCTTATTATGTAACTCTATCTCTCTATCTC
TCCAGGCAGCTCCACACTCTCAACAAACCACTCCTCCTCTCCTGCGAGCTCTGATTCTTTGTGGGTCTCAATATGTGCTTTCAAAGTATGCTCGTAGATGTTGTT
GGTATCTTGGTGACCTCATGTGTGCTTGTATATGTTTTCGACATAGTTGTACTTCTGCCCTCAGTAGGAACCATGGTGTCTCATTTGAGTTGACCGTTATGTG
>contig067676-ZebTARep.A010
AACATAGTTCTCATCTCAGTTGACCGTTATGTGGCGATTTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAAATGACTGTGGCGAGAGTCAAAATTTAGTGTGTTGCTGCGTGGTT
TTATGCTGTTTTTCTACTGCACTCTCATCATGAAGGATATCCTAGTTGAACAGGCAGGTATAAATCCTGCTATGGAGAGTGTGTGTTTGTCAATATGATATTGCAAGGATT
TTTGACCTAGTTTTCTCTTTTTTGTCTCAAGTTATATCATCAGAGTTGTTTATATTTAGTGTGTTGTTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCGAGCCATCGGGTCTCATGTCACT
GAATCAAGCAACAAATCGGAGCTGAAGCAGCCAGGACTCTGGGATTCTGTAGTTGTGTTTCTCCTCTCTTTGAACCTTGTGAGAGACTCCTGCATATTTCC
AGACATACTGCTGTTTTCATAA
>contig030442-ZebTARIs.A011
AGGCAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTGCTCCTTCTCTGGCTGTCACTGACTTTCTCGTTGGTCTTCTGTTTATGCTGAGAAATCCTGCGAAATACAGCGTGT
GGTTTCTTGGTCACTCATGTTTCATTGTATAATTATGATCTCAAGTGTGCTGCTGCTCAGTGGGCAACATGGTGTCTGATATCAGTCGACCGCTATGTGGCTATT
GTGACCCCTCTGCTATTACCCCAACAGATCACAGAGGGAAGAGTGAACCTGCTGTGCTGTGTTTGGCTGTGCTGTTTTTACAGAGTATGATTTAATAGATGAT
CTAAGTCAACCACTGAAGCATAAATCTTGTATGGAAGATGTATAATTTCAATGAATTTATGCAAGATTTGTTGACCTGTTTTAGCCTTTATATTCCACTTACTGTCACT
ATTGTTCTGTATATGAGAGTGTGTTGGTGGCTGTGCTCAGGCCGTTGCCATCGCTCTCAGGTTACAGCTGTCACTACGCTCAGTGTCACTCAAGCTCAACCACT
AAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTTGGGTGTTCTGTTCTTGTATTTGTTTATGTTTCTGCTCATATTACATTTTCACTTTTGGAAACAGAGTGTGCTCAATAGCT
CATCTGCATCGATTGTGATCTATATGTACTATTTAACTCCTGTCTAAACCCCTTGTATTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCAGTGAACATAATTTGTACTCTA
CAGATACTGCAGCCTGCGCTCCTGTGAGGTGACGATAGTGA
>contig067676-ZebTARp.A012
ATGCTGTTGTGACTTCTCATCACTAGCTGTATAGGTTTTATTTCCCTAAATGCAACATGCTCTTAATAGAACATCTTCAATGAAGATATTTGACATGATTAATGTGAATTTATA
ATTTCTGTCTCCCTGCAGGCAGCTCCACACTCCCACTAACATCATCATCCTCTCTCTGCGTGTCTCTGACTTTTTTGTCTGTTTTTGTGTGATGCCGTTAGAAATCTTC
AAAAACACGGCCTGCTGGGATTTGGTGATCTCATGTGTTCACTTTATACTTCTTCAAGTGTGCTTATCAATGCTTCATTGAAATGATTTATTCGATATGATTTGACCTGTGACC
GCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTGTGCATTTACCCCAACAGAACTGAGTGTGCGCAGAGTCAAACTCAGTGTTTTTCTGTGCTGGCTTTATGCTATTGACAGATCATCT
ATACAAAGCATGCCCTGATAAACCCAGGCAGGTATGGTTCTGCTATGGAGAGTGTGTTTTGTTGTTGATGATATTTGGAATTTGTTGACTTTGTTGTATCTCTTATAGT
TCCAGTTACGATCATGTAGTTCTGTATACGAGAGTGTGTTGTTGGTGGTGTGCTCAGGCTCGTGGCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTCACTCTCAGCAGCCACTG
AATCAAGCAACAAATCTGAGCTGAAGCAGCCAGGAACCTTGGGATTTCTGTAGTTGTGTTTCTGCGGTGCTACTGTCCATTTTACTGCTACTTTTTCTGCGAGGCAA
TGATCAGCTGCTCTTCTGCTCATCTTCTTATTTTAACTTCTGCTTAAACCCCTAATGATGCACTGTTTTACTCCTGGTTTAGAAATGCTGTAAAC
TTATCATCACTCTGCAGATATTAAAGGCTAACAGCAGTGAGATCAACATACTACAGAGATAA

>contig030469-ZebTARp.A030

CTGACTGGCAACATTGGCCTTTGGCTCAACAGGGAACATAGTTCTAATATCAATTGACCATTATGTGGCTTTTTGTCCCCCTCTGCATTACCCCCACCAGAATTACTGTGGC
AAGAGTCAAACTTAGTGTTTCTCTGTGTGGTATTTTGGCCATTTCTACAGCAGTCTCTATATGAAGGATGTACTGATAAAGAGGTATAATTCTGCTATGAGAGTGTGT
GTTTATCATTAATGATATGTACAGGATTTTGCACCGGTTTTATTTTGTCCAGTCCAGTATCGTAATCTGTATATGAGAGTGTGTTGTAGTGGCTGTGTCTCAGCGCTT
GAGCCATGCGCTCTCATGTGTACAGCTGTGCACACTGCGCGTTCATTGAATCAGCAAACTCTGAGTTGAAAGCATCTGGGACTTGTGAATCTGTAGTGTGT
TTTAATATGCTACTGTCCATTCTCTGCTTTTCTTGGTGTAGAAAGCATGGTCAATATGCATCTACATTTTTTGTGATCATGGTCTTTTACTTTAACTCTGTCTAAACCC
TTTGATCTATGCCCTGTTTTACCCTGGTTTGAAGATGCTGTAAAACTGATCATGCACACTGCAGATTTTCAACACATGAAACTAGTGAAGCGCAACATCTGTA

>contig030459-ZebTARp.A013

ATGTCTCTGTTTGGCTAGACTGAATCAAGCCTTACTAATGACGACATTTTCAATGAAGACAGTTTGACATTAATAATGTGCATTAATAATCTTTTGTGTCTCTGCAGGAAGCTTC
ACACACCCAGTAATATCCTCCTCCTTTCTCTGGCTGTCTCAGACTTTCTTGTCCGTCTCCTGTTGATGCCATTAGGAATCCTTAGAAACACAGGCTGCTGGGTACTTGG
TGATATAATTTGTTCTCTTTATGGTATTTAACCAGCAACATTGTCTGTGCTTCAATAGGGAACATTGTCTCTAATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTGTG
CATTTATCCCAGCAGAATTACTTTGGTGAAAGTCAAACTCAGTGTTTGTCTGTGTTTTATGATTTTTCTACATCAGTCTTTATACAAAGGATATCCTAATTGAACCGA
GCAGGGATAATTCTGCTACGGAGAGTGTGCATTGTGCATCAATGATATTGCTGTTGTTGTGACCTGTTTTTCCCTTTATTTGTTCCGGTTTTCTGTCATTGTAGTTCTGTA
TATCAGAGTATTTTGGCAGCTGTGTCTCAGGCTCGTGCCATGCGCTCTCATGTGACATCTGTACACACTGCAGCGCTCACTGAATCAAAACAAACAACTGAGCTGAA
GCAGCCAGGACTCTTGAATCTTGTAGTTGTGTTTTCTGGCATGCTTCTGCCACTCTACTACTTTTCTCTTGTGATGAAAAATCAATGATCCAGCTGCACTTTTTGTG
GTCAATATATTTTACTTTAACTCGTGTCTAAATCCTTTGATCTATGCCCTTCTTTACCCTGGTTTGAAGATGCTGTTAAGCTTATCATCACTCTGCAGATTTCAAGTATAAC
ATGAGTGAGGCCAACATACTATAA

>contig066890-ZebTARs.A014

ATGGATACTCAGGATGGAGGAAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATCTCCTGCAAGAAGCCTACAACCTCCTGTCTCAATTGTTGCTTCTTATATTTGTTGTGTT
CTCAATGTCTCTGCTGACTGTGATTTCAACCTGCTCGTCATCATCGCAGTCTCCCACTTCAGACAGCTCCACACACCCCACTAATCTCCTCCTCTCTCTGGCTGTG
TCAGACTTTTTCAATGGTCTGTTGTGTGATGCCCTGCAAAATATCATCCGAAAGAAAGTTTGTGGTTTTCTTGGTCAGCTTGCAATGTTTAGTGTTTACTTATGTATCCTTGTA
TTACCTCTGCCTCAGTGGGCATCATGGTCTGATATCAGTGCAGAGGTATGCGGCTATTTGTGACCCTCTGCATTACCCACCCAGATAACTCGTGAAGAGGTGAAACT
CTGTGCTGCTGTGTGTGGCTGTGCTGTTATCTACAACATTTTGTCTATAAAGATGAACCTGGTTCAACCAGGGCAACATAATCTGCTATGAGAGTGTAAATTTCT
GTAGAGTACTGATTCAGGAACCACTGATATTGTTTTAACCTTTTGTGCTCCAAATGTTCTCATCATAGTTCTGTATATGAGAGTGTGTTGGTGGCTGTGTCTCAGGCCCG
TACCATTGCGCTCTCAGGTTACAGCTGTACACATCAAGCTCTCAGTGACTCTAAACAAAGAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTTGTCTTGTG
TTTTAATATGTTTCTGTCCCTCATTAATTGTTTTGTTGGAGAAAGGTGCTTAATAGCACTCTGCAACTATTGTGATCTATTGATCTATTATTTAACTCTGTCTAAATC
CTTTGATTTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTAATTGTACACATACAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGGTACAGCATACTGtag

>contig066691-ZebTARs.A015

ATGGAGATACCGAAAGGAGTCTGAGCTCTGTTTTCCACAACCTCCTCAACAGCTCCTGCAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTGCT
CTCATGTATCTCTTGCTCACTGCTGCTCTTAAACCTCTCGTCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTGCACACACCCAGTAATCTCCTCTCTCTCTGCTG
GTCTCAGACTTTTTTGTGGGCTTCCCTGTTTGGCTTTTGGAAATTTTGAAGAACACAGGCTGCTGGGTACTTGGTGATCGTATGTTTCTGCTTCTTCTTGTACAG
CAACATTATCTGTGCTCAATAGGGAACATTGTTCTAATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCTCTGCATTATCCAGCAGAGATTACTTTGGCCGAAGCTCAA
ACTCAGTGTTTGTCTCTGTTGGTTTTATGCTTTTTTCTACAGCAATCTTTATACAAAGAAATCATGAITTAACCAAGGCAGGATATAATCTGCTTTGGAGAGTGTGTA
TTTTAGCAGTAAATGCTATTGTGCTGACCTTATTTTATCTTTTTTGTTCAGTAAGCTGTTATCAGCCCTGTGATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAAGCTCG
TTGACCGCTCTCATGTTTACATGTTGCTCAGCTTCACTGAAGTCACTGAAGCAACAACTGAAGCTGAAGCAGCCAGGACTCTGGGAGTCTTGTAGTTGTTGTT
CTAGCATGCTTCTCTCCACTCTACTGCTACTCTCTTGTGATGAAAAATGCAATCAATAATCCAGCTGCATCTTTTGGCGTCTATTATCTTTTAACTAATCTTGTCTAAACC
CTTTGATCTATGCCCTTGTTTTACCCTGGTTTAGAAATGCTGTAAACTTATCATCAGTTGGAGATCTTCAAGTATGACACAAGTGGTGCCCAACTACTGtaa

>contig066285-ZebTARs.A016

ATGGAGAACAGGACCGGAGCTCTGCTTTCCACATCTCTTCAACAATTCCTGCATCAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAGCCGTGCTCCTGAACATTGTGCTGTGCTGC
ATGCTTTTGTGACTGCTGGTCTCAATCTCTTGTATCATCTCAGTCTCCCACTTTCAGGCGAGCTCCACACACCCCACTAATCTCCTCCTCTCTGCTGCTGCAGA
CTTTCTTGTGTGGTCTCCTGTTAATTCAGCTGAGATTTTGAATCAGAGTTTGTGCGGTATTTGGTGAATCCATGTGTTCACTTTATACATATCTAGGCTACATTGTTGTA
ACATCTTCAATAAGTTAATCATGTTTCTCATATCAGTTGATCGCTATGTGGCAATTTGTATCCTCTGCATTACCCAGTAGAATTTCTGTGGCAAAAAATAGCTTAGTGTT
GTATGTGTTGGTTTTTATCAGCTTCTACAGCACTCTTTGCACAAAGAAATATCCTGATTGAACCGAGCAGGTATAATCTGTTATGGAGAGTGTGTTTATCACCAGTG
ATATTGCTGGCATAATGACCTGTTTATCTTTTATCGTACCAGTTTCCATCATCATAGTTCTTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCGTGCCATGCA
CTCTCATGTTACAGCTACACTCTCAGCGTTTCACTGAATCAAAACAAACAACTGTGAGCTGAAAGCAGCCAGGACTCTGGGGGTTCTTGATGTTGTGTTTGGCCAGTTTC
TGTCCATTTTATGTTACTTTCTTGTGTAGAAAGACAAGTCAAGTATTCATCGCCTTATTTGTGGTGCATCGTCTATTATTTAACTCTTGTCTAAACCCCACTAATTTATGC
CTGTTTTAACCTTGGTTTTGAAGATGCTGTAAAGTCACTACACTTTTCAGATATTCAGCATGACAGCAGTGAGGTCAACGTAATAtag

>contig066056-ZebTARs.A017

ATGGAAGAAACTGAACCTCTGCTTTCCACAACCTCCTCAACTCCTCTGTGTGCGGCAAAAGCGCCCAAAATGAGGCTGTGTGTTATACACCTGCTATCATCTATCT
CTCTGCTTACTGCGACTGTGAACCTACTTGTCTATCATCTCAGTCTCCCACTTTCAGGCGAGCTCCACACCCCAACCTCCTCCTCCTCTCTGCTGGCTGTGCAGA
CTTCTGTGGGCTCATCATGCTTTTGAGATAGCCTCCTAGATGGCTGCTGGTTTTCTTGGTGACCACATGTGTGCTCTGTATAGCAGTTTATAGTTACATTTTACTTCTG
CTTCAGTAGGAACATGTGGTACTCATATCAGCTGACCGCTATGTAGCCATTTGGCAGCCCTCTGCATTATCCCAACAAATTAATAAAGAGTCTCAGCTCTATTGTTGATC
TTGCTGGGCTTGTCTCAATCTGTGTATAACAGTCTTATCATGAAGGATAATTTCAAGCAGCCAGGGAGGTATAATTTCTTGTCTGGTGAATTTGTAGGTTGTCTCAATGATTACTT
GTGGGAATTTTTGACTTTGTTTGGTGGCTTGTGATTGTGCTGCGCCCTGTGATTGTCTCATAGTTCTGTATCTAAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCGGGCAATGCGCTT
TCATATCACTGCTCTCAGACTCCAGGGGTGAGAGACGGTGCATGCTAAGAAATCTGAGCTGAAAGCTGCCAGGACTCTCGGTGTACTTGTATTGCCCTTCTGTATATGT
CTTTTCCCATTTTTCTGTCTCCTCAATGGTAGGCCAGAAATGTTCTTGTATATAGATCTGTACCTTTTGAAGCTCTGTGCTGTCTATTTTAACTCTTGTCTGAACCCCAATTA
CTACACTTTTTGCTACCCCTGGTTTTGAAAATCTTCAAGACTTATTCAGACTATTTAAGATATTTAAGCATGGCTCAGTGAGGCCAGTACTAtag

>contig062677-ZebTARs.A018

ATGGGCACACAGGAAAAATCTGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATGTCTGCAAAAAGCCTGCCATTGCTCGGTCCAAAGCTGTTTTCTTCTCATATTGTTATGTC
CTCAGTTTCTTTTGTACAGTGGCTCTCAACTTGTCTGTATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCGAGCTTCACACACCCCACTAATCATCTGCTCCTCTCTGCTGGCTGTG
TCAGACTTTCTGTTGGCTCCTATTGTCACTGCAAGAACTCCTCGAAGTACAGCCTGTTGGTTCTTGGTCAGCCACATGTTAATGTATATTTTGTGCTCCTTGACT
TGTACCTCTGGCTCAGTGGGACTATGTGGTGTGATATCAGCTGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCTTTGAATTAACCCATCAGGATCATGACAGAAAGTTCAACT
CTGTTGTTGCTGTGTTGGCTGTGCTCCATCACTTCACTGCTTTCCCTTGTGAAGAGTAGACCTGCATCAAGAAAGAAAAACAAATCTCCTGCTGTGAAAAATGTGTCGTTG
TTGTCAATACATTTGAGGAGTTTGTGACCTCATTTTAACTTTCATTGACGATTCTGCTCATAGTTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCC
GCTCATGCGCTCATGCTACAGCTGTGAGAAATCACTTCCATGACGCTTAACAAAGAAAGCTGAACTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTGTTCTGTGTT
TCTAATGTGTTTCTGCCCTTACAGTGTGTTCTTGTAGGAGAAAGTATCATCAATGTTCTCATCTGCTTCTTTTGTGGCTCTGTTTGTAACTCATGTCTAAAC
CCTTGATCTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTAGTTGTCACTCTACAGATACTGCAGCCTGGCTCCAGTGAGGTAAGTATTTGtaa

>contig062676-ZebTARs.A019

ATGGAGACCCAGGACGAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATCTCCTGCAAGAAGCCTAAAACATCTCTGTCTCAAGTTTTGCTCCCTTACGTTGTGGTGT
TTTCACTCTCTCTGCTACTGTGGCTCTCAACCTTCTCGTCATTGTCTCAGTCTCCCACTTCAGACAGCTCCACACACCCCACTAATCATCTCCTCCTCTCTGCTGGCT
CTCAGACTTTCTCATGTTGCTGTGTTGATGCCAGAAAACTCCTAGACAGCAGCTGTTGGTTTTCTTGGTCAACTACATGTTCTCTGATGATATATATGCTTCTGCT
TGTTACCTCTGCCCTCAGTGGGCATATGGTGTGATATCAGTGCAGCCGTTATGTGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGATACGACAGAAAGGTGAA
CTCTGCGTCTGTGTGTTGCTGCTGCTGTTTTTACAACATCACTTATATAAGGAGCAGCTGTTCTCAACGAGAAACGACATATCTGTTATGGAGAAATGTGATTT
GTCTAGACTACATTGTAGGAACCACTGACATTGTTTTAACTTTTATTGCTCCAGTTACTGTGCATCGTATTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCC
GTGCCATTGCGCTCTCATGTTACAGCTGTGCACACTCGAGCTCTCAGTGACTCTTAACAGCAAGAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTTGTCTTG
TGTTCTATATATTTTGTGCCATATACATTGTTTCAATTTTTGATAGAGGTTTGCTCAATAGGACTTCTGCATCCATTGTGATCTATCTGATATTTTAACTCTGTCTAA
TCCTTTGATTTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAATAGTTGTCACTCTACAGATACTTCAGCCAGGCTCCTGTGAGGTACAGCATACTGtag

>contig061417-ZebTARs.A020

ATGGAGATACAGAAAGGAGCTGAGCTCTGTTTTCCACAACCTCCTCAACAGCTCCTGCAGGAAGCCGACGCTTCGCTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTCT
GTCTGCTCATCTCTCTGCTCACTGCTGCTCTAAACCTTCTCGTGATCATCTCAGTCTCCTCACTTCAGGAAGCTTCACACACCCAGCAACATCTCCTGCTCTCTGCTGCT
GTCTCAGACTTTCTCATGGGCTCTTGTGATGGCCAGCAAGAACTTAGAAGCATGACTGTGGGTACTTGGTGATCTTATGTGTTCTTCTTGTGCTGATGA
AACATTACCTGTGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTTATATCGATTGACCGTTATGTGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACTCCAGGAGAATTACTGTGGCAAGAGTCAAA
CTCAGTGTTTGTCTGTGTTGTTTATTTCAACTTTTCTACTGCAGTCTTTATACGCAAGAAATGCTGATTGAACCGAGCAGGTATAATCTGTTATGGTGAGTGTGTCCT
GTCACTCAGTGATTTGTGGAATGGTTGACCTTATTTTATTTTATTTCTTCCACTTTCTGTCTCATCATGTTCTGTATACAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCT
GTGCCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTGCACACTCGAGCTCTCAGTGACTCTTAACAGCAAGAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTTGTCTTG
TGTTCTATATATTTTGTGCCATATACATTGTTTCAATTTTTGATAGAGGTTTGCTCAATAGGACTTCTGCATCCATTGTGATCTATCTGATATTTTAACTCTGTCTAA
TCCTTTGATTTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAATAGTTGTCACTCTACAGATACTTCAGCCAGGCTCCTGTGAGGTACAGCATACTGtag

>contig061410-ZebTARs.A021

ATGGATACACAGAGTGTGGCAGAGCTCTGTTTTCCACAACCTCTTCAACACCTCCTGCAAGAAGCCTCCTCTGTGAGAATTTGTGTTCTTCTCATGTTGTGTTGCTGCCAT
CTGCTGCTCAAGTGTGACTCTCAACCTGCTCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCGAGCTCCACACACCCCACTAATCTCCTCCTCTGCTGGCTGTCTCAGAC
TTTTCTTGTGGTCTCGTGTGATGCTGCGGAGAAATCCTCGAATAATGACCGCTGCTGTTTCTGCGTGACCTCAGCTGTTCTATGTACAAATATATGCTTTAATTTGTAC
TCTACCTCAGTGGGAGACTGTGATGCTTAATCAATTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAAATCAGACAGAAAGTGAACCTGTGT
TTGTCTGTGTTGGCTCTGCTCTGTTTTCTATAGCAGCTGTTTGTAAAGGATGATCTAACTCAACCAGGGAAGCATAATCTGCTATGGAGAAATGACAATGATGTTGA
CTTAATTACAGGAACGATTGACCTCTTTTAACTTTTTTGTGTCAGTTACTGTCTATTGTAGTTCTGTATCTGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCGAGCCAT
GCGCTCTCATGTTGACTGTGCTCGAGCTTTCAGTGACTCTAAACAGCAAGAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTTGTGTTGTTGTTCTA
CTGTGTTTCTGCCCTTATTTATGTTACTCTTGGCAGGAGCACTCAATGAATGTTCTATGCTATCCTTTTTGCTCTATCTGTTCTATTTTAACTCTGTCTAAACCCCTT
GATCTATGCACTGCTCTACCCCTGGTTTGAAGAACTGTGAAACTCATATACTCTTTACACATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGATTAGCATTTGtaa

>contig059768-ZebTARs.A022

ATGGAGAACGTTGTAGGACCAAACTCTGCTTTCCACAGCTCCTCAACACCTCCTGTAGGAAGCCGCTGCAACATCACAATCAGACCAATTTTTCTCATTTCTGCTTTG
CTGCATCTCTCTGCTCAGAGTACTCTCAACGTCTGTGCTCATCTCTATCTCCCACTTCAGGCGAGCTTCACAACCAAAACCACTCTCTCCTCTCTCTGCTGTG

TCGACACTCCTTGTGGCCCTCCTGCTGATGCCGCCTCGAATCCTCCTTTAGGGGGCTGCTGGTTTTTGGGCACCTTCATGTGTGGACTGTTTTTACTATGCCTCCTTTTG
TTCTCACATCTGCCTCAGTAGGAAACATGGTGCTTATTTCAATTTGACCGGTATGTAGCTATTTGTGACCCCTTGTCCTACCCCAACCAAGTACTGAGAGAAAGTCCAA
ATCAGTGTGCTGTGCTGTGGGCTGTTCAGTGTCTGTATAACGGCACAACTATAACAACTTTCTGAAAGCAGCCAGACAGATATAATTTCTGTGACGGGGAATCATAGT
TGTAATTAATTTCAATACTGGTGCTTTGATGTCTGATGTACCTTCATCGGCCCACTGCTGTGATCATATTTCTGTACATGAGAGTATTTCTGGTGGCTGTGCTCAGGC
TCAGGCTATGAGATCTCATGTTGCCTTTGTACTTCAAAGGGTTCACTGTACAGTTGCCATTAAGAAAGTCTGAGAGAAAGCAGCTACAACATTAATTTGGTGTGTTGTGGT
GTGTTTCTGATGTGTTTCTGTCTTACTTTATCCCTCTCTCGCAGGGCAGGACACATCAACCAGTGTGGAATTTTCAAGTTTGGGGTCTGGTTACTTTATTTGTAATTCG
TGCTAAATCCCACTTATCTAGCGTTTTCCTATCCCTGGTTTAGGAAGACTGTAAACTGTATAGTTTACATTTGCAGATTTTGCAGCTGACTCTTGTGATGCCAACATCTGta

9

>contig053139-ZebTARs.A023

ATGGAGGAACCTGAACCTCTGCTTTCCAAAACCTCCTTAATATCTCCTGCATCAGGCCAAAGCGTCTCTCACTTTGAGATCATGCTGACTTACATTTTGCCTCTCCTTCAATTTCT
TTGCTTACTGTGATTTCTTAACCTGCTGGTCAATATCTCCATCTCACACTTCAGGCAGCTCCACACCCCCACCAACTTCTCCTCTCTCTGGCTGTGCTGATTTCTT
TGTAGGTTCCCTTATGTTCTTTCAAATAGTGCTCATCGATGGATGCTGGTTCTCGGTGACATCATGTGCACCTCTGTATCAGTATCTAGCATTCATTAATCTTACGCCCTCA
GTAGGAACCATGGTGATCATATCTGCTGATAGGTATTTGGCTATTTGTTACCCCTCTGCATTACTCCACCCAAATCACACAACAAAGAGTAAATATATGTAAAGTTTGTGTT
GGTTTTTTTCTGTGATCTTTTCAGAGTTTGATTGTGAAGGATAACTTTGAAACAACAGGAAAGTATAAATCTCTGCATTGGAGAGTGTGTCTTTGTGCGTAACTACATTGCTG
GGCTTTTGTATCTTTTGGTTTTTCCCTTCATTGTTCCCACTTACTGTGATTTGATGTTCTGTATCTGAGAGTGTTTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGTGCCATGAGGTGTCAA
TCTGCAGTCACTACAGCGATCAGTAACAGTAACTGTACGAAATCGGAGCTGAAAGCAGCCGTACTCTTGGTGTGTTGTAGTTGTGTTCTTATATGATGTGCGCC
ATATTACTGCGTGTGCTCTCACAGGCCAAGATAACTTCTAAATGCTTCATCTGCTGCCCTTTGTAATTTGTTTGGTGTACTTTAACTCTTGGCTAAACCCCTATCATTTATGTCT
TTTTTTATCCCTGGTTCAAGAAAGCAATCAAACTTATGTCTACTCTTCAAATACTGCAGCCTGACTCCCGTGAGACTTAACATGCATTTaa

>contig030471-ZebTARs.A024

ATGGAGATTTCAGAAAGCAGCTGAGCTTTGTTTTCCACAACCTCCTCAACAGTTCTGTCAGGAAGCCGACACTTCATTGGTCCAAAGCTGTGCTCTGAACATTGTGCTG
TCCTGCTATCTCTGTATCACTGCTGCTCTAAACCTCCTGGTCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGAAGCTTCATACACCCAGTAACATCCTGCTCCTCTCTGGCCG
TCTCAGACTTTCTGTGGGTCTTCTGCTGATGCCATTAGAGATCTTTAGAAACACAGCTTGTCTGGGTACTTGGTGATCGTATGTGTTCTGCTTATTTGGTATTTGACCATCA
ACATTACTGTGCTCTCAATAGGGAACATTTGTTCTAATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTATCCAGCAGAATACTTTGGCGAAAGTCAAAC
TCAGTGTTTGTGCTGTGTTGTTTATGCTTTTTCACAGCAACTCTTTATACGAAATCATTTGTAACAGGCAAGTATAAATTTGCTTTGGTAGAGTGTGATTTT
AGCAGCAATATTTGCTATTTGCTGTACCTTATTTTATCTTTTGTTCAGGACTGATTTATCATAGCCTTTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGTG
CCATGCCCTCTCATGTTACATCTGTCAACCTTCAGTGTTCACGTAAACAGCAACAAATCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGACTCTGGGGTCTTGTGATCTGTATTTT
GGCATGCTACTGTCCATTTTACTGCTACGCTCTGGTTGATAAAATGTGGTCAATGATTTCATCTGCATCTTTTGTGGTCTTGTCTTTTAACTCTTGTTTAAACCCA
CTGATCTATGCTCTGTTTACCCTGGTTTAGAAAAGCTATTAGATGTGTTATCATCTCTGCTGATATTTAAACATGACAGCAGTGAGGTCAACATAATatag

>contig030464-ZebTARs.A025

ATGCAGAAAGAACGCCGAGCTTTGTTTTCCACAACCTCCTCAACAGCTCCTGCAGGAAGCCACAACTTCTACTGGTCCAAAGCTGTGCTGCTGAACACTGTGCTGTGCTG
CATCTCTCTGCTGATCTCTGCTCAACCTCTCTGCTCATCATCTCAGTCTTCTTACTTCAGGAGACTTCACACACCCCACTAACCTCTCCTCTTCTGTGGCTGTCTCAG
ATTTCTCTCACTGGTCTCCTTATGCTGCCACTAGAAATAATTAGAAACACGGCCGCTGCTGGGTACTTGGTGATCTTATGTTTCTGTTTATACCTTATCTGACAGCCGCTCTT
TCTGTGCTTCAACTTGGCACATAGTTCTCATTTTCAGTTGACCGCTATGTAGCTATTTGTACCCCTCTTCTTATACCCCAACAGAAATCTGCTTGAACAGTCAAACTCTGT
GTTTGTGTTGTGTTGGTTTGTTCACCTCTCTACGGCAGTCTTTTAAACAAGGATGTTCTAATTAAGCCGGCCAGGTATAATTCCTGTATGGAGAGTGTGTTTGTGCTATT
AATGATTTGAGGTTTATGATCTTTGTGTTATCTTTTATTTTCCAGTATCTGTGATCATAGTTCTTTATATGAGAGTGTTTTGTGGTGGCTGTGCTCAAGCTCGTCCAT
GCGCTCTCATGTTACAGCTGTGCACACTTCAGCGTTCAAGCAATCAAGCAAAACAAATCTGAACTGAAAGCAGCCAGGAACCTTGGAGTCTTGTAGTTGTGTTTCTCGCA
TGTTACTCTCCGTTTACTGTIACCTCTTATTGAAGTAAATGTGATCAACTGACTCATCTACATTTTCTGATCATTTGTGTTTACTTTTAACTCGTGTCAAAACCCACTGAT
GTATGCCCTTTTACTCTTGGTTTAGAAATGCTGTAAACTTATTATCATCTGTCAGATTTTAAAGCTAGACACTAGTGAAGCAAACTGtttaa

>contig030445-ZebTARs.A026

ATGGATACTCAGGATGGAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATCTCCTGCAAGAAACCTACAACCTCCTCTGTCTCAAGTTTGTCTCCTTTATATTTGTTGTGTC
CTCAATGTCTCTGCTGACTGTGACTCTCAACCTGCTGCTCATCATCTGCCAGTCTCCCAGTCTCAGGCAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTGCTCCTTTCTGTGGCTGTG
ACTGACTTTCTCCTTGGTCTTCTGTTTATGCCCTGGAGAAATCTGCGAAATCAGCGTGTGGTTTCTTGGTCACTGCATGTTCTCTGTATAATATGCTCTACATCT
ATTACCTCTCGCTCAGTGGGCAACATGGTGTGATCAGTGCAGCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAAGCAATCAAGAGAGAGAGTGAAGC
TTTGTGTTTGTCTGTGTTGGCTCTGCTCTGTTTTCTACTGTTATGTGATTTAAATAGATGATCTAAGTCAACCCAGGCAAGCATAATTTGCTATGGAAGATGTATAATATCT
ATTGAATTTATGAGGAATTTGTGACCTTTTTTATCTCTTTATTTCCACTTATGTTGATCTGTCATCATAGTCTTGTGATCATGAGAGTGTGTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCCCTGTG
CCATGCCCTCTCAGGTGTACAGCTGTGCACACTGCAGCTCTCAGTGAAGTCTTAACAGCAAGAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTTGTCTTGTGT
TCTATATGTTTGTGTTCTGTTCAATATCTTTTACTCTTTTGGAAACGATTGCTCTCAATAGCTACTTGCATCTGATTGTGATCTATCTGACTATTTAACTCTGCTCTCAAAAC
CTTTGATTTATGCTATGTTTACCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTAATTGTGACTCTACAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGGTGACGCTACTGtag

>contig066330-ZebTARs.A027

ATGGAGGAAGCTGAACCTCTGCTTTCAACAACCTCTTAAACCTCCTGTCATGAGGCCAGGCGTCCACACTTTGAGATCATGCTGACTTATATTTTGTGTGCTCTCATTTTC
TCTGCTTACTGTGATTTCTTAACCTGTTGGTGCATCATCTCTGTCTCACATTTTCAGGCAGCTCCACACCCCAACCAACCTCCTGCTCCTTTCTGTGGCTGTGCTGATTTCT
ATGTGGGCGCTCCTCTGTTCTTCCAAATTTGCTCATAGATGGCTGCTGGTTCTCGGTGACATCATGTGCACCTCTGTATCAATACCTAGCATATGTCATCCTCGGCC
TCCATAGGAACCATGGTGATCATATCTGTTGATCGATATTTGGCTATTTGTACCCCTCTGCATTACTCCACCAAGATCACACAACAAAGAGTAAATATTTGTGCTGTGTTGT
GTTGGATCTGCTGTGTTGCTCTTCAAGTCTGATTCTGATGGATAACCTGGAGCAACGAGCAGGTATAAATCTTGCATTGGAGAGTGTGCTTTGTTCATTAAATCAATCG
CAGGACTGTGTTGATGTTACTTTTTCCCTTATTGTTCCCTTTACTGTGATTGTAGTTTGTATCTGAGAGTGTTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGTGCCATGAGGTCT
CAGCTTGCAGTCACTACCAGCATCAGTAACAGTAACTGCAAGAAATCGGAGCTGAAAGCAGCCTGGAATCTTGGTATTGTTGTTGTGTTTCTCATATGTATGT
GTCCATATTACTGTGTGGCTCTCACAGGCCAAGCAGCTTGCCAAAGTGTCTCATCACTGACATTTTCTATGCTTAGCCTTAACTGATCTGCAACCCCATATAT
ATGCTCTTTTCTACCCCTGGTTAGAAAATCTATAAAGTCATTGTTACTCTTCAGATACTGCAGCCTGACTCTTCTAAAGTCAACCATGcgtag

>contig053145-ZebTARs.A028

ATGGAGGAAGCTGAACCTCTGCTTTCAACAACCTCTTAAACCTCCTGTCATGAGGCCAGGCGTCCACACTTTGAGATCATGCTGACTTATATTTTGTGTGCTCTCATTTTC
TCTGCTTACTGTGATTTCTTAACCTGTTGGTGCATCATCTCTGTCTCACATTTTCAGGCAGCTCCACACCCCAACCAACCTCCTGCTCCTTTCTGTGGCTGTGCTGATTTCT
ATGTGGGCGCTCCTCTGTTCTTCCAAATTTGCTCATAGATGGCTGCTGGTTCTCGGTGACATCATGTGCACCTCTGTATCAATACCTAGCATATGTCATCCTCGGCC
TCCATAGGAACCATGGTGATCATATCTGTTGATCGATATTTGGCTATTTGTACCCCTCTGCATTACTCCACCAAGATCACACAACAAAGAGTAAATATTTGTGCTGTGTTGT
GTTGGATCTGCTGTGTTGCTCTTCAAGTCTGATTCTGATGGATAACCTGGAGCAACGAGCAGGTATAAATCTTGCATTGGAGAGTGTGCTTTGTTCATTAAATCAATCG
CAGGACTGTGTTGATGTTACTTTTTCCCTTATTGTTCCCTTTACTGTGATTGATGTTGATTTGTATCTGAGAGTGTTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGTGCCATGAGGTCT
CAGCTTGCAGTCACTACCAGCATCAGTAACAGTAACTGCAAGAAATCGGAGCTGAAAGCAGCCTGGAATCTTGGTATTGTTGTTGTGTTTCTCATATGTATGT
GTCCATATTACTGTGTGGCTCTCACAGGCCAAGCAGCTTGCCAAAGTGTCTCATCACTGACATTTTCTATGCTTAGCCTTAACTGATCTGCAACCCCATATAT
ATGCTCTTTTCTACCCCTGGTTAGAAAATCTATAAAGTCATTGTTACTCTTCAGATACTGCAGCCTGACTCTTCTAAAGTCAACCATGcgtag

>contig030440-ZebTARs.A029

ATGGATACCCAGAGCAGAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACACCTCCTGCAGGAAGCCCTACAACCTCCTCTATACAAGTTTGTGCTCTTTCACATTTCTGATGC
CATCAATGTCCTGTGACTGTGACTCTCAACCTGCTTGTACATCGCATCTGCCATCTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACACCCCACTAACCTCCTCTCTGTGGCTGCG
CGCTGACTTTCTCATTTGGCCCTCTGTTTATGCCCTGGAGAAATCCTGCCAAATACAGTGTGTGGTTTCTTGGTCACTGCATGTTCTCTGTATAATATATATCTCTGGTT
GTTACCTCTGCGCTCAGTGGGCGATATGGTGTGATACAGTCGACCGCTATGTGGCTATTTGTACCCCTCTGCATTACTCCACCAAGATCACACAACAAAGAGTAAATATTTGTGCTGTGTTGT
TGTGATTTGCTGTGTTGGCTCTGCTCGGTTTTCTACTGCTATATGATTGTAAGAGATGATCTAAGTCAACCCAGGAAAGCATAATTTCTGCTTTGGAGAGTGTATAATTTT
TGTTGAATTCATTGCAGGATTTGTTGACCTTGTTTATCCCTTTATAATCCAGTTACTGTGATTTGATTTCTGTATATGAGAGTGTGTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCCCGT
GCCATGCGCTCTCAGGTTACAGCTGTGCACACTGCAGCTCTCAGTGACTCTAACAGCAACTAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTTGTCTTGTG
TTTTCAATATGTTTCTGCCCTTATACATGTTTTCGCTTTTTGGAGAGCAGGTTTCTCAATAGTGCTCTGCATCTATTGTATTCTTTCTTTTAAACCTCCTGTCTAAAC
CCTTTGATTTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTAATTATGACTCTACAGATACTGCAGCCTGGCTCTGTGAAGTCAGCATCTGtag

>contig030465-ZebTARRep.A009

ATGGAGATACACGAAGCAGTAGAGCTCTGTTTTCCACAACCTCCTCAACGATTCCTGCAGAAAGCCCAACACTTCACTATTCCACAACCTAGCTGCTGTATATTGTATGT
ATGCATCACTGTGCTGTCTAAACCTCTTGGCCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTTCGCACACCCAGCAACATCTCCTCTCACTGGCTGTTTCAGACTTT
CTCGTGGGTCTCCTGTTGATGCCGTACGAAATTTTAAAGAGCACCACCTGCTGGATACTTGGTGATTTTAAATGTTTCTTTTATTGGTATCTGACTGGCAACATTACGTGT
GCTTCAATAGGGAACATAGTCTTAATACAGTCGCGTATGTGGCTATTGTGACCCCTTACATTACTCCACAGAAATCACTGTGGCAAAAGTTAAACTC

>contig037879-TiITAR.B060

ATGCATCCCTGCTATGAACTCAGAAAATGCCACTTATACCTTTTACAACAACCCCTTCCATTGCCTGTGTTATATGTATATTTTCCCTGGTTCATTGTCTGTTGTCACAATAT
CGGAAACCTCTTGTGAACAATGCCATAATTACTTCAAACAGCTTCAACGCCTACTAACTACCTCATCTGTCTGTGGCTGTGGCTGACCTGCTTGTAGGAGTTTTAG
TTTTCCCTTTCAAGCATGGCCCTCACTGTTACTTTGTGTCTGGATCATGAAGATTATTTTGCAAAATACGCGATAGCTTTGATGTGTCACTATGCACATCTCTTACTTAAAC
CTTGTGCTGCATTTCCATAGAGAGATATATGCAGTTTGTGACGCTCTGAATTTACAGATCAAAAATAACTCAAGTTACAATGTTTATGATGCTGGGCGATT
TCTGATTAATTTGGAATTTGCATTATAATTGCAAGATTGACGGAAGTATGTGTGAAGAAAGTGTGCTCTGTTGATGTTGTAATTTGCAAAACACTATGGGACCTGTTTTCTCAT
TTTTACCTCCAGCAATCATGCTTTTATATACCTTAAAGATTTTTCTGTTGGCAGAAAGTAAAGCAACCAATGCAATCTGTACAAATCTGTGAGCAACTAT
TAGTAAGCTGTGAAGAAAGGCCACAAAACCGCTGTCTATTGTATGTCAGGAGTGTGTTCTTTTATGTTTGAAGTCCCTTACTTTATTGTTGTGCTTTTACGCTTTAGCTCATAAT
CCCCACCGATTCTGCTGATTGAACACTTAACTGGCTTACGTTTCAATGTTAACTGATTAATCCATTAAATTTATGCTTTCTTTATAGCTGGTTTAGGTACAGTTACAGAT
TGATTGTTTCTGGAACAATACTTCATTGTAATTTGGCTAACTCAAATTTGTTTaa

>contig037889-TiITAR.B061

ATGACCATCAITGTAAATGATCTACATCCCTGTTATGTAATACAAGACTCCAATACATGCTGACAAAACAGCCCTTCCATTATATGTGATTCTTGTACGCACTCCTTGCAAT
ATTGCTCTGTTATAACAATATGTGGAACCTCTCTGTAATAATTTCTGTGATTACTTCAAACAGCTCCACACTCCTACTAACTCTCTCATCCTCTCTCTGCTGTGGCTGAC
CTGCTCATTTGGGATATAGCATTTTCTCTCAGCATGGCATTCTCTCAGCTCATGCTTTTATCATGAGGGTTTGTGTTTGAAGTGGCAGGAGCCTTTGATATTTCACTG
AGCAGATGTTCCATCTGTAATCTCTGCTGATTTCTATTGACAGATATCATGCTGTTTGGCAGCCTCTGACTTATCAAACATAAATCAGCCATCGTCTGTTGTGTTTCATG
ATCCTGATGAGCTGGGGGTTTCTGGGATAATTGTGACCATTTCTGAGTAAATAATGAAAATAGAGGAATCATTTTGTGAGCTTCTAATGGAAGC
ACTGTTGGACCCATGTTATCATTTTACCTGCCAGTGATCATAATGCTTTGTATCTACCTAAAGATTTTCTTGTGTCAGGAGGCAAGCAGCAGCATCCAGAACACAAC

CTCATGTATCTCTGTGATCACTGCTGCTCTAAACCTTCTCGTCAATCGTCTCAGTCTCTTACTTTCAGGCAGAGGCCAACTTTCACACACCCAGTAACATCCTCCTCCTCTCTC
TGGCTGTCTCAGACTTTCTTGTGGGCTCTCTGTTGATGCCTTTAGAAATCTTTAGAAACACAACCTGCTGGGTACTTGGTGATCTAATGTGTTCCGGTTTATTTGGTATCTG
ACTGGCAACATTAACCTGCGCTTCAATAGGGAACATAATTCTAATATCAGTTGACCGTTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCACTAGGATGACTGTGGCAAG
AGTCAAACCTGAGTGTGTTGCTGTGTTGGTTTTTTTCAATTTCTACATCACTCTCTATACAAGGATATCCTAACTAAACCAGGCAGGTATAATTCCTGTACGGAGAGTGT
ATGTTTGTGAGCACTGATATTGCAAGGTTTTGTTGACATTGTTTACGCTTCATTGTTCCAGTTTCTGTATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGTCTC
AGGCTCGCGCCATGCGCTCTCATGTACAGCTGTACACACTTCAGAGGTCTACTGACTCAA
>contig022371-TiIARe.A009
ATGGAGATACAGAAAGGAGCCGAGCTGTGCTTTCCACAACCTCTCAACAGTTCTCTGCAGGAAGCCGACACTTCTCTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTGCT
CTCATGTATCTCTGTGATCACTGCTGCTCTAAACCTTCTCGTCAATCGTCTCAGTCTCTTACTTCAGGCAGAGGCCAACTTTCACACACCCAGTAACATCCTCCTCCTCTCTC
TGGCTGTCTCAGACTTTCTTGTGGGCTCCTGTTGATGCCTTTAGAAATCTTTAGAAACACAACCTGCTGGGTACTTGGTGATCTAATGTGTTCCGGTTTATTTGGTATCTG
ACTGGCAACATTACCTGCGCTTCAATAGGGAACATAATTCTAATATCAGTTGACCGTTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCACTAGGATGACTGTGGCAAG
AGTCAAACCTGAGTGTGTTGCTGTGTTGGTTTTTTTCAATTTCTACATCACTCTCTATACAAGGATATCCTAACTAAACCAGGCAGGTATAATTCCTGTACGGAGAGTGT
ATGTTTGTGAGCACTGATATTGCAAGGTTTTGTTGACATTGTTTACGCTTCATTGTTCCAGTTTCTGTATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGTCTC
AGGCTCGCGCCATGCGCTCTCATGTACAGCTGTACACACTTCAGAGGTCTACTGACTCAA
>contig022383-TiIARe.A010
ATGGATAACCAAGGCCGAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACACCTCCTGCAAAAAAGCCTAGAACCTCCTCTATCACAAGTTTTGTTCCATTATATTGTTGTGTT
CTCAGTGTCACTGCTAACTGCGGCTCTCAACCTCCTCGTCAATCGCAGTCTCCCATTTCAGGCAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTCTGGCTGT
CTCAGACTTTTCTATTGGTCTGTTGATGATGCCGGCAAAAAATCCTACGAGACACAGCTTGTGGTTTTCTGGTCAGCTCACATGTTAATATATAATTATATATGCTTCAATTA
TTACCTCTCGCTCAGTGGGCATTATGGTGATACAGTTGCTCAACAGCTCGTCTGATCAAGCTGATGCTATCTGATCTATCTGATTAATTTTAACTCCTGTCTAAATCCTTTGATTATGCTATGTTCTA
CCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAGCTAATTGTGACTCTACAAATACTGCAGCCTGCTCCTGTGAGGTCAACATACTAtag
>contig033907-TiIARe.A012
GTATTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCCCGTGCCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTCAACACTGCAGCTCTCAGTGACTCTAACAGCAAGAAATCAGAGTTAAAGCT
GCCAGGACTCTGGGTGTTCTTGTCTTGTGTTTCTATTATGTTTCTGCCCATATTACATTGTTTCACTTTAGGAAACGAGTTGTTCAACAGCTCATCTGCATCTATTGTGA
TCTACCTGTATTATTTTAACTCCTGTCTAAATCCTTTGATTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAATTAGTTGTCACCTCTACAGATAGTCAAGCTGGAG
CTCCTGTGAGGTCAAGCATCTGTA
>contig056116-TiIARe.A013
ATTGTTGCTGTTTGTGTTGGATCTGTTCTGTGCTATCTTTCAAAGTCTGATTCTGATGGATAAAGCTGAAGCAACCCAGGCAGGTATAACTCTTGCAATGGAGAGTGTGTCTT
TGCTAATTAATACATCGCAGCACTTGTGATGTTACTTTTCCCTTTATTGTTTCCCACTACTGTGAATGTAGTTTGTATCTGAGAGTGTGTTGGTGGCTGTGTCTCAGGCT
CGTGCTATGAGGTCTCAGCTTGCAGTCACTACCAGCGATCAGTTACAGTTACTGCAAAAGAAATCGGAGCTGAAAGCAGCCTGGACTCTTGGTATTGTTGTTGTTGTG
TTTTCTCATATGTATGTGTCATATTACTGTGTGGCTCTCACAGGCCAAGACAGCTTGCCTGCTTCTCATCACTGACATTGTTCTATGTTTGGTCTACTTTTAACTCATGT
CTGAACCCCATTTATATATGTTTTTCTACCCCTGGTTTCAGAAAATCCATAAAGTCAATTTGTTACTCTTCAGATACTGCAGCCTGACTCCTCGCAGGCCACTGTGCTTTtag
>contig056129-TiIARe.A014
ATTGTTGCTGTTTGTGTTGGATCTGTTCTGTGCTATCTTTCAAAGTCTGATTCTGATGGATAAAGCTGAAGCAACCCAGGCAGGTATAACTCTTGCAATGGAGAGTGTGTCTT
TGTCTAATTAATACATCGCAGGACTTGTGATGTTACTTTTCCCTTTATTGTTTCCCACTACTGTGAATGTAGTTTGTATCTGAGAGTGTGTTGGTGGCTGTGTCTCAGGCT
CGTGCTATGAGGTCTCAGCTTGCAGTCACTACCAGCGATCAGTTACAGTTACTGCAAAAGAAATCGGAGCTGAAAGCAGCCTGGACTCTTGGTATTGTTGTTGTTGTG
TTTTCTCATATGTATGTGTCATATTACTGTGTGGCTCTCACAGGCCAAGACAGACTTGCCTGCTTCTCATCACTGACATTGTTCTATGTTTGGTCTACTTTTAACTCATGT
TGAACCCCATTTATATGTCTTTTTCTACCCCTGGTTTCAGAAAATCTATAAAGTCAATTTGTTACTCTTCAGATACTGCAGCCTGACTCTTCTAAAGCCACCATGCGCtag
>contig072760-TiIARe.A016
GTGCTCATATCTGTAGATCGCTATATAGCCATCTGTGACCCCTGCTCTATTCTCTAAAGATCAGAGTGAACAGAGTGAAGCTTTTCACTGTGTCTGCTGGGTCTGCTC
TCTTCTCTACAATGGCTGCATTCTCATGGAGCACTTAGGGTGGCCGGAGAGGTTCAAGCTCCTGTGATGCGGGAGTGTGTTGTGTTCACTCAGCTGCACTTTCAGGAACAGT
AGATTTCTTTTTGTCAATTTGTGCGGCCCTGTGGCTTAATGTTTGTCTGTACATGAGGGTGTGTTGTGGTTGCTGTTTCTCAGGTGCGGTGATCTCGGTGCGAGGTGGCT
GTGAGAGCAGCTCCAGCTGTAAAAATCAGAGTTGAAGGCAGCCAGGACACTCGGGATTGTGATAGTTGTTTTCTAAATGTGCTTCTGCCCTTATTAATATCCTTCTT
TGCAGGTGTGGACACTTCTATGAGCTTGCCTTATTATGCTTTGTGTTTGGATGGTGTGCACAACTCTTGTGTAACCCCTGTGATTAAGCCCTGTGATTTATGTTCTGTGCTTGGT
TAGAAGAGCTATCAGATTATGCTGACCTCAGAAATCTGCAGCCTCACTGCAAGGAGTCAACATCCTGTAG
>contig056128-TiIARe.A015
ATGGAGGAAACTGAACCTCTGCTTTCAACAACCTCTTAAACACCTCCTGCTGAGGCCAGGCCGTCCATCTTTGAGATCATGCTGACTTATATTCTGCTGTCTCTTATTTCT
TCTGCTTACTGCAATTTCAACCTGTTGGTCACTATCTCTGTCTCACATTTTCAGGCAGCTCCACACCCCCACCAACCTCCTGCTCCTTTCTCTGGCTGTTGCTGATTCT
GTGTTGGGCTCCTCTGTTCTCTCCAATTTGTGCTCATAGATGGATGCTGGTTCTCTCGGTGACATCATGTGCACCTCTGTATCAATACCTAGCATATGTCACTACCTCGGCC
TCAATAGGAACCATGGTGATCATA
>contig056115-TiIARes.A017
ATGGAGGAAACTGAACCTCTGCTTTCAACAACCTCTTAAACACCTCCTGCTGAGGGCCAGGCCGTCCACACTTTGAGATCATGCTAACTTATATTCTGCTGTCTTTTATTTCT
TCTGCTTACTGTGATTCTTAAACCTGTTGGTCACTATCTCCGTCTCACATTTTCAGGCTCTCCCTATTTCAGGCAGCTCCACACCCCCACCAACCTCCTGCTCCTTTCTCTGCTG
CTGTGCTGATTCTGTGTGGGCTCCTCTGTTCTTCCAATTTGTGCTCATAGATGGATGCTGGTTCTCTCGGTGACATCATGTGCACCTCTGTATCAATACCTAGCATATGTCACTACCTCGGCC
GTCACTACCTCGGCCCTCAATAGGAACCATGGTGATCATA
>contig045078-TiIARf.A018
ATGGAGAACCTGTATGGACAACAATTTCTGCTTTCCACAGCTCCTCAACACCTCCTGTAGGAAGCTGCTGCAACATCACAATCAGACCATTTTTCTGTACATTCTGCTTTCT
CTGCATCTCTCTGCTCACAGTGAATCTCAACGCTCCTGGTCATGCTCTCTTCTCCCACTTCAGGAGCTCCACACCCCTACAAACCACTCCTCCTCCTCTCTCTGCT
GTCTCAGACTTCTGTTTGGCCCTTGTGGCCCTCCTGCTGATGCCGCTCGAATCTCCTTTTGGGGGCTGCTGGTTTTTGGGCACCTTTCAGCTGTGGAGATTCTTACTATGCCCTCTT
TTGTCCTCACATCTGCCTCAGTAGGAACATGGTGCTTATTCAATTGACCGGTATGTAGCTATTGTGACCCCTTGTCTACCCCAACAAAGTTACTGAAAGAAAGTCT
CAATCAGTATCTGCTGTGTTGGGCTGTTCACTGCTCTATAACGGCACAATAACTGAAACAATTTCTGAAGCAGCCAGACAGATATAATTTCTGTGACGGGGAATGCAT
AGTTGTAATTAAATTTCAATAGTGGTGCTTTGATGTGCTAGTTACCTTTAGCCGCCCACTGCTGTGATTATATTCTGTACATGAGAGTATTCTGGTGGCTGTGCTCAG
GCTCAGGCTATGAGATCTCATGTTGCTTTGTTACTCCAAGGGTTCAAGTTGTTGCCATTGAAGAGTCTGAGAGAAAGCAGCTCAACACTATTGGTGTGTTGTTGG
CTGTGTTTCTGATGTTGTTTCTGCTTATTTTCCCTCTCTCGCAGGCCAGGACACATCAACAGCTGGAATTTTCAAGTTTGTGGGCTTATGTTGTTGTTGTTGTT
CCTGTCTGAATCCACTTATTATGCTTTTTTCTATCCTGTTTGGAAAACTGTTAAACTGATAGTTACATTGCAGATTTTGCAGCCTGACTCTTGTGATGCCAACATACT
GTAG
>contig007531-TiIARp.A020
ATGGCAGAAACTGAACCTCTGCTTTCCAAATCTCAACTCCTCCTCGAGTAGATTAAAGCGCTCTCCCTCAGACTCAGTGCTTATTATGTAATCTAACCGCCATTCTCTT
CTTACTGTGGCTCTAAACCTGCTGGTCACTATCTCCATCTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACCCCTACAAACCACTCCTCCTCCTCGGAGCTCTGATTTCTTTG
TGGGTCTCAATATGTGCTTTCAAAGTATGCTCATAGATGGTGTGGTATCTTGGTGACCTGATGTGTGTTGATTATGTTTGCAGACATAGTTGTACTCTGCCTCAG
TAGGAACCATGGTGCTCATTTGACGTTGACCGTTATGTGGCCATTGTGATCTCTTCATTATCCCAACAAAGTCACTCCAAAAGAGTTTCAGACATGTGCTCTTAATGTGT
TGGATTTGCTCGCTCCTACTTGTGCGGTGTGCTATTGAAGGATAACCTGGATAAACAGGACAGGTTAATTTCTGCTTGGAGAGTGTGATTATGTTGACTTTGCAAT
ACAGGTTGCCGATCTATTTTGACATTCCTCCTTCCATTACTGTCAATTGTAATTTGTATCTCAGAGTATTGGCGTGGCCGTGTTTCAGATTGCGACCATGCAACCTCA
TGTTCAGAGCTGTGCACAAAGGGGGAAGTAAGTCCAAAAAATCTGAACCTGAAGCAGCTAGGACTCTTGGCGTTGTTATTCTGCAATTTCTGATATGCCATTTCCCAT
ATTACTGTGTAATCTTTTCAGGCCAGGACACACTGTTGATTTTATCAGTAACTTTTTTTTATGTTTGTGTTTATTTTAACTTCTGCTCAACCCCTATCATCTGTGCCTTTT
TCTACCCATGGTTTAGAAAATCTGTGTTAACTTATTGTATCATTTCAAATGATCAAGCTTGGCTCGAGTATGCCAGCATGCTGTGA
>contig037870-TiIARp.B065
ATGGAGTCATTAACTCGACTGTTAATACTATGAGCTTCCCTCTCTGCGATTACACAACAGAAACAAATTATGTGTGTTATTATATGTTGCTCCTATCTCATTAACTGCTTATTACA
ATATGTGGAATCTCTTGTGATAAATTTCTATCATTTACTTTTAGATATCTCCACACTCCTACTAACTACCTTTATCCTCTCTCTGGCTGTGGCTGATCTACTAATTTGGTCTTTA
ATATTTCTTTTGGAGCATGACATCTCTCTAAAGCCATGTATGTATACATACAGTTTACTGTGCAACTTAAGAGCAGATTGGATATGACAATAAGTATATCTCTTATTTGAAC
CTGTGCTGTAATTTCTGTTGATCGACATTATGCTGTTGCCACCTCTGATATATAAGAAATTTCTTTGCAACTTAAGAAACACTTTTGATATAACAATAAGTGATCTTCTCTATTAAAT
TGTGCTGTATTTCTGTTGATCGATATTATGCTGTTGCCACCTCTGATATATAAACTAAATAAAGTATGTTGTTGCTGTGGAAGTGGGCTTGGAGCTGGGCTGTTG
CTATCTTAAGTGAACATTTGCTCTTCTGATGTTTTTATTTCAGAGAGTGTGACACAGCTTTCACCTCTGTTGTGCATCTGTTGTGCATCAATGGTAGGATATTATCCCAAC
AATAGTTTACTGTCCATGTACAGCAAAATTTCTGTTGTGCACTGAAGCAGGCAGCAGCATCCATAATAAACTTCTCAGAAACAAAGCTTAAAGCAGTTTTCAGTAA

GGAGAGAAAGGCCACAAAGACAATGACCATAGTTATTGGAATATTTTTAATTTTTTGGGTTCCCTGTTTTTCTTAGTTATTCATTTTATCCTCTGGATAGTTTTATACATTTATGT
GCTTCTTTGAACACTTTTACAGTCTTTTCAACTTTCAACTCAATGCCCTTTATTTATGCTTTCTTTTACACTTGGTTTAGAAGAGCTTTTAAATGATCATTTCTGGAA
AAATATTTCAAGGTGATGTACTAACATAAACTACACTGA

>contig007518-TiITARs. A019

ATGAAAAACCAATTGACAGAGCGTGAACGTGTGCTTTTCCAACTCAACTCCTCCTGCGAGAAAGACCATGCATCCTCGTTGCGTTTCTGTCTCTTTTATGTCATACGTGCTCCTC
CATTTCTGTGCTCACTGTGGCTCTTAATCTACTGGTGATCATCTCTATTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACCCCGACCAACCTCCTCCTCTCTGTGGCTGTCTCTG
ATTGTTTTTGGGCCCTTCTCAGAGTCTTTCAAATACTGGTCATAGACGGCTGCTGGTATTCTGGTGAACAGTTGTGATTTTTGTATTATTTTCGATTGTGTTACTAAT
GCCTCAATAGGAACCATGGTGCTCATATCAGTTGACCCGCTATGTGGCTATTTGCGACCCCTTTATTACCCAAGCAAAGTCACTCTAAAAAGAGTAAGGACTTCTGTTTTCT
ATTATGTTGGATTTTTTCTCTCTCTGTGTCTTTGTGCTGTTGAAAGATAATCTGGGACAACCAAGGATTTATAATCTCTGCTCTGGTGAGTGTGTGGTTCTGTTTTATTAT
GTTACTGGAATTGTAGATATTTTATTGTCAATTATTGGTCTGTCAATTGTATCATAGCTCTGTATCTGAAAGATTTTATGGTGGTTGTACTCAGCGCTCGTTCCATGAGGTC
TCGTATTGAAGCTGTGCGTGTGCGAGGGTCTGTAAACAGTAACATTAAAGAAATCTGAAATCAAGAGCTGCCAGAGTTCTCGGAATTGTTGTAGTTGTATTTCTAGCATGTCT
TTTACCTTAITTTTTATTGATGGACTTACAGGTGACAAGACCCCTACTCAATGCTTCAACTGCCAGCTGTTTTATAACTCTCTCTCTATTTTAATTCCTGTGTAAACCCCTCGGTTT
ATGCCTTTTTCTATCCCTGGTTTCAGGAGAACATTATAAATCAATAGTAACACTTAAGATACTGAATTTCTCGCTCCTGTAAGGCCAATTTACTAATTTCAATGA

>contig022357-TiITARp. A021

ATGGAGACCCAGGAGGAAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAATTTCTTCAACACCTCGTGCAAGAAAGACTATAAATCCCTGTCTCAAGCTTTGTTCTCTTACATTGTGATGT
TGTTGGTCACTCTGCTCACTGTGGGTCTCAACCTGCTCGTCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGACAGCTCCACACACCCACAACATCCTCCTCTCTCTAGCTGT
GTCAGACTTTCTCATTGGTGGCGGTGTTGATACCTGCAAAAATCATACAAGATACAGCTTGTGTGTTTCTTGATCAGTTTACATGTTTACTCTATACTTATTGTCCCTCATT
GTTACCTCTGCTCAGTGGGCTATTGGTGCTGATATCAGTCGACCCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCGACCCAGAATCACTCAGAGAAGAAATGAAAC
TCTGTGCTGTGTGTGGTCTCTCTGTTATCTATGACATTTCTGCTCATAAAGGATGAGCTGTTTCAACCCAGGCAGATACAATTCCTGCGGAGAATGATTTTTGTGCA
TTGATTACATTCAGGAGCCCACTGACATTATATTTATTTTTCAGCAGTAATATTGCTGTTGTTGTTGACCTTGTGTTTATTTTTTATTCTTCCAGTTACTGTGCATCATAGTCTGT
ATATGAGAGTATTGTGCTGCGCTGTGCTCAGGCCGCTGCCATGCGCTCTCATGTACAGCTGTCAACACTTCAGAGTTCACTGAATCAGACAACCAAACTGTGAACCTGAA
AGCAGCCAGGACTCTTGGAGTTCTTGTCAATTGTATTTTTCTCATGCTACTGTCCATTTTATGGCTACACTCTTTTAAAGAAAACCATGTGAATGATCCATGTGTATCTATT
GTGGTCAATTATTTTACTTTAACTCATGTCTAAACCCCTTGTATATATGCTTTGTTTATGCTTGGCTTAGAAACACTGTCAAACTTCTCATCATTGCAGATCTTCAAGTA
TGACACAGGTGAGGTCAACATATTA

>contig007525-TiITARp. A022

ATGGAAAGAACTGAACCTCTGCTTTCCACAACCTCCTCAACTCATCCTGTGTGCGGCAAAAGCGCCCAAAATGAGGCTGTGTGATTACACCTGCTATCATCTATCTC
TCTGCTTACTGCACTACTGAACCTACTTGTGCATCATCTCCATCGCCCACTTCAAGCAGCTGCACAGCCCAACCAACCTCCTCCTCTCTCTGCGCGCTCTCAGATTTCT
TTTGTGGGCCCTCATCATGCGTTCGATGAGTATGCTCCTAGATGGCTGCTGGTTTCTTGGTGAACCATGTGTGCTCTGTATAGCACTTTAGATCATTTGCTACTTCTGCT
TTCACTAGGAACCTATGGTACTCATATCAGCTGACCGCTATGTAGCCATTGTGACCCCTCTGCATTATCCCAACAAATTACTATAAAAGAGTCTCAGTCTGTATTGTACT
TGCTGGGCTTGTCAATTTCTGTATAACAGTCTTATCATGAAGGATAATTTCAAGCAGCCAGGAGGATATAATTCTTGTCTGGTGATTGTGTATACATTGACTCATTTGTGG
GAATTGTGAACTTTGTTTGACCTTTGTGCGCCCTGTGACTGTGCATCATAGTTTGTATCTTAAGAATATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTTTGGGCAATGCACTCTCAT
TCACTGCTCTCAGACTCCAGCGGTGACAGACGGTGCATGCTAAAGAAATCTGAGCTGAAGAGCTGCCAGGACTCTCGGTTGATCTCTTATGCTTTTAAACATGTCTTTT
CCCATTTTACTGTTCTCCTAAGTGTAGGCCAGAAATGTTCTTTAATATTAGATCTGTACCTTTTGTAGCGCATGCTGTTCTATTTTAACTCTTGTCTGAACCCGTTAATCTACA
CTTTTGTCTACCCCTGGTTTCTGAAATCTATTAAGCTCATTGTGACATTTAAGATAATTAGGCATTGCTCCAGTAAGGCCAGTATACTATAG

>contig022380-TiITARp. A023

ATGGACACACAGGACGTAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTAAACACCTCCTGCAAGAAAGCCTGCGATTACATTGTGCTGTGCTCAATCTCTTTCTTAACTGTGG
CTCTAAACCTTACTAGTCATCATTTTCACTCTCCCACTACAGGCAGATTTTTCTGTCTCTTTCAGGCAGCTCCACACCTCCCACTAATATCCTCCTCTCTCTGTGGCTGTCT
CAGACTTTCTTGGTGTCTTGGTGATACCAAGGAGAAATCCTCAGAAACACAGCTCGGACTGGAGTGTGGTCAAGCTCACATGTTTACTGTATATTTTGTGCCCTGATT
CTTACCTCTGCTCAGTGGGAATTATGGTGCTGATATCAGTTGAGCGCTATGTAGCTATTGTGACCTTTCTGCATTATCCCACTAGAATCACTCAGACAAGAGTGAACCT
TGCTGTTTGTACACTTCAGCAATCAGTACTCTAACAGCAAGAAATCAGAGATGAAGAGCCAGCAGAACTCTGGGTGTTCTCATAGTTGTGTTTCTATTATGTTCTGTCT
CATATTATTGTGTCTCTCTCATAGGGGACGACTTTCTCAGTGCGTCTCATCAGCAGCTATTGTGATATATGTGTTCTACTTTAACTCATGCATAAATCTGTGAATCTATGCTATG
TTCTACTCCTGGTTTAGAAAAGCAGTGAACACATTGTGACTCTACAGATACTGCGGTCTGGCTCCAGTGAGGTCAACATACTGTAG

>contig007512-TiITARs. A024

ATGATGGAGGAAACTGAACCTCTGCTTTCCAAAACCTCTTAAATATCTCCTGCGAGGAGCCAAAGCGTCCCTCACTTTGAGATCATGCTGACTTACATTCTGCTCTCTCTCAT
TCTTTGCTTACTGTGATTCTTAAACCTGCTGGTCAATTATCTCCATCTCACACTTCAGGCAGCTCCACACCCCAACCACTTCTCCTCTCTGTGGCTGTGCGTGATT
TCTTTGTAGGCTCCTCTATGTTCTTTCAAATAGTGCTCATCGATGGATGCTGGTTTCTCCTGGTGACATCATGTGCACCTCTGTATCAGTATCTAGCAATCATTTATTACTTCCAGC
CTCAATAGGAACCATGGTGATCATCTGCTGATAGGTATTGCGTATTGTATACCTCTGATCACTTCCACCAAAATGACACACAAGAGTTAAATCTGTATATGTTTAT
GTTGGGTTTTTCTGTGATCTTTCAGAGTTTGATTGTGAAGGATAACTTGAACAACACAGGAAGGATAAATCCTGCAATGGAGAGTGTGTCTTTGTTGTTAACTACATTG
CTGGGCTTTTTGATCTTTTTGTTTCCCTTCAATTGTTCCCATCTAGTGATTATAGTTCTGTATCTGAGAGTGTTTGGCGTGGCTGTGTCTCAGGCTCATGCCATGAGGTGTC
AACATCGACGTCACTCACCAGCGAGCAGTTACAGTAACGTGTACGAATCGGAGATGAAGAGCCCGTACTCTTGGTGTGTTGTAGTTGTTGTTCTTATATGTATGTTGTC
CCATATTACTGCGTGTCTCTCAGACGCCAAGATAAATCTCTAAATGCTTCAATCTGCTGCTGCTTTGTAATATGTTTGGTGATTTTTAACTCTTGCGTAAACCCCTATCATTTATGT
CTTTTTTATCCCTGGTTTCAGAAAGTCAATCAAACTTATTGCTACTCTTCAACTCTGACGCTCAGCTCCATGAGACTCCCATGAGACTAAACATGcattaa

>contig007520-TiITARs. A025

ATGGAAATGTTTGAAGAACTGAACCTCTGCTTTCCACAGCTTCTTAACTTCTCCTGCGAGGAAGCCCATGCAACCTCACTCAGTATCTATACTCATTTATATTGCATTGTCC
TCCATCTCTTTACTGACTGTGACTCTTAATCTGCTGGTCAATCATCTCCATCTCACATTTCAAGAAGCTGCACACCCCAACCAATCTCCTCCTCTCTCTGTGGCTGTCTC
TGATTGCTGTGGTGGTCTCCTGATGTATTTCAAATATGATTATAGATGGTGTGCTGGTTCCTTGGTGAATTCATGTGTGTAGTATGATTTTCTCTTGGACTACATTTTAACT
CTGCTCAGTAGGAACCATGGTCTCATATCAATGATCGTTATGTGGCCATTGTTGACCTTCCATTACTCTACCAAAAGCAGCCCAACCAAGAGTGAAGCAATGATGTTT
ATCTGTGTTGGATTGTTGTTCTCAGTCTTCCAGTGTCTTGTGCTAAAGACAACCTGGTGCAACCTGGCAGGTATAATTCTGCTATGGGGAGTGTGTGGTGTGTTGGTGG
CCATGCTTTTTGGAGTTGCGAGTTGCGATGTTGTCCTTCAATTGGCTGTGATGTTGATGTTCTTTATCTAAACGTATTGTTGGCTATGCTCAGGCTCATGCCATGAGGTGTC
GCGGTGCATATTGACGCTCTGACACACGAGGGGTCAAGTAACTACAATGTGAAGAAATCTGAAATGAAAGCAGTGAGGACCATCAGTGTGTTATCATTTGTGTTCTTAA
TATGCTCTGCCCATATTTTGTGTCACACTCTCAGGTCAAGATGCCATGTGACTCTTCACTCTGTTGCTATTGTGATGTTTGTCTATTAACTCCTGTCTAAACCC
TCTAATTTATGCTTTATTTACCCCTGGTTCAGAAAATCTGTTAAACAATTTGTACAGTCTTAAATATTGAAGTCTGGCTCCTGTGACACCAATATCATGtaa

>contig007524-TiITARs. A026

ATGAAAACCTTTGAAGAACTGAACCTCTGCTTTCCACAACCTCCTCAACTCCTCCTGCGAGGAAGACCATGCGTCTTATACATTATCTATACTTATTATATTACCCCTGTCT
CCATTTCTGTTGATCACTGTGACTGTTAATCTGCTGGTCAATCATCTCCATCTCACATTTCCGAGAAGCTGCACACCCCAACCAATCTCCTCCTCTCTCTGTGGCTGTCTCT
GATTCCTGCTGGTGGTCTCCTGATGTTTCAAATATGATTATAGATGGTGTGCTGGTTTCTTGGTGAATTCATGTGTAGTATGATTTTCTCTGAGCTACATTTTAACT
TGCATCAATAGGAACCATGGTCTCATATCAATGACCGTTATGTGGCTATTGTTACCCCTCTCCATTACTTACCAAAAGTCAACCCCAAAAGAACAAAGCATGTGTTTAT
CTGTGTTGGATTGTTCTTCACTGCTCCAGTGCTCTTGTGCTAAAGACAACCTGGTGCAACCTGGCAGGTATAATTCTGCTATGGGGAGTGTGTGGTGTGTTTGGCC
ATGCTTTTTGGAGTTGCGAGTCTATTGTTGTCCTTCAATTGGTCTGTCTGTTGATGTTAGTTGATGTTCTTTATCTAAACGTATTGTTGGCTATGACTCAAGCTGCGCCCTGC
GGTCACATATTGCGACTCTGACACACGAGGGGTCAAGTACAATGTGAAGAAATCTGAAATGAAGCAGTGAGGACCATCAGTGTGTTATCATTTGTGTTCTTAATA
TGCTCTGCCCCATTTTTTGTGCACACTCTCAGGTCAAGATGCCATGCTCAGTGTCTGATGTTGCAATTTGTAATGTTTGTCTATTAACTCCTGTCTAAACCC
CTAATTATGCTTTATTTTACCCCTGGTTTCAGAAAATCTGTTAAACAATTTTACACTTAAATATTGAAGTCTGGCTCCTGTGACACCAATATCATGtaa

>contig022324-TiITARs. A027

ATGGAAATCCAGATGCATCTAGAGGCAGAGTCTGTTTTCCAGAGCTACTGAACAGTTTCTGCGAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAACGGTGTCTGCTGAACGTT
GGGCTTTCGTTTCACTCTGTGATCACTGCTGCTCTTAACTGCTCATCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACTCCCAGTAACATCCTCCTACTCTCTCT
GGCTGCTCTGACTTTTTTGTGGGTTTTCTGTTGATGCCGGTAGAAAATCTTCCGAGCAGCGCCCTGCTGGGTATTTGGTGATCTCATGTGCTCACTTTATATTATCTGA
GCGGCATTCTTATGAACGCTCTTTTGAATATTGTTTTATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATCTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACCAAGTCACTGTGGCAAGAG
TCAAACCTTAGTGTTTGTCTGTGTTGGTTTTATGCTATTTTCTACATGATGTTTACACAGTAAGTGTCTTGATAAAGCCAGGCAGGTATGCTTCTGCTGATGAGAGTGTG
TGTTTTGTATTGAAGATATAAAGTGGCACTGTTGACCTGTTTATGTTTTTGTGTTCCAGTATTATCATCATTTGTTCTGTATACAAGAGTATTGTGGTGGCTGTGTCTCAG
GCTCGTGCCATGCGCTCATGTATTACAGCTGTACACTTGAGCGTTGAGCTGAATCAGTCAACAAACAAATCTGAGTTGAAAGCAGCCAGGAACCTTGGAGTCTTGTGAATT
GTGTTTCTAGCAAGTATTGCCCCTTTACTTCTACTCTCTGTTGTGGCAGTGTGCTCAAGCTCATCTGCAACTTTTTTGATCATGTTTATTTTAACTCTTTTAA
CCCATTGATCTATACCCCTGTTTTTACCCCTGGTTTAGAAATGCTGTTAAACTCATCATCACTCTGCGAGATATTCAAGCATAACAGTAGTGAAGCCAACATACTAtag

>contig022330-TiITARs. A028

ATGGAGATACAGAAAGAGCTGAGCTGTGTTTTCCACAACCTCCTCAACATTTCTGCGAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAAGCTGTGCTCCTGAAACATTGTGCTG
TCCTGCACTCTCTGCTGACTGCTCACTCTAAACCTTCTCGTGATTATCTCAGTCTCCTACTTCAGGAAGCTTCACACACCCGACCAACATCCTCCTACTCTCTCTGCTGT
CTCAGACTTTCTCATGGGTCTCTTGCTGATACCAAGCAGAAATCCTTAGAAGCATGACCTGCTGGGTACTTGGTGATCTCATGTGTTCTGTTTATTTTTTCTGACTGTAA
CATTACCTGTGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTTATATCGATTGACCGTCACTGGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACTCCACAGAAATTAAGTCTGCTAGAGTCAAACT
CAGTGTGTTGTCTGTGTTGGTTTTATCAACTTCTACAGCAGTCTTAAACACAGAAATGTGATTGTACCAAGGCAGGTATAAATCCTGTATGGAGAATGTGTGCTGTG
CATCAGTGATTTTGTGGAACCTTGTGACCTCAITTTATTTTTTATCTTCCAGTTACTGTGCATCATAGTTCTGTATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGTGCTCAGGCTCGT
GCCATGCGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTTATATGCTGATGACCGTCAATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACCAAGTACTGTGCCAAAAATCAAACT
CTGGCATGCTACTGTCCATTTTATGCTACTCTCTCGCTGATGAAATGCTGTCAATGATCCAGCAGCGCTTTTTGTGGTCTTTGTCTTTACTTTAACTCTTGTATAAACCC
CTTTGATGTATGCCCTGTTTTACCCCTGGTTAGAAATGCTGTTAAACTTATATCAGTTGCAGATATTCAAGCATAACACCTGTGAGGCCAACATACTAtaa

>contig022334-TiITARs. A029

ATGGAGATACAGAAAGAGCTGAGCTGTGTTTTCCACAACCTCCTCAACATTTCTGCGAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAAGCTGTGCTCCTGTAACATTGTGCTG
TCCTGCACTCTCTGCTGACTGCTCACTCTAAACCTTCTCGTGATTATCTCAGTCTCCTACTTCAGGAAGCTTCACACACCCGACCAACATCCTCCTACTCTCTCTGCTGT
CTCAGACTTTCTCATGGGTCTCTTGCTGATACCAAGCAGAAATCCTTAGAAGCATGACCTGCTGGGTACTTGGTGATCTCATGTGTTCTGTTTATTTTTTCTGACTGTAA
CATTACCTGTGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTTATATCGATTGACCGTCACTGGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACTCCACAGAAATTAAGTCTGCTAGAGTCAAACT
CAGTGTGTTGTCTGTGTTGGTTTTATCAACTTCTACAGCAGTCTTAAACACAGAAATGTGATTGTACCAAGGCAGGTATAAATCCTGTATGGAGAATGTGTGCTGTG
CATCAGTGATTTTGTGGAACCTTGTGACCTCAITTTATTTTTTATCTTCCAGTTACTGTGCATCATAGTTCTGTATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGTGCTCAGGCTCGT
GCCATGCGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTTATATGCTGATGACCGTCAATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACCAAGTACTGTGCCAAAAATCAAACT
CAGTGTGTTGTCTGTGTTGGTTTTATCAACTTCTACAGCAGTCTTAAACACAAAAAATCCTGATTGAACAGGCAGGTATAAATCTGCTGATGGAAGATGTGTGCTGTG
CAGCAGTAATATTGCTGGAACCTTGTACCTCAITTTATTTTTTATCTTCCAGTTACTGTGCATCATAGTCTGTATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGT
GCCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTCAACCTTACGCGTTACCCCAATCAAAACAAACAAATCTGAGCTGAAGAGCAGCCAGGACTCTTGGGGTCTGGTATGTTGTTT

TTGCATGCTTCTGTCCACTCTACTACTTTTTCTCTTGTGATGAAATGCAATCAATGATCCATCTGCATCTTTTGTGGTCATTATATTTTACTTTAACTCTTGATATAAACCCCTT
TGATCTATGCCTTGTTTTACCCTCGGTTTGAAGATGCTGTTAAGCTTATCATCATCTGCAGATTTTCAAGTATAACATAAGTGAGGCCAACATACTAtaa
>contig022356-TiITARs.A040
ATGGAGATACAGAAAGGAGCTGAGCTTTGTTTTCCACAATTTCTCAACAATTCCTGCAGGAAGCCGACACTACGTTCTGCGAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTGTTCT
CCTGTATCTCTGCTGCTACTGCTGCTCTAAACCTTCTGTCATCATCTCAGTCTCTTACTTCAGGAAACCTTCACACACCAAGTAACATCCTCCTCCTCTCTCTGGCTGTC
TCAGACTTTCTTGTGGGCTCTCTGTTGATGCCCTTAGAAATATTAGAAAGCAGCAGCTGCTGGGTACTTTGGTGACGTTATGTGTTCTGTTTATTGGTATCTGACCGGGCAA
ATTACCTGTGCTTCAATAGGGAACGTGGTCTAATATCAGTTGATTCGTTTATGGCTATTTGACCCCTTGTATTACCCGACCAAGTAATCTGTGGAAAGAACCAAAT
AAGTGTGTGCTTATGTTGGTTTTATGCTATTTTCTACTGGAGTCTTTATATAAAGAAATATCCTGATTGAACCGGGCAGGTATAATCCTGTACCGAGAGTGTATGTTTGA
AGCAGTGATATTGCAGGATATTGACCTGTGTTTATCTTTTATTGTTCCAGTTTCCGCTCATCATAGTTCTTTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGTG
CCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTCCACATTCAGCATTCAAAACATCAAGCAAAACAAATCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGACTCTGGGGTCTGTAGCTGTGTTTCT
GTCATGTTACTCTCCATTTTACTGCTACTATCTTGCTGAAGAAAATGTGGTCAATGATCCATCTGCATCTACTGTTATCATTTATTTTACTTTAACTCTTGATATAAACCCCTT
GATATATGCGTTGTTTTACCCTCGGTTTGAAGAAATGCTGTAAACTTATTATCATCTCGAGATCTTTCAAGCATAACACCTGTGAGGCCAACATACTAtaa
>contig022357-TiITARs.A041
ATGGTGATACAGAAAGGAGCTGAGCTGTGTTTTCCACAACCTCCTCAACAGTTCATGCAGGAAGCCAAACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGTTTCTGAACATTATGCTGC
CCTGCCCTCTCTGACGACTGCTGCTCTAAACCTTTTGGTCATCATCTCAGTCTCCCACCTTCAGGCAACTTCACACACCCACTAACATCCTCCTCTCTGCTGCTGCTGTC
TCAGACTTTCTCAGCCGTTTCTCGATTGTTGCCATTAGAAATAATTAGAAACACTGGCCTGTGGGTACTTTGGTGATCTCATGTGTTCTGTTTATTGATGATCAACAGCTC
TTTTCTGTGCTTCAACTGGGATCATAGTTCTAATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAATGACTGTGGTGAGATCCAAAGCTT
AGTGTGTGCTTATGCTGTTTATTGCACTTCTACAGCAGCCTTCAAAACAAAGGATGTTCTAATTATCCAGGCAGGTATAATCCTGCGCAGGAGAGTGTGTGTTTCT
CATCAGTAATATTGCGAGGACCAATTGACCTTGTGTTATCTTTTATTCTTCTGATGATTCTGTGATGTTATATGTTCTTTTATTCTGATGCTGACCTGGCAAC
ATTACCTGTGCTTCAACAGGAATCATAGTTCTAATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAATGACTGTGGCAGGAGTGAACAT
CAGTGTGTTGCTGTGTTGGTTTTATGCTATTTTCTATGTCACCTTTTCAATAAAGACTTCTGTAAGCCAGGCAGGTATAACTCCTGCTATGGAGAGTGTATCCTGTGCTAT
CAATGATATGCGAGAACTGCTGACCTTGTGTTTATCTTTTTTGTGCCATCAGTGTCTATTATAGTTCTGTATATGAGAATATTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGTGCA
ATGCGCTCTCATGTTACAGCAGTTGCAAAATCCAAATCTGAGTTGAAGAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTAGTAGTTGTGTTTCTGCAAGCTACTGTCCATTTTACTG
TTACACCCCTCGTTGAAGAAATGCTGATCAGTGATTCTATCTGCAATTTTTTGTGGTCAATGCTTTTATTTGAACCTCTTTTCAACCCCAATGATCTATGCCTTGTTTATCCAT
GGTTTAAAAAATCTGTAAACCTTATCATCATCTCTGCAGATCTTTAAGCGTCACAGCAGTGATTCTAACATATTAtaa
>contig022362-TiITARs.A042
ATGGAGATACAGAAAGGAGCCGAGCTTTGTTTTCAACAACCTACTCAACAATTCCTGCAGGAAGCTGACACTTAACTGGTCCAAACCTGTGCTTCTGTACATTGTGCTGT
TTTTGCATCTCTCTGATCACTGTTGCTCTGAACCTCCTGGTGCATCATCTCGGTCTCCCACCTTCAGGCAAGCTTCACACACCCACTAACATCCTCCTCTCTCTGGCTGT
CTCAGACTTTCTGTTGGTCTCCTGTTGATACCTTTAGAAATCCTTAGAAGCACAACCTGCTGGGTATTTGGTGATGTTATGTGTTCTGTTTATTGGTATCTGACTGGCAAC
ATTACTGTGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTAATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACCCCACTAGAATGACTGTGGTGAGAATCAAAAC
CTGATTTGTTGTGTTGCTGTTTATGCTATTTTCTATGACACTTTATACCTTAAAGACTTACTGATTAACACGAGCAGGTATAATCCTGCTATGGAGAGTGTGACTTGTGCAT
CAATGATATGCGAGAACTGCTGACCTTGTGTTGGTGGTTCCTTTGGTCTTACCACCGTACATCGCCATGGtaa
>contig022363-TiITARs.A043
ATGGAGATACAGAAAGGAGCCGAACCTTGTGTTTTCAACAACCTACTCAACAATTCCTGCAGGAAGCCAAACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTCTTATACATTGTGCTGTT
CTGCTACTCTCTGATCACTGTTGCTGTAACCTCTGGTGCATCATCTCAGTCTCCCACCTTCAGGCAAGCTTCACACACCCACTAACATCCTCCTCTCTCTGCTGGCTGT
TCAGACTTTCTGTTGGCCTCCTGTTGATACCTTTAGAAATCCTTAGAAGCACAACCTGCTGGGTATTTGGTGATGTTATGTGTTCTGTTTATTGGTATCTGACTGGCAAC
ATTACTGTGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTAATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACCCCACTAGAATGACTGTGGTGAGAATCAAAAC
CTGATTTGTTGTGTTGCTGTTTATGCTATTTTCTATGACACTTTATACCTTAAAGACTTACTGATTAACACGAGCAGGTATAATCCTGCTATGGAGAGTGTGACTTGTGCAT
CAATGATATTGCGAGAACTGCTGACCTTGTGTTGGTGGTTCCTTTGGTCTTACCACCGTACATCGCCATGGtaa
>contig022363-TiITARs.A044
ATGGAGATACAGAAAGGAGCAGCAGCTTTGTTTTGTAGAGCTCAACAGTTCCTGCAGGAAGCCAAACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTGCTGTCC
TGATCTCTTTGATCACTGTGCTGTAACCTCTCGTGCATCATCTCAGTCTCCTCACTTCAGGCAAGCTTCACACACCCACTAACATCCTCCTCTCTCTGGCTGTCTC
AGACTTTCTTGTGTTGTTTCTGTTGATGCCATTAGAAATCCTTAGAAGCACAACCTGCTGGGTATTTGGTGATGTTATGTGTTCTGTTTATTGGTATCTGACTGGCAACAT
TACCTGTGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTAATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACCCCACTAGAATGACTGTGGTGAGAATCAAAAC
GGATTTGTTGTGTTGGTTTTATGCTATTTTCTATGACACTTTATACCTTAAAGACTTACTGATTAACACGAGCAGGTATAATCCTGCTATGGAGAGTGTGCTGTTGCTAT
CAATGATATTGCGAGAACTGCTGACCTTGTGTTATCGTTTTGTGTTCCAAATTTCTGTTATCATAGTTCTGTATATGAGAGTATTTTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGTGCC
ATGCGCTCTCATGTAACAACTGTCCACAGTGCAGCGTTCATTGAATCAACAAACAACTGAGTGAAGCAGCCAGGACTCTGGGATCTTGTAGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTG
TTGTTTCTGCCCGTATTACTGTGCTCTCTTGAAGGACAGAAATAGCTCAGTAGCCCTAATTAATGAGTGTGTTTTTTAACTCATGTCTAAACCCGTTGATCTAT
ACTATGTTCTATCCTTGGTTAGAAAAGCTGTAAAACCTAATTGTCACCTCTACAGATCTTACAGACTGGCTCCTGTGAGGTGAGTATACTGtag
>contig022365-TiITARs.A045
ATGGAGAAAGGAGCTGAGCTGTGTTTTCCACAACCTCAACAGTTCCTGCAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTGCTGACCAATTGTGCTGTTTGCAT
CTCTCTGATCACTGTTACTCTGAACATCTAGTCATCATCTCAGTCTCCCACCTTCAGGCAAGCTTCACACACCCAGTAACATCCTCCTCCTCTCTCTGCTGCTCAGACT
TACTTGTGGCCTCCTGTTGATGCCCTTTAGAAATCCTTAGAAGCACAAGCTGCTGGGTATTTGGAGATCTCATATGTTCCGGTCTATTGGTATCTGAGTGCCCAACATTA
CCACTTCAACAGGGAACATAGTTCTTATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTCTCATTATCCCACTAGAATGACTGTGGTGAGAGTCAAACTTAGTGT
TGCTGTGTTGGTTTTATATATTTTTTACATCAGTTTTTACCTTAAAGACATCCTGATTGAACCAAGGCAGGTATAATCCTGCAAAAGGAGAGTGTGACTTGTGCATCAATG
ATATTGCAAGGATATTGACCTGTGCATAGCTTTTATTGTTCCAGTTTCTGTAATCATAGTTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGTGCCATGGC
CTCTTGTCTCAGAGCACTGAACACTTCAGCAATCACTGAATCAAGCAAAACAACTGAGTGAAGCAGCCAGGACTCTTGGGATCTTGTAGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTGTTG
TTCTGTCCATTTTACTGTACTTTTTTGTGGAGAAATGTGGTCAGTGATTCTATGCTGCAATTTTTGTGATCATGCTGCTTTTATTTAACTCTTTCTTCAACCCCAATGATCTAT
GCCCTGTTTTTACTGTTGTTAGAAATGCTGTTAAGCTTATCATCATCTCTGCAGATCTTTAAGCGTCACAGCAGTGATTCTAACATATTAtaa
>contig022368-TiITARs.A046
ATGGAGATACAGAAAGGAGCCGAGCTTTGTTTTCAACAACCTACTCAACAATTCCTGCAGGAAGCTGACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTTCTGTACATTGTGCTGT
TCTCCACTCTCTGATCACTGTTGCTCTGAACCTCCTGGTGCATCATCTCAGTCTCCCACCTTCAGGCAAGCTTCACACACCCACTAACATCCTCCTCTCTCTGCTGGCTGT
CTCAGACTTTCTTGTGGGCTCCTGTTGATACCTTTAGAAATCCTTAGAAGCACAACCTGCTGGGTATTTGGTGATGTTATATGTTCTGTTTATTGGTATCTGACTAGCAAC
ATTACCTGTGCTTCAACAGGAATCATAGTTCTAATATCAGTTGACCGCTATGTAGCTATTTGTGACCCCTCTGCATTACCCCACTAGAATGACTGTGGTGAGAGTGTGCTGCTG
TCAGTGTGTTGCTGTGTTGGTTTTATGCTATTTTCTACGTCACCTTTTACCTTAAAGACTTCTGATTAACCAAGGCAGGTATAATCCTGCTATGGAGAGTGTGCTGCTGCT
CATCAATGATCTGCAAGAACTGCTGACCTTGTGTTTATCCTTTTTTGTGCCATCAGTTGTTATACAGATTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCG
TGCCATGCGCTCATATGTTACAGCTGTCCACATTCAGCGTTCACCTGAATCAACAAACAAATCTGAGTTGAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTAGTTGTTGTTGTT
CTTGCAAGCTACTGTCCGTTTTTACTGTTTATACCCCTGTGTTGAAGAAAATGTGGTCAGTGATTCTATGCTGCAATTTTTGTGGTCAATGGCTTTTATTTAACTCTTTCTTCAACCC
CAATGATCTATGCCTTCTTTTATCCTGTTTGAAGAAATGCTGTTAAGCTTATCATCATCTCTGCAGATCTTTAAGCGTCACAGCAGTGATTCTAACATATTAtaa
>contig022368-TiITARs.A047
ATGGAGAAAGGAGCTGAGCTGTGTTTTCCACAACGCCCCAACAGTTCCTGCGGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTTCTGTACAGTGTGCTGTTCTG
CATCTCTCTGATCACTGTTGCTCTGAACCTCTTGGTGCATCATCTCAGTCTCCCACCTTCAGGCAAGCTTCACACACCCAGTAACATCCTCCTCCTCTCTGCTGCTGCTCA
GACTTACTTGTGGTCTCTGTTGATGCCATTAGAAATCCTTAGAAGCACAACCTGCTGGGTATTTGGTGATGTTATATGTTCTGTTTATTGGTGTCTGAGTGCCAACTATTA
TCTGTGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTAATATCAGCTGACCGCTATGTAGCTATTTGTGACCCCTCTCATTATCCCACTAGAATGACTGTGGTGAGAGTCAAACTTAATG
TCAGTCTGTGTTGGTTTTATATGTTTATCATCAGTCTTACCTTAAAGACATCCTAATTAAACCAAGGCAGGTATAATCCTGCTATGGAGAGTGTGTGCTGCTGATCAA
TGATATTGCAAGGATATTGACCTGTCTTAACTTTTATTGTCCCAGTTTCTGTGCATCATAGTTCTATATATGAGAGTATTTGTGGCAGCTGTGCTCAGGCTCGTGCCATG
CGCTCTCATGTTACAGCAATAACATTTACGCGTTCATTGAATCAAGCAAAACAACTGAGTTGAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTGTAATTGTGTTCTAGCATG
CTACTGTCCCTTTTTCTGTATATACCTTGTGGAAGAAAAGTAGTCAGTGATTCTAATTTGTTGTTTTCTGATCATTGCCGTTTTATTTAACTCTTTTCAACCCCACTAATCTA
TGCCCTCTTTTATCCTGGTTAGAAATGCTGTTAAGCTTATCATCATCTCTGCAGATCTTTAAGCGTCACAGCAGTGATGCTAACATACTAtaa
>contig022375-TiITARs.A048
ATGGAAATGCAGAAAGGAGCCGAGCTTTGTTTTCCAGATTTCCTCAACACTTCTGCAGGAAGCCAAACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTGTTGAACATTGTGCTG
TCCTGCATCTCTTGTATCACTTGTGCTCTAAACCTCTTGTGCATCATCTCAGTCTCCCACCTTCAGGCAAGCTTCACACACCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTGCTGGCTGT
CTCAGACTTTCTTGTGGGCTCTCTGTTGATGCCATTAGAAATCCTTAGAAGCAGCAGCTGCTGGGTACTTTGGTGATCTTATGTTCTGTTTATTGGTGTCTGACCGGGCAA
ACATTATCTGTGCTTCAATAGGGAACATAGTTCTAATATCAATTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTTGCATTACCCCACTAGAATGACTGTGGCAAGAGTCAGAG
TCTGTGTTGTGCTGTGTGGTTTTTGTGCTATTTTCTACAGCAGTCTCTATACAGACTTCTAATGACCCAGGAAAGTATCATTCTGTATGGAGAGTGTGTTGTTG
TCATCAGTGCCATTGCAGGCAATTTTGACCTTGTGTATCTTTTTTGTGTTTCAGTTACTGTATCATAGTTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCG
TGCCATGCGCTCTCATGTAACAACTGTCCACATTCAGCGTTCACCTGAATCAACAAACAACTGAGTGAAGCAGCCAGGACTCTGGAATTTCTGTAGTTGTTGTTGTT
CTACTTGTGTTTCTGCCCGTATGCTGTCTCTTGTGAAGAGATGAAATAGCTCAATTGCCCTCCACAGTATAAGGTGTGTTTTTTTAACTCCTGTTTAAACCCCTTTGA
TCTATGCTATGTTCTACCCCTTGGTTAGAAAAGCTGTGAAACCTAAGCTGTCACTCTACAGATCTCCTCGGACTGGCTCCTGTGAGGTCAACATACTGtag
>contig022377-TiITARsp.A049
ATGGAGATACAGAAAGGAGCCGAGCTATGTTTTCCACAACATCTCAACAATTCCTGCATCAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTGCTGT
CATGCTACTCTCTGATGCTGTTGCTCTGAACCTCTTGGTGCATCATCTCAGTCTCCCACCTTCAGGCAAGCTTCACACACCCAGTAACATCCTCCTCCTCTCTGCTGGCTGT
CTTGTGGGCTCCTGTTGATGCCATTAGAAATGCTAGAAACACGGCATGTTGGGTACTTTGGTGATCTTATGTGTTCTGTTTATATCCATTTAACTGGCATTCTAATCTGT
GCTTCAGTAGGGAATATAGTTCTAATATCAATTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCCCTTACATTATCCCACAAAAATACATTGGAAGAGTAAACTGAGTGTGTTGCT
TCTGTTGGCTTTTTTCAATTTTTCTACAGCAGTCTTATGCAAGAGGATGTCCTGATTAACAGGAAAGTATCATTCTGTTATGGAGAGTGTGATTCCCTTATTAATAAATT
GCAGGTATGATTGACCTGTTTTGACTTTTTGGTCCAGTTTCTGTCATCATAGTTCTATAAATGAGAGTATTTGGGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGTGCCATGCGCTC
TAATGTTACAGGCTGTCCACATTTGAGCGTTCAGTGAATCAACAAACAACTGATGTAGCTGAAGCGGCCAGGACTCTGGGGTCTTGTGTAGTAGTGTCTGCGCAAGCTA
CTGTCCATTTTATGCTACACTCTGTTGAAGAAAATGTGGTCAATGATCCATCTGCATCTACTGTGATCATTGTCTTTTACTTTAACTCTTGTCTAAACCCCTTGAGCCAT
GCCCTGTTTTTACCCTGTTTGAAGAAATGCTGTTAACTCATCATCACTTTTCAGATATTCAAGCATGACAGTAGTGAGGCCAATATACTGTAA
>contig022377-TiITARs.A050

ATGGAGAAAAGGAGCTGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCCTCAACAGTTCTCTGCAGGAAGGCCAACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTGCTGTCTGC
CATCTCTCTGATCACTGCTGGTCTCAATCTCTTGTGCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACAGCCAGTAACATCCTCCTCTCTCTGGCTGTGTCA
GACTTTCTGTTGGTCTCCTGTTAATCCAGCTGAGATTTTAGAATCACAGTCTGCTGGGTATTTGGTGAATCCATGTGTTCACTTTATACATATCTAGGCTACATGTTGTG
TAACATCTTCAATAAGTAACATAGTTCTCATATCAGTTGATCGCTATGGGTATTTGTGATCTCTGCATTATCCAGCAGAATTACTGTGGCAAGAATCAAACTTAGTGT
TTGTCTGTGTTGGTTTATTCGGCTTTCTATAGCACTCTTTGTACAAAAGAAATCTGATTAACACAGGCAGGTATAATTCCTGTTATGGAGAGAGTGTGTTTATCACCAAGT
GATATTCTGGGCACTGTGACCTTGTTTATCTTTTATCGTACCAGTTTCCATCATCATAGTTCTTTATATTAGAGTATTTTGGTGGGCTGTGCTCAGGCCTCGTGCCATGCG
GCTCTCATGTTCACAGCTGCCACACTTCAGAGTTTCATTGAATCAACACAAACAAATCTGATTTGAAAGCAGCCAGGACTCTGGGGGTTCTGTAGTGTGTTTCTGGCCAG
TTTCTGTCCATTTTATTGTACTTCTTGTGTGAGAAGACATAGTCAAGTATCATCTGCCTCTATTGTGGTCAATTGTCTATTATTTAACTCTTGTCTAAACCCCAATATCTA
TGCCCTGTTTACCCTTGGTTTAGAAATGCTGTAAAGTCATCATCACTTTTCAGATATTCAGCATGACAGCAGTGAGGTCAACATACTAtag

>contig022378-TiITARs.A051

ATGATGGAGAAACAAGGACAGTATATGCTTTCCAGAACTCTTCAACTCTTCTCGAGGAGACGAGCAGCTTCACTGGTCTGAAACTGTGCCCTAAATATCCTGCTGTGCT
CCATCTCTCGCATCACTATAGCTCTGAACCTCCTTGTCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTTTGGCTGTGTCA
GACTTTCTGTGGGGTTCTCCTGTTGCTGCCTGGAGAAATCTCCTAGGAATAGCCTGCTGGGCTTTTCGGTAACCTTTTGTGTTCTCTCTTTAATTATGTGTCTTTCAATCAIT
ACCTCGGCTTCAGTGAGGAAACATGGTTCTCATATCAGTTGACCGCTATGTGGCGATTTGTATCCTCTGCATTACTCTACCAGAATTACTGTGACCAGAGTTAAACGCTC
TGTTTGTGTTGTGTGGCTGTGTTGTGTTTGTACAGTAGTGCCCTTTTAAAGATGAGCTGATCAACACAGGAGGGCATAATTCTGCTATGGAGAAATGTGTTTGTTCAT
CAACTTTATGCAAGAACTGTTGATCTTTTGTAACTTTATGTTCCTATTTTGTGTTATCTGATGTCTGTATATGAGAGTATTTGATGGGCTGTGTCTCAGGCCCGTGCC
ATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTGCAGCTTTTCAAGTCAATCTCACAAACAAGAAATCAGAGTTGAAAGCAGGAAGGACTCTGGTGTCTAATAGTTGTGTTTCT
AATGTGTTTCTGTCCATACTATTGCGCTTCTTTGTCAGTGGAAGACTCACTCAGTGAGTCATCCACATCCCTTGTCGCTTATCTCTCTATTTTAACTCCTGTGTTGAACCC
TGTGATCTATGCATATTTTACCCTTGGTTTAGAAAAGCTATTAAACACATTGTGATGCTTCAGATATTTACACATCTGCTCCCGTAGGCCAACACATACTAtag

>contig022379-TiITARs.A052

ATGGATACACAGGATGTGGCAGAGCTCTGTTTCCACAACCTCTTCAACACCTCCTGCAAGAAACCTATAACTCCTCTGTGAGAATTTGTGTTCTTCATGTTGTGTTGTC
CTCCATCTCGCTGCTAACTGTGACTCTCAACCTGCTCGTCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTTCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTGCTGGCTGTC
TCAGACTTTCTGTTGGTCTCCTGTGATGCTCGGAGAAATCCTCAAGAAATACAGCAGCTGTGGTTCTCGGTGACCTCACTGTTCTATGTACAATTATATGCTTTCAIT
GTTACCTCTACCTCAGTGAGGAGACATGGTGTAAATATCAATGACCGCTATTTGGCTATTTGTGACCTCTGCAATACCACCAAGAAATCAGAGAGTGAAGAACT
CTCTATCTGCTGTGTTGGCTCTCTCTGTGCTTCTATAGCAGCCTGTTTGAAGAGGATGATCTAACTCAACACAGGGAAGCAATTCCTGCTATGGAGAAATGTACAATTGT
TGTTGCTTAATACAGGAATTTAGCCTCTTTTAACTCTTTTGTGTTCCAGTATGTCATGTAGTTCTGTATCTGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCGT
GCCATGCGCTCTCATGTATACAGCTACTGCTGTGCAGCTTTTCAAGTCACTCAACAAAGAAGAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTGTTCTGTGATGTGTG
TTCTACTGTGTTTCTGCCATATTTATTTGTTACTCTTGGCAGGGATGACCCACTCAATAGCTCATCTGTATCCTTTGTGCTCTATCTGTTCTATTTTAACTCCTGTCTA
AACCTTTTGATCTATGCACTGTTTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTCATAATCTCTTTACACATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGATTAGCATTTTgtaa

>contig022382-TiITARs.A053

ATGGGCACACAGGAAATCTGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATGTCTGCAAAAAGCCTGCAATTGCTCGGTCCAAAGCTGTGTTCTTCATATTGATTGTGTC
CTCAGTTTCTTTCTGACGGTGGCTCTCAACTTGCTTGTCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTGCTGGCTGTC
TCAGACTTTCTGTTGGCTCCTATTGCTGCTCGGAGAAATCCTCGAAGTACAGCCTGTTGGTTTCTTGGTCAGCTACAGTGTGTTAATGTATATTTTGTGCTCTGACT
GTTACCTCTGCTGCTCAGTGGGCATTTGCTGCTGATATCAGCTGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCTTTGAATTACCCCACTCAGGATCACTGACAGAAGAGTTCAACT
CTGTGTTTGTGCTGTTGGCTGCTGCTGCTTACCTGCTGTTTCTGTTAAGAGTAGACCTGTCATCAACAAAGAAACAAATTTCTGCTATGGAATAATGTGATGTTG
TTGTTCAATACATTGCAGGAGTTGTTGACCTCATTTAACTTTCATTGTACCAGTTAGTGTGCATCATAGTTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCC
GTGCTATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTACAAAGTCACCTTCCAGTGACTCTAACAAGAAAGTCTGAACATAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTGTTCTGTCTGTGTT
TCTAATGTGTTTCTGCTCTTATCTGTTTCTCTTGTAGGAGAAGAAATCATCAATAGTTTCATCTGCTCTCTTTTGTGGCTATCTGTTTGGTGTAAACCTCATGCTCAAAAC
CCTTTGATCTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTAGTTGTGCTACTCTACAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGGTAAGTATTCTGTAA

>contig022383-TiITARs.A054

ATGGAGACCCAGGACGAAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATCTCCTGCAAGAAGCCTAAACATCCTGTCTCAAGTTTGTCTCCCTTACGTTGTGGTGT
ATTACATCTCTCTGCTAACTGTGGCTCTAAACCTGCTCGTCATTTGTTTCACTCTCCCACTTCAGACAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTGCTGGCTGT
CTCAGACTTTCTCATTTGGTCTGTGATGATGCGCGCAAAAATCCTACGAGACAGCTTGTGTTGTTCTTGGTCAGCTCACATGTTTAAATATATTAATATATCTCTTCATT
TTACCTCTGCGCTCAGTGGGCATTTAGTGGTGTGATATCAGTCGACCGCTATGTGGCTATTTGTGACCTCTGCATTACCCCACTCAGGATCACTGAAAAAGAGTGAACCT
TGCGTCTGTCTGTGTTGGCTCTGCTCTGTTTTTTACAACATACTATTATAAAGCAGCAGCTGCTCTCAACGAGAGCAACATACTCTGCTGTTAGGAAATGTGATTGTTGTC
ATAGACTACATTGTAGGAACCACTGACATTGTTGTGACTTTTATTGCTCCAGTTACTGTCAATGTAAATTTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCCGCT
GCCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTCAACCTGCAGCTCTCAGTGACTCTAAGCAGCAAGAACTCAGAGTTAAAGCTGCCAGGACTCTGGGTGTGTTCTGATTCTGTG
TTTCTAATATGTTTCTGCCATATACATTGTTTCACTTTTAGGAAACGAGTTGTTCAACAGCTCATCTGCATCTATTGTGATCTACCTGTATTATTTAACTCCTGTCTAAAT
CCTTTGATTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAATTAGTTGTCACTCTACAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGGTGAGCATACTGtaa

>contig022390-TiITARs.A055

ATGGATACACAGGAAGGAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATCTCCTGCAAGAAGCCTACAACCTCCTCTGTCTCAAGTTTGTCTCCTTTATATTGTTTGTGTC
CTCAATGCTCTGTGCTAACTGTGACTCTCAACCTGCTCGTGCATCATCGCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCCTCTCTGCTGGCTGTCT
TATAATATGATGCTACATCGTTGCCCTGCTCAGTGGGCAACATGGTGTGCTGATATCAGTCGACCGCTTATGTGGCTATTTGTGACCCCTTGCATTACCCCTCCAGAATC
ACTGACAAAAGAGTGAACCTCTGCGCTGTCTGTGTTGGCTCTGCTCTGTTTCTACAGCTATGTGATTTTAAATAGATGATTAAGTCAACGAGCAAGCAATAATCTTGT
TATGGAATAATGATAATTTTCAATGAATTCATTGCAGGATTTGTTGACCTGTTTATCCTTTATAATTCACCTTACTGTCTCGTAGTTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTG
GCTGTGTCTCAGGCCGCTGCCATGCGCTCTCATGTATACAGCTGTCAACCTGCAGCTCTCAGTGACTCTAACAGCAAGAAATCAGAGTTAAAGCTGCCAGGACTCTG
GGTGTCTGTGTTGTGTTTCTAATATGTTTCTGCCATATACATTGTTTGGCTTTTGGAGGAGAGTTTCTAAGCAGTCTATCGCATCTGCTGATCTGATCTATTGTA
TTTAACTCCTGTGTAAACCCCTTGATTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTAATTGTGACTCTACAGATACTGCAGCCTGACTCCTGTGAGGT
CAGCATACTGtag

>contig022390-TiITARs.A056

ATGGATACACAGGATGGATTAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATCTCCTGCAAGAAGCCTACAACCTCCTCTGTCTCAAGTTTGTCTCCTTTATATTGTTGTGTTCT
TCAATGCTCTGCTAACTGTGACTCTCAACCTGCTCGTCATCATCGCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCCTCTCTGCTGGCTGTCT
CAGACTTTCTCATTTGGTTTGTGTTGATGCCCTGCAAAATATCATCCGAAAAGAGTTTGTGGTTTCTTGGTCAGCTCACATGTTTATGCTATACATTGATTCCTTCAITATT
ACCTCTGCGCTCAGTGGGCATGTGGCTGATATCAGTTGACAGTTATGGGCTATTTGTGACCTCTGCAATTACCCCACTCAGGATCACTGGAAGCTGAACCTGT
GTGCTGTCTGTGTTGGCTCTGCTCTGTTATCTACAACATTTTGTCTCAATAAGGATGAACCTGGTTAAACAGGAGGCAACATATTTCTGTTATGGAGAAATGTAAATCTCTG
TAGACTACATTGCAGGAACCACTGACATTTTAACTCTTTATTTCTGTTACTGTCTCATCATAGTTCTGTACATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCCGCTG
CCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTGCACATGCACTCTCAGTGACTCTAACAACAAGAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTGTTCTGTTCTGTGTT
TCTAATATGTTTCTGCTCATTAATGTTATTTTGTGTTTGGAGGAAAGTTGCTCAGTAGTCTGCTGCAACCATTTGTATCTATCTGTATTATTTAACTCCTGTGTAAACCC
CTTTGATTATGCTATGTTTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTGAACCTTACTGTACACATACAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGGTGAGCATACTGtag

>contig045088-TiITARs.A057

ATGGAGGGGGTTGAATTCCTGCTTTCCACATCTGCTCAACTCCTCTTGCAGAAAGGCTCTGCGTCTGTCTCAGTTTCCATGCTCATTTACATGATAATATCTTCTATCTCT
GTGCTCTGCTCAACCTCTTAACTGTGGTCTGCTCATCGTCTCCACTTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTGCTGGCTGATCTCGGATTTCT
TTGTGGGTCTTATTTGCTCTTTTACATAATGTTTATAGCGGCTGCTGTTATTTTGGTAGATCTGTATTTCTGTATTATGTTAGCAACATTAACACCTCTTCTCA
ATAGGAACCATGGTACTGATATCAGTTGACCGTTATGTGGCCATTGTGATCCTCTGCATTATCCCATCAAAGTCACTGCAAAAAGAGTTCAGACCTGTGTTTCACTGTG
TTGGAGCTTTTCTGCCCTTGTGGTAGTTTACCTCTTAAAGGACAACTTGAACAGCAAGCAAGGAAATTTAATCTTGTGTGGGAGAGTGTGTTGTCATATTAACCTTTATTG
AATATGTTGACAGATCTTGCTTTGAACCTTCTACTTCTCATCTACTGTCAATTAGTTCTGTATTTGAGAATTTTGTAGTGGTTGTGCTCAGGTTCCGGCCATCGGGTCTCA
TACTGCAGGTGTGCATACACAGTGTTCAGGAAGGGAAGTCCAAAGAAATCAGAGATGAAAGCAGCCAGGACTCTTGGTATTTGTGTAATGCAATCTTGTGATGCACTG
TTACCATTTTATTGTGTGCACATCAACAGCCAGAATGCCTTCTCAACGGATCACTCTGCATTTTGTATGTTTCTATTTTAACTCGTGCCCTCAACCCCTATGCTGT
ATGCTTATTCTACCCCTGGTTAGAAAATCTAATTAAGTTTATTGTACATTTCAAATACTGAAGTCTGGCTCCAGGAATGCCAACATAGTCAAAGTGACAGAAtag

>contig056134-TiITARs.A058

ATGGAGGAAACTGAACCTGCTTTCCAAAACCTCTTAAACACCTCCTGCATGAGGCTGAGGCGTCCCACTTTGAGATCATGTGACTTATATTCTGCTGTCTTCAATCG
CTCTGTTAACTGTGACTCTTAATCTGTTTGTGCATCATCTCCATCTCAGCATCTCAGGCAGCTCCACACACCCGCAACACGTCCTCCTCTGTGCACCTCTCCGAGCTGATTTT
GGTGTAGGCTTTGTCATGTTCTTCCAAAATGTGCTCATAGATGGCTGCTGGTTCTCCTGGTGACATCATGTGCACTCTGTATCAATACCTAGCATATGTATCACCCTCGCG
CTCAATAGGAACCATGGTATCATATCTGTTGATCGATATTTGGCTATTTTGTACCTCTACATTACTCCACCAAGATCACACAACAAGAGTTAAATTTGTTGCTGTGTTG
TGTGGAATCTGTTCTGTGCATCTTCAAAGTCTGATTCTGATGGATGACTGAAGCAACGAGGTATAACTCTTGCAATGCGAGAGTATTTGCTGTTGATGTTGATGTTG
GCAGGACTTGTGATGTTACTTTTCTTATTGTTTCCATTACTGTAATTTGAGTTTGTATCTGAGAGTGTGTTGTGGTGGCTGTGTCTCAGGCTCATGCCATGAGGTCT
CAGCTTGCACTCACTCAGCAATCAGTTACAGTTACTGCAAGAAATCGGAGCTGAAGCGAGCCTGGAGCTCTGGTATTTGTGCTGTGTTTCACTATATGATGT
GTCCATATTTACTGTGGCTCTCAGAGTCAAGACAACTGAGTGCTCTTCTGCTGCTTTTGTGATATTTTATCTTTAACTCGTGCTGTGTTCAACCCCATCTTATA
TGCTTTTTTACTCGTGGTGTGCAAAAATCCATAAAAGTCATTGTTACTCTTCAGATACTGCAGCCTGACTCTTCTAAGGCCAACATGCTTtag

>contig022320-TiITARs.A059

ATGGAGATTCAGAAAGCAGCTGAGCTTTGTTTCCACAACCTCCTCAACAGTTCTCTGCAGGAAGCCGACACTTCATTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTTGTGCTG
TGTGCATCTCTGTGATCACTGCTGTAAACCTCTGGTCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACACCCAGTAACATCCTCCTGCTCTCTGCTGGT
TCTCAGACTTTCTGTGGGTCTTCTGCTGATGCCATTAGAGATCTTTAGAAAACACAGCCTGCTGGGTACTTGGTGTATGTAATGTGTTCTGTTTATTGGTACCTGACCAGC
AACATTAACCTGTGCTTCAATAGGGAAACATAGTTCTAATATCAGTTGACCGTTATGTGGCGATTGTGATCCTCTGCATTACCCCACTCAAGATTAAGTGTGGTCAGAGTCAAG
CTCAGTGTGATTGTTGTTGGGTTTGTATTTTTCTATTCTTACTGGAGTCTTTATATGAAGATATCCTAGTTGAACAGGCAAGGATATACTGTGCTATGGAGAGTGTGTGCTA
TTAATTAATGACATTGCAGGGATGTTGACCTGCTTTGCTTTATGATGTTCAAGTACTGTTTATTATAGTTTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGGCTGTGTCTCAGGCTCG
TGCCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTGCACCTTCAAGTGTCACTGAATCAACGAAACAACTGACTGACTGAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTGTTGATGTTGATT
TTGGCATGCTACTGCCATTTTACTGCTACTCTCTGTTGATAAAATGTGGTCAATGATTCACTGTCATCTTTTGTGGTCTTGTCTTTTATTTTAACTCATGTTTAAACCC
ATTGATCTACTGCTGTTTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTATTAAATGTGTTATCACTCTGCTGATATTTAAGCATGACAGCAGTGAGGTCAACGTAAATtag

>contig032272-NyeTAR.A004

[illegible]

TGCTCTTTTTTATCCCTGGTTTCAGAAAGTCAATCAAACCTATTGCTACTCTTTAAATACTGCAGCCTGACTCCCCTGAGACTAACATGCATTAA

>contig038663-NyeTARp.A031

ATGGACGGCACTGGAAGTCTCCCCCTGCTCTCCCTAACCTCAACTCCTCTGCAGGCGGGCTGCTGCGACCCACCTCCCAGGCCACTCTTCTCTACACTAGATGGC
TTCAGTCTCACTGCTTACTGTGGTGCCTCAACCTGCTTTGTGTCGCTCCACTCCCATTCAAGCAGCTCCACACCCCGACCAACGCCCTGCTCTGCTCCGCTGCCAT
GTCCGACCTGCTTGTGGGGTGTGCTGGTGATGCCATCGAGGGCCCTGCGCTACATCGAGAGCTGCTGGCTGCGGGGAAGGGCTGATGTGTCTCAGTCCCTATTATTG
TCTTACTGCCCTTACTCTGTCTGCTCTGCGGCAGCATGGTGCTCATATCTGTAGATCGCTATATAGCCATCTGTGACCCCTCTGCTCTATTCCCTCAAAGATCAGAGTGAACAGA
GTGAAGCGTTTTCAGTCTGTGTCTGCTGCGGCCCTGCTCTCTCTCTCAAAATGGCTGCATTCCTATGAGGCACATAGGGTGGCCAGACAGGTTTCAGTCTGCTCACGGGGA
GTGTGTTGTGTTTCATCAGCCGAACCTTCAGGAACAGTAGATTTCTTTTGTGCTTTCTTGGCCCTGTGGCGTAATGTTTGTCTGTACATGAGGGTGTGTTGTGGTGTGCTG
TTTCTCAGGTACGTGCCATTTCAGTCGCAGGCAGCTGTGAGAGCAGCTCCAGCTGTCAAAAAATCAGAGCTGAAGGCAGCCAGGACACTCGGGATTTTGTATAGCTGTG
TTGTAAATGTGCTTCTGCCCTTATTATTATCCTTCCCTTACAGGTGTGGACACCTTTCTGAGCTTGCCTTCTGATCCGCTATGGTGTGTTGGATCATGCTAATAAATGCTTGT
GTGAACCCCTGTGATTATGTCTGTTTACCCCTGGTTTGAAGAGCTATCAGATTTCATTGTGAGCCTCAGAATACTGCAGCCTCACTCCAGAGACGTCAAAATCCTGTGA
G

>contig035375-NyeTARs.A013

ATGGATACCCAGAGCAGAGCATGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACACCTCCTGCAAGAAGCCTACAACCTCCTCTATCACAAAGTTTGTCTTTACATTCTGATGCC
ATCAATGTGTCTGCTAACTGTGACTCTCAACCTGCTCGTCATCATCGCAATCTCCCACCTTCAGGCAGCTCCACTCACACACTAACATCCTGCTCCTCTCTGCGCTGCC
GCTGACTTTTCTCGTTGGCCTTCTGTTTATGCTCGGAGAAATCCTGCGAAATACAGTGTGTTGGTTTCTTGGTCAGCTCACATGTTCTCTGTATAATTATATATCCTTCGTTG
TTACCTCTGCCTCAGTGGGCATCATGGTGTGATATCAGTCGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCACCAGAAATCACAGAGAGAAGAGTGAAACT
CTGTGTTGTCTGTGTGTGGCTCTGCTCGGTTTCTACTGCTATATGATTGTAAGAGATGATCTAAGTCAACCCAGGAAGCATAACTTCTGCTTTGGAGAATGTATAATTTT
GTTGAATTCATTGTCAGGATTTGTTGACCTTGTTTATCCTTTATAATTCCAGTTACTGTGATTGTATTCTGTATATGAGAGTGTGTTGGTGGCTGTGCTCAGGCCCGTG
CCATGCGCTCTCAGGTTACAGCTGTACACTGCGAGCTCTCAGTGACTCTAAACAGGAAGAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTCTTGTCTTGTGTGT
TTCTAATATGTTCTGCCCATATTGCTTGTTCGCTTTTGGAGACGAGTTTCTCAATAGTGCCTTGCATCTATTGTATTCTATTCTTTTAAACTCTGCTCAAAACC
CTTTGATCTATGCTATGTCTACCCCTGGTTTGAAGAAAGCTGTGAACATAATTGACTCTACAATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAAGTCAGCATACTGtag

>contig035376-NyeTARs.A014

ATGGATACTCAGGATGGAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATCTCCTGCAAGAAACCTACAACCTCCTCGGTCTCAAGTTTGTCTCCTTTATATTGTTGTGTC
CTCAATGTCTTTGTGACTGTGACTCTCAACCTGCTCGTCATCATTCACAGTCTCCCACCTTCAGGCAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTGCTCCTTCTCTGCGCTGTC
ACTGACTTTCTCGTTGGCTTCTCTGTTTATGCTCGGAGAAATCCTGCGAAATACAGCGTGTGGTTTCTTGGTCAGCTCACATGTTCTCTGTATAATTATGTATCCTACATCA
TTGCGCTCGCCTCAGTGGGCAACATGGTGTGATATCAGTCGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAAATCACAGAGAGAAGAGTGAAC
TCTGTGCTCTGTCTGTGTGGCTCTGCTGCTGTTTCTACAGCTATGTGATTATTAATGATGATCTAAGTCAACCCAGGCAAGCATAAATCTGCTATGGAAGATGTATAATTT
CATTTGAATTTATGCAGGATTTGTGACCTTGTTTTATGCTTTATATTCCACTTACTGTCATCATAGTTCTGTATATGAGAGTGTGTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCCCGT
GCCATGCGCTCTCAGGTTACAGCTGTACACTGCGAGCTCTCAGTGACTCTAACAGCACTAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTCTTGTGTTCTGTG
TTCTATATGTTTCTAGCTATACATTAATTCACITTTTGGAAACGAGTGTCTCAATGAGTCTGCTATGCTGATCTGTGATCTATTAACTCTGCTCAAAACC
CCTTTGATTTATGCTATGTTTACCCCTGGTTTGAAGAAAGCAGTGAACATAATTGAGTCTCAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGATCAGCATAAATGtag

>contig035381-NyeTARs.A015

ATGGATACTCAGGATGGAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATCTCCTGCAAGAAACCTACAACCTCCTCTGTCTCAAGTTTGTCTCCTTTATATTGTTGTGTC
CTCAATGTCTCTGCTGACTGTGACTCTCAACCTGCTCGTCATCATCTCCACTCTCCACTTCAGGCAGCTCCACTCACCCCACTAACATCCTGCTCCTTCTCTGCGTGTGTC
GCTGACTTTCTCGTTGGCCTTCTGTTTATGCTCGGAGAAATCCTGCGAAATACAGCGTGTGGTTTCTTGGTCAGCTCACATGTTCTCTGTATAATTATGTATCCTACATC
ATTACCTCTGCCTCAGTGGGCAACATGGTGTGATATCAGTCGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAAATCACAGAGAGAAGAGTGAAC
TTTGTGTTGTCTGTGTTGGCTCTGCTCTGTTTTCTACTGTTATGTGATTTTAATAGATGATCTAAGTCAACCCAGGCAAGCATAAATCTTGTCTGTGAAAATGTATAAATTATC
ATTGAATTCATTGCAGGATTTGTTGACCTTGTTTTATCCTTTATATTCCACTTACTGTCATCATAGTTCTGTACATGAGAGTGTGTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCCCGT
GCCATGCGCTCTCAGGTTACAGCTGTACACTGCGAGCTCTCAGTGACTCTAACAGCAAGAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAAACCTCTGGGTGTCTTGTCTTGTG
TTTCTAATATGTTTCTGCTCATATTTCATTGTTTACITTTTTGAAACGAGTGTCTCAATAGCTCATCTGCATCGATTGTGATCTATCTGTACTATTTAACTCCTGTCTAAAC
CCTTTGATTTATGCTATGTTTACCCCTGGTTTGAAGAAAGCAGTGAACATAATTGAGCCTCAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGGTATCATACTGtag

>contig046011-NyeTARs.A016

ATGGAGATACAGGAAGGACTAGAGCTCTGTTTCCACAACCTCCTCAACAGTTCCTGCAAGAAAGCCAAACACTTCACTATTCCACAACATGTGCTGTATATTGTGATGTC
ATGCTGCTCTACTGCTGCTCTTAAACCTCTGCGCCATCATCTCAGTCTCCCATTCTAGAACTCTTATCACTCATATTTGCTGCGCCACCTTGGGCATAGATAAAACC
TCAGCTGAAAAATTTTAAAAAGCAGCCACCTGCTGGATCCTTGATGATTTAAATGTGTTTCTTATTGGTATCTGACTGGCAACATTACCTGTGCTCTCAATAGGGAACATAGTT
CTAATATCAGTCGACCGCTATGTGGCTAATTTGTGACCTTTACATTACTGCGCAAGAAATGCTGGGCAAAAGTTAAACTCAGTGTGTTGTCTGTGTTGTATGCTATGTT
CCAGCATTAGTCTTTATGCAAAAGACTACCTGATTGAACCCAGGCAGGTATAATCCTGTTATGGAAGTGTGTCTAATGATATTGCAAGGACTATTGACCTTGTTTATC
CTTTATATTCCAATTACTGCCATCATAGTTCTGTATATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCATGCCATGCGCTCTCAGGTTACAGCTGTGCACAATTCATTGT
TCTCGAATCAAGCAAAACATCAGGTTTGAAGCAGCCAGGACACTTGGAGTCTGTTGATTTGTGTTTCTACTGTGTTTCTGCCATATTACCTGTGCTCTCTCTATAAG
GGAGGACTTTAGCTCAGTAGCTCCTATTGTGATCAGTCTGTTCTTTCAAACCTCCTGTTTAAACCCAGTGATCTATGCCTTGTTCTATCCTAAAGCTTTGAAACTAATTGT
GACTTTACAGATACTGCATTTGTTGtag

>contig046007-NyeTARs.A017

ATGCAGAAAGAAACAAGTTGTGTTTCCACAACCTCCTCAACAGCTCCTGCAAGGAAGCCAAACACTTCACTGGTCCAAAGATGTGCTCCTGAACACTGTGCTGTCTGCTG
ATCTCTCTGCTCACCCTGCTCTAAACATTCTCGTCATCATCTCAGTCTCTTACTTCAGGAAGCTTCACACACCCAGTAATATCCTTCTCCTTTCTCTGGCTGTCTCAGA
CTTTCTTGTGCGTCTCCTGTGTATGCCATTAGGAATCCTTAGAAACACAGCGCTGCTGGGTATCTGGTGATATAATTTGTTCTCTTTATTGGTATTAAACCGCAACATTTGT
CTGTGCTTCAATAGGAACACTTGTGCTAATATCAGTTTGACCTTATGTGGCTTGTGACCCCTCTGCATTATCCAGCAGAGAATTAATTTGGCGAAAGTCAAACCTAGTGT
TTGTCTGTGTGGTTTATGCTTTTTTCTACGTCAGTCTTTATACAAGGATAATCTCATTTGAAACAGGCAGGGATAATCCTGCTCAGGAGAGTGTGATTTGTGCATCAAT
GATATGCTGTGTTGTGACCTTGTTTTTTCTTTTATGTTTCCGGTTTCTGTCTAGTCTTCTGTATATCAGAGTATTGTGGCAGCTGTGCTCAGGCTGTGCTGCCAT
CGCTCTCATGTGACATCTGTACACTGACGCGCTCACTGAATCAACAACAAATCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGACTCTTGAATCTTGTAGTTGTGTTTCTGGCAT
GCTCTGTGCCACTCTACTACTTTTTCTCTTTGTGATGAAATGCAATCAATGATCCAGCTGCATCTTTTGTGGTCATTATATTACTTTAACTCGTGTCTAAATCCTTTGATC
TATGCCCTGTTTACCCCTGGTTTGAAGATGCTGTGTAAGCTTATCATCACTCTCGCGGATTTCTCAAGTATAACATGAGTGAGGCCAACATActata

>contig060105-NyeTARs.A018

ATGGAAGAAACTGAACCTCTGCTTTCCACAACCTATTCAACTCCTCTTGTGTGCGGCAAAAGCATTCACAAATGAGGCTGTGTTTATTACACTCCACTCTCTTCCATCTC
TGTGCTTACTACAAATCTGAAACCTGCTTGTGATCATCTCCTCATCGCTCACTCAAGCAGCTGCACACCCCAACCAACCTCCTCCTCTCTCTCTGCGCGTCTCAGAT
TTCTCGTGGGCCCTCATCATGGCTTGTGATGATTAGCCTTCCATGAGCTGCTGGTTTCTTGGTGACCAACATGTGTGCTGTGATAGCAGTTTAGATTACATTTACTTCTCT
GCTTCAGTAGGAACATATGTTACTCATATCAGCTGACCGCTATGTAGCCATTGTGACCCCTCTGCATTATCCCAACCAAAATTAATAAAAGAGTCTCAGTCTCTATTGTGA
CTTGCTGGGCTTGTTCATTTCTGTATAACAGTCTTATCATGAAGGATAATTTCAAGCAGCCAGGGAGGTATAATTTCTGTTCTGGTGATTGTGTAGTTGTCTGACTACT
TGTGCGGATTTGTCACTTTGTTTGTGACCTTTGTGCGCCCTGTGATTTGTGATCATAGTTCTGTATCTAAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGGGCAATCGCG
TCTCATATCACTGCTCTCAGACTCCAGGGGTGAGAGCGGTGCATCTGAAGAAATCTGAGCTGAAAGCTGCCAGGACTCCGGGTACTGTTATTGCTCTTCTGATAT
GCTTTTCCCATTTTCTGTTTCCCTAAGCTTACGGCCAGAATAGTTTCTTTGATATTAGATCTGTACCTTTTGAAGCCTTGTGCTTCTATTATTAACTCTGTCTGAACCCATTA
ATCTATACTTTTGTACCCCTGGTTTCTGAAATCTATCAAGCTCATTGTGACATTAAAGATATTAGGCATGGCTCCAGTGAGGCCAGTGTACTAtag

>contig046010-NyeTARs.A019

ATGCAGAAAGAAGCCGAGCTTTGTTTCCACAACCTCCTCAACAGCTCCTGCAAGGAAGCCAAACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTGCTGAACATTGTGCTGTGCTGCTG
ATCTCTCTGCTCACTGCTGCTCTAAACCTTCTCGTCATCATCTCAGTCTCTTACTTCAGGCAGCTTCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTCTGCGCTGTCTCAGA
CTTTCTCACTGGTCTCCTTATGCTGCCCACTAGAATAATTAGAAACACCGCCCTGCTGGGATCTTGGTGATCTTATGTGTTCTGTTTATACCTTATGACAGCCGGTCTTTT
CTGTGCTTCAACTTGAACATAGTTCTCAATTTCAGTCGACCGCTATGTAGCTATTGTGACCCCTCTTATTACCCCAACAGAAATACCGTGGCAAGAGTCAAACCTCTGTG
TTTGTGTTGTGTTGGTTTGTTCACAGCTTCTACGGCAGTCTTTTAAACAAAGAGTCTTAATTAAGCCCGGCCAGGTATAATTCCTGTTATGAGAGAGTGTGTGTTTGTCAATTA
ATGATATTGCAAGGGTTTATGATCTGTGTTATCTTTTATTTTCCAGTATCTGTATCATAGTCTTTATATGAGAGTGTGTTGTGGTGGCTGTGCTCAAGCTCGTCCAGT
CGCTCTCATGTACAGCTGTGCACTTCAAGCTTCAAGCAATCAAGCAACAAATCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGAACTTGGAGTCTTGTAGTTGTGTTTCTCGCAT
GTACCTTCGGTTTACTGTTACTCTCTTATGAAGTAAATGTGATCAATGACTCATCTACATTTTCTGATCATTGTGTTTACTTTAACTCGTGTCTAAACCCCACTGATG
TATGCCCTTTTACTCTTGGTTTGAAGATGCTGTTAAACTTATATCACTCTGCAGATTTTTAAAGCATGACACTAGTGAAGCAAACATGtttttaa

>contig057515-NyeTARsP.A020

ATGGAAGAAACTGAACCTCTGCTTTCCACAACCTCCTCAACTCCTCTTGTGTGCGGCAAAAGCGCCCAAAATGAGGCTGTGTGTTTATACACCTGCTATCATCTATCT
CTCTGCTTACTGCACTGCTGCTCTAAACCTTCTCGTCATCATCTCAGTCTCTTACTTCAGGCAGCTTCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTCTGCGCGTCTCAGAT
CTTCTGCTGGGCCCTCATCATGGCTTGCACAGATTAGCCTCCTAGATGCTGCTGGTTTCTTGGTGACCAACATGTGTGCTGTGATAGCAGTTTAGATTACATTTGACTTCTG
CTTCAGTAGGAACATGGTACTCATATCAGCTGACCGCTATGTAGCCATTTGTGACCCCTCTGCATTATCCCAACCAAAATTAATAAAAGAGTCTCAGTCTCTATTGTGAT
CTGTGGGCTTGTTCATTTGTTTGTGACCTTTGTGCGCCCTGTGATTGTGATCATAGTTTCTGTATCTAAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGGGCAATCGCGCT
GTGGAATTTTGTGATTTGTTTGTGACCTTTGTGCGCCCTGTGATTGTGATCATAGTTTCTGTATCTAAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGGGCAATCGCGCT
TCATATCACTGCTCTCAGACTCGAGGGGTGAGAGCGGTGCATGCTGAAGAAATCTGAGCTGAAAGCTGCCAGGACTCTCGGTGTACTGTTATTGCTCTTGTGATATG
CTTTTCCATTTTCTGTCTCAATGGTAGGCCAGAAATAGTTTCTTTGATATTAGATCTGTACCTTTTGAAGCTCTTGTGCTTCTATTAACTCTTGTGCTGAACCCATTAAT
CTACACTTTTGTACCCCTGGTTTCTGAAATCTATCAAGCTCATTGTGACATTAAAGATATTAGGCATGGCTCCAGTGAGGCCAGTACTACTATAG

>contig046013-NyeTARs.A021

ATGGAGATACCCGAAGGAGTTGAGCTTGTGTTTCCACAACCTCCTCAACAGCTCCTGCAAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTGCTGAACACTGTGCT
GTGCTGCATCTCTCTGCTCACTGCTCTTAAACCTTCTCGTCATCATCTCAGTCTCTCCACTTCAGGCAGCTGCACACACCCCACTGATGTTCTCTGCGCTGTCTGCGG
GTCTCAGACTTTTTTGTGGGTCTCCTGTTGTTGCCTTTGAAGAAATTTTGAAGAAACAGCAAGCTGCTGGGTATCTGGTGATCGTATGCTTCTGCTTATTGGTATTGACCGAG
AACATTTGCTGCTGTTGTTCAATAGGGAACATTGTTCTAATATCAGTTGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTATCCCAACAGAAATTAATTTGGCAACAGTCAAA
CTCAGTGTGTTGCTGTGTTGGTTTATGCTTTTTCTACAGCAACTCTTTATACAAGGATATCATGATTGAACAGGCAGGTATAATTTGCTTTGGAAGAGTGTGATTTT
TTGGCAGCAATTTGCTATTGTTGCTGACCTTATTTTATCTTTTTTGTCCAGTAAGTCTTATCAGTCTTGTATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTCGT
GCTCGCGCTCTCATGTTACATTGGTGCACACTGACGCTTCACTGAATCAACAACAAATCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGACTCTGGGGATTTCTGTAGTTGTGTTTC

TAGCATGCTTCTCTCCACTCTACTGCTACTCTCTTGTGTGATGAAATGCAATCAATGATCCAGCTGCATCTTTTGCAGTCATTATCTTTTACATTAACCTCCTGTCTAAACCC
TTTGATCTATGCTTGTTTTACCCTGGTTAGAAATGCTGTAAACTTATCATCACGTTGGAGATCTTCAAGTATGACACAAGTGGTGCCAACTACTGtaa

>contig062039-Nye TARs. A022

ATGATGGAGAACAAAGGACCGTATATGCTTTCCAGAAGTCTTCAACTCTTCTCGCAGGAGACCAGCATTTCACTGGTCTGAAGCTGTGCCCTGAATACCCCTGCTGTGC
TCCATCTCTGTAATCACCATAGCTCTGAACCTCCTTGTGCATCATCTCAGTCTCCTACTTCAGGCAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTTTGGCTGTGTG
AGACTTTCTTTGTGGGGCTCCTGTTGCTGCCTGGAGAAATCTTCCATAGGAATAGCCTGCTGGGCTTTCGGTAACCTTTTGTGTTCTCTCTCTTTAATTATGTGTCTTTTCATCA
TTACCTCTGGGCTCAGTGGGAAACATGGTTCTCATATCAGTTGACCGCTATGTGGCGATCTGTTATCTCCTCGATTACTCTACCAAGAATTAAGTGGAACAAGTTAAACGT
TCTGTTTGTGTTGTGTGGCTGTGTTGTGTTTGTACAGTAGTGTCCTTTTAAAGATGAGCTGATCAACCAGGAAGGCATAATCCTGCTATGGAGAATGTGTTTGTGTC
ATCAACTTTATTGCAAGGAAGCTGTTGATCTTTTGTAAACCTTTATTGTTCTTATTCTGTATTGTAGTCTGTATATAAGAGTATTGCGAGTGGCTGTCTCAGGCCCGTG
CCATGCGCTCTCAGCTTTCAAGTGAATCTGACAACAAGAAATCTGAGTTGAAAGCAGGAAGGACTCTTGGTGCTCAATAGTTGTGTTTCTAATGTGTTTCTGTGCCATAC
TATTGGCTGTCTCTTGCAGGGGAAGACTCACTCAGTGAGTCAATCATCAATGTGCGGTATCTCTCTATTTTAACTCCTGTGTTGAACCCCTGTGATCTATGCACATTTT
ACCCCTGGTTAGAAAAGCTATTAAACACATTTGTCATGCTCAGATATTTCACACTGGCTCCCATAGGACAACATACTatag

>contig035377-Nye TARs. A023

ATGGATACTCAGGATGGAGCAGAGCTGTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATCTCCTGCAAGAAGCCTACAACCTCCTGTCTCAATTGTTGCTTCTTATATTGTTGTGTC
CTCAATGTCTGTCTGACTGTCACTCTCAACCTGCTCGTCATCATCGCAGTCTCCCACTTCAGACAGCTCAACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTCTGGCTGTG
TCAGACTTTTTCAATGGTCTGTTGTTGATGCTGCAAAATATCATCCGAAAGAGGTTTGTGGTTCTTGGTCAGCTTGCATGTTTAGTGTTCATATGATCTCCTTCA
TTACCTCTGCCTCAGTGGGCATCATGGTGCTGATATCAATCGACAGGTATGCGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAATAACTCGTGAAGAGTGAAACT
CTGTGCTGTCTGTGTTGGCTGTGCTCGGTTTGTACAACTACTATTATATAAGAACGACCTGCTCAACGAGAAGCAGACATACTCTGTTATGGAGAGTGTTAAATTTCT
CGTAGACTTACTGACAGAACCACTGATATTGTTTAAACCTTTATTGCTCCAGTTACTGTTCTCATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCCCGTG
TGCCATGCGCTCTCAGGTTCAGACTGTGCACACTACAGCTCTCAGTGAGCTTAACCAAGAAATCAGAGTTAAAGACGCCAGGACACTGGGTGTTCTGTTGTTCTGT
GTTTCTTAATATGTTCTGCCCTCATATTGTAATTTTGTTTTGGAGGAAGGTGCTTAATAGACTCATCTGCAACTATTGTGATCTATTATTTAACTCCTGTCTAA
TCCCTTGATTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTAGAAAAGCTGTGAAACTAATTGTGACACTACAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAAGTCAGCATACTGtag

>contig046014-Nye TARs. A024

ATGGAGATTACGAAAAGCAGCTGAGCTTTGTTTCCACAACCTCCTCAACAGTTCCTGCGAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTGCTG
TCCTGTCATCTCTCTGATCACTGCTGCTCTAAACCTCCTGGTGCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTGCACACACCCAGCTAACATCCTGCTGCTCTCTGGCTGTG
TCAGACTTTTTCAATGGTCTGTTGTTGATGCTGCAAAATATCATCCGAAAGAGGTTTGTGGTTCTTGGTCAGCTTGCATGTTTAGTGTTCATATGATCTCCTTCA
TTACCTCTGCCTCAGTGGGCATCATGGTGCTGATATCAATCGACAGGTATGCGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAATAACTCGTGAAGAGTGAAACT
CTGTGCTGTCTGTGTTGGCTGTGCTCGGTTTGTACAACTACTATTATATAAGAACGACCTGCTCAACGAGAAGCAGACATACTCTGTTATGGAGAGTGTTAAATTTCT
CGTAGACTTACTGACAGAACCACTGATATTGTTTAAACCTTTATTGCTCCAGTTACTGTTCTCATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCCCGTG
TGCCATGCGCTCTCAGGTTCAGACTGTGCACACTACAGCTCTCAGTGAGCTTAACCAAGAAATCAGAGTTAAAGACGCCAGGACACTGGGTGTTCTGTTGTTCTGT
GTTTCTTAATATGTTCTGCCCTCATATTGTAATTTTGTTTTGGAGGAAGGTGCTTAATAGACTCATCTGCAACTATTGTGATCTATTATTTAACTCCTGTCTAA
TCCCTTGATTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTAGAAAAGCTGTGAAACTAATTGTGACACTACAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAAGTCAGCATACTGtag

>contig046014-Nye TARs. A024

ATGGAGATTACGAAAAGCAGCTGAGCTTTGTTTCCACAACCTCCTCAACAGTTCCTGCGAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTGCTG
TCCTGTCATCTCTCTGATCACTGCTGCTCTAAACCTCCTGGTGCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTGCACACACCCAGCTAACATCCTGCTGCTCTCTGGCTGTG
TCAGACTTTTTCAATGGTCTGTTGTTGATGCTGCAAAATATCATCCGAAAGAGGTTTGTGGTTCTTGGTCAGCTTGCATGTTTAGTGTTCATATGATCTCCTTCA
TTACCTCTGCCTCAGTGGGCATCATGGTGCTGATATCAATCGACAGGTATGCGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAATAACTCGTGAAGAGTGAAACT
CTGTGCTGTCTGTGTTGGCTGTGCTCGGTTTGTACAACTACTATTATATAAGAACGACCTGCTCAACGAGAAGCAGACATACTCTGTTATGGAGAGTGTTAAATTTCT
CGTAGACTTACTGACAGAACCACTGATATTGTTTAAACCTTTATTGCTCCAGTTACTGTTCTCATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCCCGTG
TGCCATGCGCTCTCATGTTGATATTGTCACACTCAGTGTTCTATTGAATCAAGCAACAAATCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGACTCTGGGGTCTTCTGAGTTGTAATTT
TGGCATGCTGACCCCAATTTACTGCTACTCTGTTGTTGATAAAAGTGTTGCAATGATTCATGCTTCTTGTGGTTCTGTGCTTTTAACTCCTGTTTAAACCCCA
TTGATCTATGCTCTGTTTACCCTGGTTAGAAAAGCTATTAGATGTGTTATCACTCTGCTGATATTAAAGCATGACAGCAGTGAGGTCAACGTAATAtag

>contig058002-Nye TARs. A025

ATGGAAATGTTGAAGAAACTCAACTGCTGCTTTCCACAGACTCTTAACTCTCCTGCGAGGAAGCCCACTACGACCTCACTCAGTATCTATACTATTATATACCTGTCCT
CCATCTCTTTACTGACTGTGACTCTTAACTGCTGCTCATCTCCTCATCTCAGATCTTCAAGAAAGCTGCACACCCCAACCAATCCTCCTCTCTTTTGGCTGTCTCT
GATTGCTCTGGTGGGTCTCCTGATTTTATTCAAATATGATTATAGATGGTTGCTGGTTTCTTGGTGAATTCATGTGTAGTATGTATTCTCTTGGACTACATTATTACCTC
TGCCCTCAGTAGGAACCATGTTCTCATATCAATTGACCGTTATGTGGCTATTGTTACCCCTCTCCATTACTCTACCAAAAGTCACCCCAAAAAGAACAAAGCATGTGTTTA
TCTCTGTTGGATTGTTCTTCAGTCGACCAATGTCTCCTGCTAAAGACACAGCTGGTGCAACCTGGCAGGTATAATTCTGCTATGGGAGTGTTGGTTGTTGTTGGC
CATGCTTTTGGAGTTGACAGATCTATTGCTGTCCATTATTGGTCTGTCACTGTGATTGTAGTTCTTATCTAAACGTAATTGTTGTGGCTATGACTCAAGCTCGTGCCCTGT
CGGTACATATTGACAGCTGTGACAGCTGACAGAGGTGAGTAAGTCAAAATGTGAAGAAATCTGAAACTGAAAGCAGTAAGGACCATCAGTGTCTTATCATGTTGTTCTAATA
TGTCTCTGCCCATATTACTGTGTGCACACTCTCAGGTCAAGATGCCATGCTCAGTGCTTCACTGTTGCATTGTAATGTGTTGTTCTAATTAACTCCTGTCTAAACCCCT
CTAATCTATGCTTTATTTTACCCTGGTTACAGAAATCTGTTAAACAAATTGTTACACTTAAATATTGAAGTCTGGCTCCTGTGACACCAATATCATGtacacagaatga

>contig045999-Nye TARs. A026

ATGGAGATCCAGATGCATCCAGATGCAGAGCTGTGTTTCCAGAGCTACTGAACAGTTCCTGCGAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAACGGTGTCTCTGAACGTT
GGGCTTTCGCTCCATCTCTGACTGCTGCTCTTAACTGCTGCTCATCTCAGTCTCAGTCTGCCACTTCAGGCAGCTCCACACTCCCAATCATCATCTCTCTCT
GGCTGCTCTGACTTTTTTGTGCTGTTTTTGTGATGCCGGTAGAAATCTTCAAAAACAGCGCCTGCTGGGTATTGGTGATCTCATGTGTCACTTTATACCTTATCTGAG
CTGATCTTATTCAATGCTTCAATTGAATGATTATTCTCGTATCAGTTGACCGTATGTGGCTATTGTGACCCCTGTCATTACCCCAACAGGATCTGTGCGGAGAGT
CAAACCTCAGTGTTTTCTGTGCTGGCTTTATGCTATTGTTGACAACATCATCTATACAAGCATGCGCTGATAAACCCAGGCAGGTATGGTTCTGCTATGGAGAGTGTGT
TTTTGTTGTTGATGATATTGGAATTGTTGACTTTGTTGATATCTCTATAGTTCAGTACGATCATCGTAGTTCTGTATACGAGAGTGTTCGTGGTGGTTGTGTCTAG
GCTCGTGCCATGCTCTGCTTATGCTGTACAGCTGTACACTTCAGCGCCACTGAAGTCAAGTCAACAAATCTGAACCTGAAAGCAGCCAGGAACTTGGGATTTGTAGTT
GTGTTTCTGGCGTGTACTGTCCATTATTACTGCTACTTTTTCTTGCAGGCAATGAAGTTAATGCTTCTCTGCATCTCTATCCTCAITGTTTATATTAACTCTTGGCT
AAACCCATTAAATGATGCTGTTTACTCTGGTTTGAAGAATGCTGTTAAACTTATCATCACTCTGCAGATATTAAAGGCTAACAGCAGTGAGATCAACATACTAcagagatg
a

>contig060292-Nye TARs. A027

ATGGCAGAAACTGAACCTCTGCTTTCCAAATCTCAACTCCTCCTGCAGTAGAGTAAAGCGTTCTCCCTCGGACTCAGTGCTTATTATGTAACTCAACCATCATTTCTCTT
CTTACTGTGGCTCTAAACCTGCTGGTGCATCATCTCCATCTCCCACTTCAAGCAGCTCCACACTCTCTCAAAACCCACCTCCTCCTCTCCCTGGCAGTCTCTGATTTCTTTG
TGGGTCTCAATATGTGCTTTCAAAGTATGCTCATAGATGGTTGTGGTATCTTGGTGAACCTCATGTGTGCTGTGATTATGTTTTCGACATAGTTGCTACTCTGCCTCAGT
AGGAACCATGGTGTCTATTTCAGTTGACCGTTATGTGGCCATTGTGATCCTCTTCAATTCCCAACCAAGTCACTCCAAAAGAGTTTCAGACCTGTGTCTTAAATGTTG
GGATTGCTCGCTCTAGTAGTGGTGTGCTCTTGAAGGATAAACCCTGGATAAACCGAGTAGATTAATTCCTGCTTTGGAGAGTGTGTGATTGTTGACTTTGCAATA
CAAGTTACCGATCTTATTGACAAATCCTCCTTCCCACTACTGTGCATGTAATTTGTAGTGAAGAGTATTGCCGTGGCCGTGTTTCAGATTCCGGCCATGCAACCTCAT
GTTGCAGCTGTGCACAGAGGGGGAAGTAAAGTCCAAAAAATCTGAACCTGAAGCAGCTAGGACTCTTGGCATTGTTATGTTGCTATTCTGATATGCCTATTCCCAT
TTACAGTGTGATACCTCAGGCCAGGACACTGCTGATATTATACCGTTACCTTTTATGTTGTTTATTTAACTCCTGTCAACCCCTATCATCTATGCTCTTTT
CTACCCATGTTTAGAAAATCTGTTAAACTTATTGTTACATTCAAATAGTCAAGTCTGGCTCCAGTGATGCCAGCATGCTGtag

>contig042499-Nye TARs. A028

ATGGAGGGGGTTGAATCTGCTTTCCACATCTGCTCAACTCCTCTTGCAGAAAGCCTCTGCATCCTGTCTCAGTTTCCACGCTCATTTACATGATAATATCTTCTATCTCT
GTGCTCACTGCAACTCTTAACTGCTGTGCTCATCATCTCCATCTCCCACTTCAAGCAGCTCCCAACTCCCAACCTCCTCCTCTCTCTGCTGCTCCGATTTCT
TTGTGGGTCTCTATTGCTCTTTTACATAATGTTTATAGACGGCTGCTGGTATTGTTGGTGACTTCATGTGATTCTGTATTATGTTATGCCACAATTAACACCTCTCCCTCA
ATAGGAACCATGGTATGATACAGTTGACCGTTATGTGGCCATTGTGATCCTCTGCATTATCCCAACCAAGTCACTGCAAAAAGAGTTTCAGATGCTGTGTTTCACTGTG
TTGGAGCTTTTCTGCCCTTGTGCTGATTGTTCTCTTAAAGGACAACTTGAACAGCAAGTCCAGGTTTAAATCTTGTGTGGGAGAGTGTTGTTGCCATTAACTTTATTG
AATATGTTGCAGATTTGCTTTGAACCTTCTACTTCTTACTGTGCTATTATAGTTCTGTAATTTGAGAATATTGTAGTGTTGTGTCTCAGGTTCCGGCCATCGGAGATCA
TACTGCAGGTGTGCATACACTGCTTCAAGGAAGGAAATCCAAAGAAATCAGAGATGAAGGACGCCAGGACTCTTGGTATTGTTGAATGCTGTTGCTGATGCTGCTG
TTACCATTTTATGTTGTCACACTCACAGGCCAGAAATGCCTTCTCAACGGATCATCTCTGCATTGTTTGTGTCTTTTCTATTTTAACTCGTGCCTCAACCCCTATCATCTA
TGCCCTTATTCTACCCCTGGTTAGAAAATCTGTTAAGCTTATTGTTACATTCAAATACTGAAGTCTGGCTCCAGGAATGCCAACATAGTCAAAGTGACAGAAtag

>contig056200-Nye TARs. A029

ATGGGCACACAGGAAAAATCTGAGCTCTGCTTTCCACAACCTCTTCAACATCTCCTGCAAAAAGCCTGCCATTGCTCGGTCCAAAGCTGTGTTCCCTCATATTGTATTGT
CCTCAGTTTTCTTTTCTGACGGTGGCTCTCAACTTGCTTGTCATCATCTCAGTCTGCCACTTCAGGCAGCTTCACACACCCCACTAACATCCTGCTCCTCTGCTGGCTGT
CTCAGACTTTCTTGTGGCTCCTATTGTCACTGTCAGAAATCCTCCGAAGTACAGCCTGTTGGTTTCTTGGTCAGCCACATGTTAATGTATATTTTGTGCTCCTTGAC
TGTTACCTCTGCCTCAGTGGGCATTATGGTGCTGATATCAGCTGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTTTGAATTACCCCATCAGGATCACTGACAGAAAGATGTTCAAC
TCTGTGTTTGTCTGTGTTGGCTCTGCTCCATCGCCTTCAGCTGTTTCCCTGTAAGAGATGACCTGCATCAAAAAGAAAAACAAATTCCTGCTATGAAAATGTGTGCTT
GTGTTCTAATACATTGCAGGAGTTGTGACCTCATTTAACTTCATTGTACCAGTTACTGTGCATCATAGTTCTGTATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCC
CGCTCTATGCGCTCTCATGCTGAGCTGTGCAAAAATCACCCTCCAATGACGCTTAACAAAAAGGTTGAACCTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTGTTCTGTGT
TTCTAATGTGTTTCTGCCCTTATTACTGTGTTTCTTGTAGGAGAAGAAATCATCAATAGTTTCATCTGCTCTTTTGTGGCCCTATCTGTTTGGTTTAACTCATGTCTAAAC
CCTTTGATCTATGCTATGTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTAGTTGCTCACTCTACAGATACTGCAGCCTGGCTCAGTGAGGTAAGTATTTGtaa

>contig025313-Bri TAR. A002

ATGGACAGCCAGGACAGAAATGAACCTGTCTACCCCTGAGCTTGCGAATTTGTCTTGCAGGGGTTTAAACAGTCTCCTCAGCCTGAGGCTGTCTCCTCTATACACTGTTT
TTGTCCATCTCTGTGCTAACTGTAGCTCTGAATGTGCTGGTTATCATATCCATCTCTCATTTTAGCGAGCTCCACATGCCACCAATGCTCCTGCTCTCTGTGGCCAT
CTCAGACCTCTTGGTCTGGGCTGCTTGTGATGCCGGTGGAAACAATACGGTTTATAGAAACCTGCTGGGCTGCTGGGAGATCTCATGTGTGCTTTTCTTACATTATGCTGGC
TTCACCTCTCACTCAGCCTCTGTGGGCAACATGGTGCTCATATCAATGTATCGCTCAGTAGTATTGTTATCCCTCTGCAGTACCCCACTAAATCAAGCAGCAGAGC
GGAGCTGTCTGTGACTCTGTGCTGGGCTGTTGCTCCTCTACAAACGGGCTGATCTTAAAGGAGCATCTCAGGCAGCCAGACAGGCCATAACACCTGTACGGTTCAGT
GTTTGGTGGTGAATTAACATGTCTCTGGAGCCATCGACCTTGTCTTACTTTCATCTGGCCCTTGTCTCAGTCAATTATCAITCTGTATGAGAGTATTGTTGATGCCGTGT
CTCAGGCTCATGCCATGCGGCTCTCATATTACAGCTGCTGCAGCTGGTAGAGTAAATACCCGCAAGAAATCAGAGAAAAGGCCAGCCAGGACTCTTGGGCTGTGTGA
TATTGTGTTTTGATGATTTTCTGTCGGTATTACTATCCCTCTCTGACGGGCAGACATTTCAAACAGTGCTTCTGAGCTTGGCTTATTGTTCTGATGCTGACTTCA
ATTCTGTCTGAATCCACTGATATGCTTTTTTCTACCCGTGGTTTAGAAAAGCTATCTGGTTCAATTGCTCCTGAAGATACTAGAGAAGGGCTCCTCTCAGGCCAAATA
TACTTTAA

>contig029633-Bri TAR. A003

ATGGACGGCAGTGGGGTCTCCCTCTGCTTCCCTAACCTCAACTCCTCTGCGAGCGGCTGCTGCGACCCACCTCCAGGCCGCTCTTCTCTACACTCTGCTGG
CTTCAGTCTCACTGCTCACTGTGGTGCTGCTCAAACTGCTTGGTGTCTCCATCTCCCACTTCAAGCAGCTCCACACCCGACCAACGCCCTGCTCCTGCTCCCTGGCC
ATGTCGACCTGCTGTTGGGTTTCTGTGTGATGCCATGCGAGGGCTGTGCTACATCTGAGACGCTGCTGGCTGCTGGGAGGCTGATGTGCTGCTCAGTCTCTATTT
GCTTACTGCTCTCTCTTTTCTGTCGGCAGCATGGTGCTCATATCTGTAGCTGCTATATAGCCATCTGTACCCCTGCTCTATTCTCAAGATCAGTGAACAG
AGTGAAGCTTTCAGTCTGTGTCTGCTGGGCTGCTCTCTCTCATCAATGGCTGCATCTCATGGGACATAGGGGTGGCCAGACAGGTTTCAGCTCCTGTGACGGGG

AGTGTGTGGTGTTCATCAGCCGAACCTTAGGAACAGTAGATTTCTTTTGTCAATTCCTTGGCCCCATGTGCGCGTAATGTTTGTATGTACATGAGGGTGTGGTGTGCT
 GTTTCTCAGGTGCGTGCCATCTCAGTCGCGAGCGACCTGTGAGAGCAGTCTCCAGCTGTCAAAAATCAGAGTTGAAGGCAGCCGAGCACCTCGGGATTTGTATAGCTGT
 GTTTGTAATGGCTGTGCCCTTATTAATGATCTCCCTTGTGAGGTGTGACACACCTTTCTGAGCTTGGCTTCTTACGCCATGGTGTGTGTGGATCGATGCTAAATGATGCTTG
 TGTGAACCCCTGTGATTATGTCTGTTTACCCCTGGTTTAGAAGAGCATTAAGATTATTGTACCCCTCAGAAATCTCGAGCCTCACTCCAGAGATGTCAAAATCCTGTtag
 >contig035253-BriTArE.B025
 ATGACCAACATGTGAATGATCATACCTCCCTGTATGTATTAACAAAGACTCCAAATCAGCTGACAAAACAGCCCTCCCATATATGTGTATTTCTGTATGCAATTCCTTGCAAT
 ATGTGCTGTATAACATATGTGGAAACCTCCTGTGTAATAATTTGTGATTAATCTCAAAACAGCTCCTACTCTCAATTAATCTCATCTCCTCTCTGCTGGCTGACC
 TGCTCGTGGGATTATAGCAATTCCTCTCAGCATGGGCATTCTCTCAGCTCATGTCTTTATCATGAGGGTTGTTTGGCAAAGTGCAGAGGACCTTTGATATTTCACTGA
 GCACATCTCTCCATCTGAACCTCTGCTGTAATTTCTATTGACAGATCCATCGCTGTTTGCAGCCCTCTGACATATCAAACTAAAACTAGCCCTCGTGTGTGTGTTTCATGA
 TCCTGATGAGCTGGGGGGTTCTCGGATATTTGGAATTTGCAATTTGCTGATGCTGATTAATAAGAAATGTGAGGAATCATGTTTGATGTGCTTAATAGAGCA
 CGTTTGGACCACTGTTATCATTTTACCTGCCAGTGACCATGATGCTTTTTATCTACCTAAAGATTTCTTTTGTGCTTTGAGGCGAAGACAGCCATCGAGAACCAACAA
 AGTGTGGACAAACTGCCAGATATCGAGAGAAAGGCGACCAAACTCTGCGTATTGTCTGGGAGTTTATATTTTGTGAGGTCCTTTTTTTCTTCCATCACATCT
 CCACCATTTACCAAGTATTCTGTACCAGTTCTGTGTAATGAAACTCTTAACTGGCTTACATTGGCAAATTAATGCTAAATCCATTATTATGCTTTCTTTATAGCTGGTT
 CAGGTCAGCCATCAGAATGATTATTGTGGGAAAATATTCCAAGGGGATTGTGCCAACCAAAATGACTTga
 >contig011696-BriTArE.B026
 CACCTCTCTCGCAATTCACAAAAGACAAATATTGTGTGTTATTATGTGTCTCAGCTCATTTATGTCTTATTACAATTTGTGGAATCTCTCTGTGATAATTTCTATAATTT
 ACTTTAGATATCTCCACACTCTACTAACCTTACCTCTCTCGCTGGCTGGCTGATCTACTAGTTGGTGCTTTAATATTTCTTTGAGCATGCAAGTGACTCTAAAGTG
 ATGTTTGTATAGATTCAGTTTACTATGACCTTAAGAAGCGCAATAGATGTATAATGGGTGTGCTTCTTATTAACATTTGTGCTGTAATTTCTGTTGATCGATATATGCTGT
 TTGCCACCTCTGATATAAAACATAAATGACTGATTGTGTGCGATGAAGATGGGCTTGGAAAGTTGGCTGGTGTCTATCTGATTGGAATTTTGGCTTCTCTGATGT
 TTTTATCTCAGCGCAATGTGACACAGGTTGCAATTTCACTCTCAATTGCATCATCAGTGGTAGCATATTATATCCCAACAATAGTTTATGTTCCATGTACATCAAAATTTCTG
 TTTGTGCATCGAGGCGAGGCATCCATAATCAACACTTCTGAGAACACAACTCTTAAGACGATTTCCAGTAAGGAGAGAAAGGCCACAAAGACATTAACCATATG
 TATTGGAATATTTTAAATTTTGGGTTCCCTCTTATGTGATTATTTGTTGCAATTTGCTCGGTGAATTTTATACTTTATGAGGTTCTTGAACTTTTAACTCGGTTTGAACATTTCT
 AACTCAATGCTCAATCCCTTTATTTATGCTTTCTTTTACACTTGGTTAGAAAAGCTTTTAAATGATAATTTCTGGA AAA
 >contig029635-BriTArE.A005
 ATGGACGGCATGGGGGCTCTCCCTCTGCTTCCCTAACTCAACTCTCTCGTCAGCGAGCTGCTGCGACCCAGCTCCCGAGCCGCTCTCTCTCACTCTGCTGGTGC
 CCTCAGTCTCACTGCTCACTGTGTGGCTGCAACCTTCTGCTGGTCTGCTCCATCTCCCACTCAAGCAGCTCCACACCCCGACCAACACCTGCTGCTGCCGTGCC
 ATGTCCGACCTGCTGTTGGGGTTACTGGTGATGCCATCGAGGGCCTGCGCTACATCGAGACGTGCTGGCTGCTGGGGAGGCTGATGTGTGCTCTCAGTCTTATTT
 GTCTTACTGCCTCCTCTCTTTTCTGTGACAGCATGGTGCTCATATCTGTAGATCGCTATATAGCCATCTGTGACCCCTCGCTCTATTCTCTCAAAGATCACAGTGAACAG
 AGTGAAGCTTTCA
 >contig082566-BriTArE.A006
 CTGTGTTGATATTTCTCTCTCTCTTTTCAGACAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTCTCTCTCTGCTGCTCAGACTTTCTCATTTGGTCTGTTGATGATGCCGGC
 AAAAATCCTACGACACACATCTGTTGGTTTCTTGGTCAGTCTACATGTTCAATGTATATTATGCATCTCATCATTAAGCTCGCTCAGTGGGCATTATGGTGCTGATA
 CTAGTCGACCCGTATGGGTATTTGTGACCTCTGCATTACCCACAGGAATCAGACAGAGAAGATGAAACTCTCGCTGCTGCTGTGTGGCTGCTGCTGTTATTT
 ACAACATACATTTTATAAAGAACGACGCTGCTCAAGGAGAACGACATCTCTGTATTGAGAGAATGTGAATTTGTCATAGACTACATGTAGGAACCCATGACATTTGTTT
 AACTTTTTTGTGCTCAGTCTGCTGCTGCTGATTTCTGTATATGAGAGTGTTTGTGGTGGCTGTGCTCGAGCCGCTGCCATCGCTCTCATGTGTACAGCTGTGCACACTGC
 AGCTCTCAGTGAATCTTAACGACAAAGAAATCAGAGATAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTGTTCTGTGTTTCTATTAGGTTTCTGCCCATATTACATTTGTTTCA
 CTTTAGAAAGACAGTGTGTTCAACAGCTCATCTGCATCCATTGTGATTATCTGTATTATTTAACTCCTGTCTAAATCCTTTGATTACGCTGATGTTCTACCCCTGGTTTGA
 AAAAGTGTGAATTCGTTGCTACTACAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGGTCAGCATACTGtag
 >contig086341-BriTArE.A007
 ATGGCAAGAGCTCTCAGACAGAAAGGGTGTGGAACCTCCACAGCAAGCTATCTCTCTTTCTAATGATGAAATGTTTGAAGAACTGAACCTGCTTTCCACAGC
 TTCCTAACTTCTCCTCGAGGAAGCCCATGACGACCTCACTCAGGAAGCTGCACACCCCACTCTCCTCCCTCTCTTTGGCTGTCTCTGATTGCCTGGTGGGCT
 TCCTGATATTTTCAAATGATTGATTATAGATGGTGTGCTGGTTTCTTGGTGAATTCATGTGTAGTATGTAATTTCTCTTGGACTACATATTACCTCTGCGCTGAATGAAGAACCA
 TCGTCTCATATCAATTGACCGTATGTGGCTATTTGTTACCCCTCTGCAATCTACCAAGTCAACCCCAAAAGCATGTGTTTATCTGTGTTGAAATTTGTTCT
 TCAGTCTTC
 >contig086348-BriTArE.A008
 ATGGAAGAACTGAACCTGCTGTTTCCACAACATTAACAACCTCTGTGTGCGGCAAAAGCGCCACAAATGAGGCTGTGTGTATTTACACCTGCTATCATCTATCTC
 TCTGCTTACTGCGAGTGAACCTACTGTGCATCATCTCCATCGCTCACTTCAAGCTGCACACCCCAACCACTCTCCTGCTCTCTGCTGGCGCTCAGATTTTCTTC
 GTGGCGCTCATCATGGCTTTTGAGATTAGTCTCTAGATGGCTGCTGGTTTCTTGGTGACACATGTGTGCTCTGTATAGAGCTTTAGATGATGACTGCTATCTGCTGCT
 AGTAGGAACATGTGACTCATATCAGCTGACCGCTATGTAGCCATTTGTGACCCCTGCAATTATCCCAACAAATTAATAAAGAAATCTCAGTCTGTAATTTGACTTGC
 TGGCGTTGTTCAATTCTGTATAACAGTCTTATCATGAAGGATAATTTCAAGCAGCCAGGAGGTATAATTTGTTCTGGTGATTGT
 >contig109361-BriTArE.A009
 ATGAGAGTATTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCCCGTGCCTACGCTCTCAGGTTACAGCTGTCACTGCTCAGTGACTCTAACAGCAAGAATCAGAGTTA
 AAAGCAGCCAGGACATGGGTGTCTTGTCTGTGTTTCTAATATGTCTCTGCTCCATTAATGTATTTTCTTTTGGAGAGAAAGGTGCTTAATAGCTCATCTGCAACT
 TTGTGATCTATGTGACTATTTTAACTCCTGCTCAAAATCCTTTGATTATGCTAGTGTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTAATTTGCACACTACAGATACTGCAG
 CTTGGCTCCTGTGAGTGTACAGCATCTG
 >contig116966-BriTArE.A010
 ATGAGAGATCAGAAAGGAGCTGAGCTGTGTTTCCACAACCTCTCAACATTTCTTGCAAGGAAGCCGACACTTCACTGTTCCAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTCTTGT
 CTTGCATCTCTCTGCTCACTGCTGCTCTAAACCTTCTCGTGATCATCTCAGTCTCCTACTTCAAGGAAGCTTACACACCCAGCAATATCCTCTACTCTCTCTTGTGCTGTC
 TCAGACTTCTCATGGAGCTCTCTGTTGATGCCAGCAGAAATCTTAGAAGACTGGCCCTGCTGGGTACTGGTGATCTTATGTGTTCTGTTTATTTTCTGGCTGTAAAC
 ATTAGCTGTGCTTCAATAGGGAACATGTCTTATATCAATTTGACCGTTATGTGGCTATTGTGACCCCTCGCATTAACACAGAAATCTGACCTAGAGTCAAACTC
 AGTGTGTTGCTGTGTTGGTTTATACAACTTCTACTGCGATTTTATACGCAAGAAATGCTGATGAACAGGAGGTATAATTCCTGATTTGATGGTAGTGTTGTTGTC
 ATCAGTGATTTTGTGAAGGTTGACCTATTTTATTTTATTTTCCAGTTTCTGTCATCATAGTTTGTATGTAGAGATTTTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTGCTGTC
 CATGCGCTCTCATGTTCACAGCTGTACACTTCAAGCTTCAAGCTTCAATGAATCAACAAACAATCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGACTCTGGGGGTTCTGTAGTTGTGTTT
 >contig109362-BriTArE.A011
 ATGGATACCCAGGGCAGAGCAGATCTCTGCTTCCACAACCTCTCAACACCTCTGCAAGAAGCCTACAACCTCCTCTATCACAAGTTTGTCTTTTACATTCTGATGC
 CATCAATGTCTCTGCTCACTGTGACTCTCAACCTGCTCGTCACTCGCTCAGCTTCCCACTTCAGGAGCTCCTCACTCACCACATAACCTCTGCTGCTCTCGCTGCT
 CGTGCAATTTCTCACTGGTCTCTGTTTATGCTGGAGAAATCCTGCAAAATACAGAGTTGGTTTCTTGGTCAGCTCATGTGTTCTGTGATAATTATGATCTCATAT
 CATTTGCTCTGCTCAGTGGGCAACATGGTGTGATATCGATGAGCAGCTGATGGGCTATTTGAGCCCTGTGATTAACCCCTCGCAATCCACAGCAATCAAAAGAGAGTGAA
 ACTCTGTGCTGTCTGTGTTGGCTGTGCTGTTTCTACAGCTATGTGATTTAATAGATGATCTAAGTCAACCAGGAAGCATAACTCTTGTCTTGGAGAAATGATAATT
 TTGTTGAATTCAATGACAGGATTGTGTACCTGTGTTTATCCTTTATATCCACTACTGTCAATGTATTCTGTATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCCG
 TGCCATGCGCTCTCAGGTTACAGCTGTACACTGCAGCTCTCAGTGACTCTA
 >contig109361-BriTArE.A012
 ATGGATACCCAGGGCAGAGCAGATCTCTGCTTCCACAACCTCTCAACACCTCTGCAAGAAGCCTACAACCTCCTCTATCACAAGTTTGTCTTTTACATTCTGATGC
 CATCAATGTCTCTGCTCACTGTGACTCTCAACCTGCTCGTCACTCGCTCAGCTTCCCACTTCAGGAGCTCCTCACTCACCACATAACCTCTGCTGCTCTGCTGGCT
 CGTGCAATTTCTCACTGGTCTCTGTTTATGCTGGAGAAATCCTGCAAAATACAGAGTTGGTTTCTTGGTCAGCTCATGTGTTCTGTGATAATTATGATCTCATAT
 CATTTGCTCTGCTCAGTGGGCAACATGGTGTGATATCGATGAGCAGCTGATGGGCTATTTGAGCCCTGTGATTAACCCCTCGCAATCCACAGCAATCAAAAGAGAGTGAA
 ACTCTGTGCTGTCTGTGTTGGCTGTGCTGTTTCTACAGCTATGTGATTTAATAGATGATCTAAGTCAACCAGGAAGCATAACTCTTGTCTTGGAGAAATGATAATT
 TTGTTGAATTCAATGACAGGATTGTGTACCTGTGTTTATC

>contig084868-BriTARs.A014

ATGGAGACCCAGGACGAGCAAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTTTCAACACCTCCTGCAAGAAAGCCTAAACATCTCTGTCTCAAGTTTTGCTCCCTTACCTGTGTGGTG
TTTTACAGTCTCTCTGCTAACAGTGGCTCTCAACCTTGTGATATTCTCTCTCTCTTTCCAGACAGAGCTCCACACACCCCACTAACAGCCTCCTCCTCTCTCTGGCTGCTCTC
AGACTTGTCTCATTGGTCTGTTGATGATGCCGGCAAAAATCCTAGGAGACACAGCTTGTGGTTCTTGGTCAAGTCCATGTTCTCTGTATATATATGCTTCATCAT
TACCTCTGCCCTAGGCTGGCATATGGTGCTGATATCAGTCGACCGCTATGTGGCTATTGTGTGACCCCTGTCATTACCCCAACAGAAATCAGAGATGAGAGAGTGAACACT
TGCGTCTGTCTGTGTTGGCTCTGCTCTGTTATTACAACTACTATTATATAAGAAACGACCTGCTTCAAGGAGAACGACATACTTCTCTGTATGGAGAAATGTGATTATTGTC
ATAGACTCACTGTAGGAACCACTGATAATTGTTTAACTTTTATGCTCCAGTTACTGTCTCATCTGTTGTCTGTATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCCCGT
GCCATGCGCTCTCATGTACAGCTGTCACTGTCAGCTCTCAGTGAAGTCTAACAGCAAGAAATCAGAGATAAAAGCAGCCAGGAGCTCTGGGTGTCTTGTCTGTG
TTTCTATTAGGTTTCTGCCCATATTACATTGTTTCACTTTTAGGAACAGGAGTTGCTCAACAGCTCATCTGCATCCATTGCGATTATCTGTATTATTTAACTCCTGTCTAAAT
CCTTTGATTACGCTATGTTTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAATTGTTGTCACTCTACAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGGTGACGATACTGtag

>contig084876-BriTARs.A015

ATGGATACACAGGACGTTGGCAGAGCTCTGTTTTCCACAACCTTTCAACACCTCCTGCAAGAAACCTATAACTCCTCTGTCTCAGAAATTTGTGTTCTTCATGTTGTGTTGTC
CTCCATCTCGCTGCTAACTGTGACTCTCAACCTGCTCGTCATCATCTCAGTCTCCCACTACAGGCAGCTTCATACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTCTGGCTGTCT
TCAGACTTTCTGTTGGTCTCCTGTTGATGCCTGGAGAAATCCTCCGAAATACAGCCTGCTGGTTTCTCGGTGACCTCACTGTTTTATGTACGATTATATGTCTTTAAIT
GTTACCTCTACCTCAGTGGGAGACATGGTGTTAATATCAATTGACCGCTATGTGGCTCTTTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAAATCAGACAGAGAAAGTGAAC
TCTCTGTCTGTCTGTGTTGGCTCTCTTCTGTTTTCTATAGCAGCCTGTTTTGTAAGAGATGATCTAACTCATTACGGGAAGCAATAATCCTGCTATGGAGAAATGTACAAATTG
TTGTTGACTTAATTACAGGAACGATTGACCTTCTTTTAACTTTTTTGTGCCAGTTACTGTCAATTGTAGTTCTGTATCTGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTC
GCGCCATGCGCTCTCATGTTACAGAGTGTGCTCTGCAGCTTTCAGTGAAGTCTAACCAACAAAGAGATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGACTCTGGGTGTTCTGTGATTGTG
TGTTTACTGTGTTTCTGCCCTTATGTTACTCTTCCAGGAGGAGCTTCAACAGCTTCATCTGTATCCTTTTTTGTCTGTTTAACTCTGCTATGCTATGCTCTA
AACCTTTGATCTATGCACTGCTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTCATAATCTCTTTACACATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGATTAGCAATCTGtaa

>contig084880-BriTARs.A016

ATGGAGATCCAGATGCATCCAGAGGCAGAGCTCTGTTTTCCAGAGCTACTGAACAGTTTCTGCAAGGAAGCCAAACACTTCACTGGTCCAAAACGGTGCTCCTGAACGT
TGGGCTTTCGTCCATCTCTCTGACTGCTGCTCTTAATCTGTTTCATCATCTCTCGGTCTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACTCCCACTAACATCATCATCTCCTCTCTC
TGCGTGTCTGCTGACTTTTTTGTCTGTTTTTGTGATGCCGGTAGAAATCTTCAAAAACACAGCCTGCTGGGTATTGGTGATCTCATGTGTTGATCTTATCTATCTGA
GCTGCATTTCTATCAATGCTTCGTTTGAATGATTATTTCTCGTATCAATTGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAAATCACTGTGCGGAGAG
TCAAACCTGTGTTTTTCTGTGTTGGTTTATGCTATTGTTGTACAAACATCATATACAAAGCATGCCCTGATAAAACCCAGGCAGGTATGGTTCCTGCTATGGAGAGTGTG
TTTTTGTGTTGATGATAATTATGGAATTTGTGACTTTGTTGTATCTCTTATAGTTTCCAGTACGATCAATCGTAGTTCTGTATACGAGAGTGTGTTGGTGGTTGTGCTCA
GGCTCGTGCCATGCGCTCTCATGTTACAGCTGTTACACTTCAGCGTCCACTGAATCAAGCAACAACTCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGAACTTGGGATCTGTGATGT
AGTTTTTCTGGCGTGCTACTGTCCATTTTACTGCTACTTTTTTCTGCAAGCAATGAAGTTAATGCTTCTCTGCATCTTCTATCCTCATTGTTTATTATTTTAACTCTTGCC
TAAACCCATTATATGATGCACTGTTTTTACCCTGGTTTAGAAATGCTGTTAAACTTATCATCACTCTGCAGATATTAAAGGCTAACAGCAGTGAGATCAACATACTAcagagat
aa

>contig084886-BriTARs.A017

ATGCAGAAAGAAGCCGAGCTCTGTTTTCCACAACCTCATCAACAGTTTCTGCAAGGAAGCCAAACACTTCACTGGTCCAAAAGCTGTGCTGCTGAACATTGTGCTGTCTGCG
ATCTCTCTGCTGACTGCTCTGCTCTTAAACCTTCTCGTTCATCATCTCAATCTCTTACTTCAAGCAGCTTCACACACCCCACTAACATCCTCCTCCTCTCTCTGCTGCTCAGA
CTTTCTCACTCAGTCTCCTTATGCTGCCACTAGAAATAATTAGAAACACGCGCTGTTGGGTACTTGGTGATCTTATGTGTTCTGTTTATACTTGTCAACCCGCTTTTT
CTGTGTTTCAACTTGAACGCTAGTTCTCATTTTCAAGTGGACCGCTATGTAGCTATTGTGACCCCTCTTCAATACCCCAACAGAAATACCGTGGCAAGAGTCAAACCTCTGTG
TTTGTCTGTGTTGGTTTTTATCAACCTTCTACGGCAGCTCTTTAAACAAAGGATGTTCTAATTAAGCCGGCCAGGTATAATTCTCTGTATGGAGAGTGTGTTTGTCAATTA
TGATATTGCAAGGTTTATTGATCTTGTGTTATCTTTTATTGTTCCAGTTTCTGTGCATCATAGTTCTGTATATGAGAGTGTGTTGGTGGCTGTGCTCAAGCTCGTGCCATG
CGCTCTCGTGTACAGCTGTCACTTCAAGCTTCAGCGTTCAAGCAATCAAGCAAGAAATCTGAACCTGAAAGCAGCCAGGAGCTCTTGGAGTTCTGTAGTTGGGTTTTCTGCAT
GTTACCTTCCATTTTACTGTTACTCTCTTATTGAAGTAAATGTGATCAATGACTCATCTACATCTTTTTCTGATCATTGTGTTGTACTTTTAACTCTGCTCAAAACCCAGTGTATG
ATGCCCTTTTTTACTCTTGGTTTAGAAATGCTGTTAAACTTATTATCACTCTGCAGATTTTTAAGCATGACACTAGTGAAGCAACATGttttaa

>contig084887-BriTARs.A018

ATGGAGATACCGAAAGGAGTCGAGCTCTGTTTTCCACAACCTCCTCAACAGCTCCTGCAAGGAAGCCGACACTTCACTGGTCCAAAAGCTGTGCTCCTGAACATTGTGCT
CTCATGTATCTCTCTGCTCACTGCTGCTCTAAACCTTCTCGTTCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTGCACACACCCAGTAAATTCCTCTCCTCTCTCTGGCC
GTCTCAGCACTTTTTTGTGGGCTCCTGTTGTTGGCTTTTTAGAAATTTTAGAAACACAGCAGCTGCTGGGTACTTGGTGATCTTATGTGTTCTGTTTATGTTTGTACCACTGCTCAGA
CAACATTATCTGTGCTCAATAGGGAACATGTTTCTAATATCAGTTGACCGCTATGTAGCTATTGTGACCCCTCTTCAATACCCCAACAGAAATACCGTGGCAAGAGTCAAACCTCTGTG
ACTCAGTGTGTTGCTGTGTTGGTTTTATGCTTTTTTCTACAGCAACTCTTTATACAGCAATCTTTATACAAAGGAATCATGATTGAACCAAGCAGGTATAATTCTGTTTGGAGAGTGTAAITTT
TTAGCAGCAATATTGCTATTGTGTTGACCTTATTTTATCTTTTTTGTCCAGTAACTGTTATCATAGTCTTGTATATGAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAAGCTCGT
GCCATGCGCTCTCATGTTACAGCTCTCACTCTCAGCGTTCACTGAATCAACCAACAACTCTGAGCTGAAAGCAGCCAGGAGCTCTGGGATTTCTGTAGTTGTGTTTCT
TAGCATGCTTCTCTCCACTCATCTGACTCTCTTGTGATGAAAGTCAATCATGCTCAGCTGCATCTTTTTGTTGGTCAITATCTTTTACATTAACCTCTTGCTCAAAACCTT
TTGATCTATGCCTGTTTTTACCCTCGGTTTAGAAACGCTGTTAAACTTATCATCACGTTGGAGATCTTCAAGTATGACACAAggtggcgcaacatcgtgaa

>contig086337-BriTARs.A019

ATGGAGGAAGAACTGAACCTCTGCTTTCCAAAACCTCCTTAATATCTCCTGCAAGGAGCCAAAGCGTCTCACTTTGAGATCATGCTGACTTACATTCTGCTCTCCTTCACTTC
TTTGCTTACTGTGATTCTTGAACCTGTGGTCAATTATCTCCATCTCACTTCAAGCAGCTGCACACCCCAACCACTCCTCCTCTCTCTGCGTGTGCTGATTTCT
TTGTAGGTTTCTTATGTTCTTTCAAATAGTCTCATCGATGGATGCTGGTTCTCCTCGGTGACATCATGTGCACCTCTGTATCAGTATCTAGCAATTCATTATTACTTCAAGCTC
AATAGGAACCATGGTGATCATATCTGCTGATAGGTAATTTGGCTATTGTTTACCCTCTGCATTACTCTACCAAAATCAGACAAACAAAGAAATTAATATATGATAAGTTTGTGTT
GGTTTTTTTTCTGTAATCTTTAGAGTTTTCAGAGTTTGATTGTGAAGGATACTTGAACCAACAGGAAGTCTGCTGCATTGGAGAGTGTGCTCTTGTGTTGGAGAGTGTGCTG
GGATTTTGTATCTTTGTTTCTTCTCAATTGTTCCCACTACTGTGATTGTAGTTCTGTATCTGAGAGTGTGTTGGTGGCTGTGACTCAGGCTCGTGCCATGAGGTGTGCA
CTTGCACTCACTACCAAGCATGATTACAGTAAGTGTATGAATCGGAGCTGGAAGCAGCCGTAAGTCTTGGTGTGTTGTTGTAGTTGTTGTTTATGATGTATGTCGCC
ATATTACTGCGTTGCTCTCAGAGGCAAGATAACTTCTAAATGCTTTCATCTGCTGCCTTTGTAAATGTTTGGTGTACTTTAACTCTTGCTCAAAACCTTATCATTTATGTCT
TTTTTTATCCCTGGTTCAGAAAGTCAATCAAACTTATTGCTACTCTTCAAATATGCAAGCTGACTCCTGTGAGACTAACATGCATtaa

>contig086344-BriTARs.A020

ATGGGAAGAACTGAACCTCTGCTTTCCACAACCTATTCAACTCCTCTTGTGTGCGGCAAAAGCATTCACAAAATGAGGCTGTGTTTCTTACACTCCAAGTGTCTTCCATCTC
TGTGCTTACTACAATTTCTGAACCTGTGTTGTGATCATCTCCATCGCTCACTTCAAGCAGCTGCACACCCCAACCACTCCTCCTCTCTCTGCGTGTGCTGATTTCT
TTCGTGGGCTCATCATGGCTGTGCAGATAGTCTCTAGATGCTGCTGAGTTTCTTGGTGACCAATGTGTGCTCTGTATACCACTTTAGATTACATTTGACTTCTGCTGCT
TCAGTAGGAACATATGGTATTTCATATCAGTGAACCGCTATGTAGCCATGTGACCTCTGCATTATCCCAACGAAATTAATAAAGAAATCTCAGTCTGCTATTGTACTT
GCTGGGCTTGTCAATTCTGTATAACAGTCTTATCATGAAGGATAATTTCAAGCAGCCAGGAGGTATAATTCTGTTCTGGTGATTGTGCAAGTGTGCAATTGATTACTTTG
TGGAAATTTGTGACTTTGTTTGGACCTTTGTGCGGCCCTGTGATTGTCAATCATAGTTCTGTATCTAAGAGTATTGTGGTGGCTGTGCTCAGGCTGGGCAATGCGCTCT
CATATCACTGCTCTCAGACTCGAGGGGTGAGAGCAGTGCATGCTAAGAAATCTGAGCTGAAAGCTGCCAGGACTCTGGGTGACTGTTGTTATGCTTTCTGATATGTC
TTTTCCCATTTTTCTGTTTCTCAATGGTAGGCCAGATAGTTTCTTGTATATAGATCTGATCCTTTTGAAGCGTTGCTGTTCTACTTTTAACTCTTGTCTGAACCCATTAACT
TACACTTTTTGCTACCCCTGGTTTCTGAAATCTTCAAGCTCAITGTGACATTTAAGATAATTGAGCAGTGGTTCCAGTGAGGCCAGTACTACTatag

>contig086351-BriTARs.A021

ATGGCAGAAACTGAACCTCTGCTTTCCAAAATCTCAACTCCTCCTGCAAGTAGAGTAAAGCGTTCTCCCTCGGAGTCAGTGTCTATTATTATGTGATTCTAACACTCATTTTCTCT
CTTACTGTGGCTCTAAACCTGCTGGTGCATCATCTCCATCTCCCACTTCAAGCAGCTCCACACCCCTACAACACTACCTCCTCCTCTCCTCGGCAGTCTCTGATTCTTTGT
GGGTTTCAATATGTGCTTTCAAAGTATGCTCATAGATGGTTGTGTTGATCTTGGTGACCTCATGTGTGCTTGTATTATGTTTTCAGAGATAGTTGTACTTCTGCTCAGTGA
GGAACCATGGTGCTCATTTTCAAGTGTGACCGTTATGTGGCCATTTGTGATCCTCTTCAATTACCCCAAGTCACTCCAAAAGAGTTCAGACCTGCTGTTTAAATATGTTG
GATTGCTCGCTCCTAGTAGTCGGTGTGCTATTGAAGGATAACCTGGATAAACAGGTAGGTTTAAATCCTGCTTTGGAGAGTGTGTGATTATATTGACTTTGCAATACA
AGTTACCGATCTTATTTTTCAACTACTCCTTCCCATTAAGTGTGCTGATCGTAAATTTTGTATGAAGAGTATTGCTGTGGCCGTGTTTCAGATTTCGGCCATGCAACATCATGTT
GCAGCTGGCACACAGAGGGGGGAAAGTAAAGTCCAAAAAATCTGAACCTGAAGAGCAGTAGGACTTCTGGCATTGTATTGTTGCAATTTCTGATATGCCATTCCCATATTA
CTGTGTAATACTCTCAGGCGAGGACACACTGCTGATATTTATCCTTGCCTTTTTTATGTTTGTATTTTAAATCCTTTCTCAACCCATCATCTATGCCCTTTTCTA
CCATGGTTTAGAAAATCTGTAAGTATTGTGTTTACATTTCAAATAGTCAAACTTGGCTGCTCAGTATGCCAGCATGCTGtag

>contig082565-BriTARs.A022

ATGGATACTCAGGATGGAGCAGAGCTCTGCTTTCCACAACCTTTCAACATCTCCTGCAAGAAACCTACAACCTCCTCTGTCTCAAGTTTTGCTCATTATACTGTTGTGTC
CTCAATGTCTCTGCTGACTGTGACTCTCAACCTGCTCGTTCATCATCTCAGTCTCCCACTTCAGGCAGCTCCACACACCCCACTAACATCCTGTGCTCCTTCTGCTGGCTGTC
ACTGACTTCTGCTGGTCTGTTGTTTATGCTGGAGAAATCTGCGAAATACAGCGTGTGGTTTCTTGGTCAAGTCTACATGTCTGATTAATGATGCTATGCTACATCT
ATTGCCCTTGCCCTCAGTGGGCAACATGGTGTGATATCAGTCGACCGCTATGTGGCTATTGTGACCCCTCTGCATTACCCCAACAGAAATCAGACAGAGAAGAGTGA
CTCTGCGCTGTCTGTGTTGGCTCTGCTCTGTTTTCTACAGCTATGTGATTATTAAGATAGTCTAAGTCAACCAAGGCAAGCAATAATTTGTTGATGGAAATGTATAATTT
TCATTGAATTCATTGCAAGATTGTTGACCTGTTTATGCTTTTATTTTCACTTATGCTTCATCATCTGTTGTTGTTATGAGAGTATTGTGTTGCTGTTGTTGCTGCTCAGGCCG
TGCCATGCGCTCTCAGGTTACAGCTGTCACTGTCAGCTCTCAGTGAAGTCTAACAGCAAGAAATCAGAGTTAAAGCAGCCAGGAGACTCTGGGTGTTCTGTTCTGTTGT
GTTTCTATTATGTTTCTGCTCATATTACATTTTCACTTTTTGGAAACAGATTGCTGCTCAAGACTCATCTGCATCGAATTGTGATCTTGTACTTGTAACTCTGCTGCTCAAA
CCCTTGTATTATGCTATGTTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGCTGTGAAACTAATTTGTGACTCTACAGATACTGCAGCCTGGCTCCTGTGAGGTGACGATACTGtag

>contig029634-BriTARs.A023

ATGGATAGCTCTGGAGGTCTCCCTCTGCTTTCCCAACCTCAACTCCTCCTGCAAGCGGCTGCTGCGACCCACCTCCAGACCGTGTGTTCTCTACACCTGCTGGC
CTCCATCTCCCTGCTCACTGTGGTGTCAACCTGCTTGTGCTGCTCTCCATCTCCCACTTCAGACAGCTTAACACCTCGACCAACACCCCTGCTCCTGTCCCTGGCTGT
GTCTGACCTGCTGGTGGGCTGCTGGGTATGCCATGCCATGGAGCCGCTG

>contig084878-BriTARs.A024

ATGATGGAGAACAGGACAGTATATGGTTTCCAGAAGCTTTCAACTCTTCTGCAAGAGACAGCAGCTTCACTGGTCTGAAGCTGTGCGCCCTGAATACCCCTGCTGTGC
TCCATCTCTGTAATCACCATAAGCTCTGAACCTCCTTGTGATCATCTCAGTCTCCTACTTCAGGCAGATT

>contig011701-BriTARs.A027

CTTGGAGCAACTGCCAGTAAGATGGAGAAAAAGGCCACCAAGACTCTAGCTATTGTTATAGAGGTTTTTCTCTTATGTTGGACTCCTTACTTTCTTGTATTATCTTTTCAG

CCTATAACATATAATGAAACACCAATTGCAGTTATTGAAACACTTAACTGGCTTACATTGTCAAATTC AATGCTAAATCCATTCA TTATGCTTTCTTTTATAGCTGGTTCAGG
TCAGCTTTTACAAACAATTATTTCTGGAAAAATATTTCAAAGTGATTGA

TetraodonTAAR gene sequences

>TETRENSTNIP2491

ATGGATAGCAACGGGGACCCCTTGGCTCTGCTTCGCCAACCTTAACTCCTCCTGCAAGAGG
CTGAACCAAACCTTCTCTGAAACCGCTGTGCTGAACAGCCTGCTGGCCTCGATCTCCCTG
GTCACCGTACACTCAACCTTCTCGTCATCGTCTCTATTTCTCACTTTAGGCAGCTGCAC
ACACCCACCAACGCCCTGCTCCTCTCTCTGGCTGTGTCGGATCTGCTGGTGGCCCTGCTG
GTGATGCCGATCGAGGGCCTGCGCTACGTGGAACATGCTGGTTGCTGGGGAGTCTGATG
TGTGCTCTGACTCCTTATGTGTCTACTCTGTACTTTCTGCGTCTGTTGGCAACATGGTG
CTCATTTCATAGACCGTTACCTGGCTATCTGTGACCCACTGCTCTATTCCAATAAGGTG
ACTCTGAAAGAGGCCAAAATTGCAATCTGTGTCTGTTGGGCCGGTTCTCTTTCTATAAC
GGATGTATTCTGATCGGCCACCTCAAACATCCAGACAGGTACAGTTCTTGTACGGAGAG
TGTGTGGTTCTGATCGACCACATCTCTGGAACCTGCTGATCTGTTCAATTACAGTTGTTTT
CCCTGTACCATCATGGTGTGATGTACATGAGAGTGTTCGAGCTGCTGTTGCTCAAAATG
CGAGTCATTCTGTTTGAGAAGCCGCCGTGCTGTGAACGCAGCGACCCAGCTGAAAAAA
TCAGAGTGGAAAGCAGCCAGAATCTGGGGATTGTGATCGCTGTGTATCTAATGTGTTTT
TGTCCCTATTACTATCCAGCTCTTTGAGGTGGAGACACCTCAAACAGCTTGTCTACTTT
GCTGCTTTGTCTTTGGATAATGATGATTAATTCTTGTGTGAACCCCTCTGATTTATGCTCTG
TTCTATCCCTGGTTCAGGAGATCCATCAAACCTCATCATCACACTCAGGATACTGCGTTCA
TACTCCAGCGAGATCAAGATCATTTAA

>TETRENSTNIP3943

ATGGATAGCAACGGGGACCCCTTGGCTCTGCTTCGCCAACCTTAACTCCTCCTGCAAGAGG
CTGAACCGCAACCTTCTCTGAAACCGCTGTGCTGAACAGCCTGCTGGCCTCGATCTCCCTG
GTCACCGTCACACTCAACCTTCTCGTCATCGTCTCTATTTCTCACTTTAGGCAGCTGCAC
ACACCCACCAACGCCCTGCTCCTCTCTCTGGCTGTGTCGGATCTGCTGGTGGCCCTGCTG
GTGATGCCGATCGAGGGCCTGCGCTACGTGGAATGTGCTGGCGGTTAGGAAAGCTGATG
TGTGTTCTGGCTCCTTATGTGTCTACTCTGTACTTTCTGCGTCTGTGGCAACATGGTG
CTCATTTCATAGACCGTTACCTGGCTATCTGTGACCCACTGCTCTATTCCAATAAGGTG
ACTCTGAAAGAGGCCAAAATTGCAGTCTGTGTCTGTTGGGCCGGTTCTGTACTCCACAAC
GGATGTATTCTGATCGGCCACCTCAAACATCCAGAAGGTACAGTTCTTGTACCGGAGAG
TGCCTGGTTGTGATCGACCACATCTCTGGAACCTGTTGATCTGTTTATAACCTTTTTTGCA
CCTTGTACCATCATGGTTGTGATGTACATGAGAGTGTTGTCAGCTGCTGTTGCTCAAAATG
CGAGTCATTCTGTTTGAGAAGCCGCCGTGCTGTGAACACAGCTACCACCGTGAAAAAA
TCAGAGTGGAAAGCAGCCAGAATCTGGGGATTGTGGTCAGTGTGTTTCTAATGTGTTTT
TGTCCCTATTACTATCCAGCTTTTCGAGGTGAAGACACCTCAAACAACCTCATCCTACTTT
GCTGCTTTGGTTTGGATAATGATGATTAATTCTCTGTATGAACCCCTCTGATTTATGCTCTG
TTCTATCCCTGGTTCAGGAGATCCATCAAACCTCATCATCACACTCAGGATACTGCGTTCA
TACTCCA

>TETRENSTNIP3225

ATGGAGCCAGTCTTCTGTTTGGAGAAGAACATTTCTGTGTAAAGACCGTCTATCCGCTG
CCCTTTCTGTGTCATCCTTTACATGGTTTTAGGGGTCATGGTCATTGTGACTGTGTGTGGA
AACCTTTTGGTCACCTGTTTCTATCATCTATTTTAAGCAGCTCCACACTCCAACAACACTAC
CTGTTGGTCTCTCTGTGCTGTGCTGACCTTTTCTTGGGGTTGTTGGTCATGTTACCCAAAT
ATGATTCAGTCACTAGTAGAAACTTGTCTGGTATTTTGGAGACATCTTGTGCAAAAGTCTATTG
AGTATCGGTGTGATGTTGTGCACAGCATCCATAAATTAATCTGTCTTTAATATCAATTGAT
CGGTACAATGTGGTGATCCATCCTTTACGTTATAGAAGAAAAATGTCTGGTAATGTTATT
TTGTTAATGATTTCTTTTCAGCTGGGGTGTTCAGGTGTGTAGGTTTGGAAATGATTTTT
TTCCGACTGAATATTTTGGGAATTGAAGATTTCTACAACCTCTGTGCATGTGAAGGAAGA
TGATATTTTTTGCAGAGTGGTATGTCAAGTACAGTCTCGTCAGTGCTCTCCTTTTATATT
CCAGGAATAAATAATGATCAGTTTATACCTGAAGATTTTCATTGTGGCAAAGAGACAATTC
CTCAGCATTCAGAATAACAACCTGCATGGCATCAGCCAGAGATTCAAATAAAAAACAGACA
AAAGCCACTAAAACGCTTGTGTGATCATGGGAGCATTTCTTTATGCTGGGCTCCGTTT
TTTGTCTGTAAATATAATTCATCCCTTTATCAGCTACTCGACACCAGCTGCATTTGTTTGAA
ACTTTTTTATGGGCAGGTTATATTAATTCTACACTGAACCCATCATTTATGCCTTTTTT
TACACCTGGTTTAGAAAAGCATCCGCTCTTTTCGCTCTCAGTAAGATCTTTAAAGATGAT
ATGTCAAAACATTACGCTTTTC

>TETRENSTNIP1455

ATGGAGCCAGTCTTCTGTTATGAATCTAAGAACATTTCTGTGTAAAGACCGTCTATCCG
CTGCCCATACGTGTATCCTTTACATGGTTCTAGGGGTCATGGTTGTTGTGACTGTGTGT
GGAAACCTTTTGGTCACGTGTTCTATCATCTATTTTAAGCAGCTCCACACTCCAACCAAC
TACCTGTTGGTCTCTCTTGTGCTGTCTGACTTTCTCCTGGGGTCTTTGTCTATGTTACCC
AGTATGATTCAGTTGGTAGAGACTTGTCTGGTATTTTGGTGATATCTTGTGTAAAGTCCAT
TTGAGTTTTTGTCTGAATGTTGTGCACAGCATCCATAAATTAATCTGTCTACAATATCAATT
GACCGATACAATGCGGTGATCCATCCTCTACTGTACAGAAGAAAAATGCTGTTAATGTT
GTTTTCTCTATGATTTTTTTCAGCTGGAGTGTTTCAGGTGTTGTAGGTTTGGAAATGATT
TTTTTAAGACTGAACATTTTAGGAATTGAAGATTTCTACAACAACTTTGTGTCATGTGAA
GGAAGATGTGTTTTGTACAGAGTGGTCTGTCAAGTACAGTCTCGTCAGTGCTCTCCTTT
TATATTCCAGGAATAATCATGATCAGTTTATACCTGAAGATTTCTTTGTGGCAAAGAGA
CAATTCCTCAGCATTCAGAAATACAAGCAGCATGACATCAGCCAGAGATTCAAATAAAAAA
CAGGCAAAAGCCACTAAAACCTCTGTTGTGATCATGGGAGCGTTCTTTTATGCTGGGCT
CCATTTTTTCTGTAAACATCATTGATCCTTACATCAGCTACTCAACACCAGCTGCATTG
ATTGAAAACATTCCTATGGTAGGTATATTAATTCTACACTAAACCCCTCTATTATGCA
TTTTTTTACACCTGGTTTCGAAAAGCGTTTTGCTGTTTCGCTCAGGAAAGGCTCTTTAAAG
GAGGATATGTCAAAACATTTCCCTTTTACTGAT

>TETRENSTNIP7922

ATGGAGCCAGTCTTCTGTGTGAATCTAAGAACATTTCTGTGTAAAGACCGTCTATCCCA
CTGCCCTTTCGTGTATCCTTTACATGGTTCTAGGGGTCACGGTTAATTGTGACTGTGTGT
GGAAACCTTTTGGTCACGTGTTCTATCATCTATTTTAAGCAGCTCCACACTCCAACCAAC
TACCTGTTGGTCTCTCTTGTGCTGTCTGACTTTCTCCTGGGGTCTTGGTCTATGTTACCC
GATATGATTCAGTTGGCAGAGACTTGTCTGGTATTTTGGGAGACATTTTGTGCAAAGTCCAT
TTGAGTTTTTGTCTGAATGTTGTGCACAGCATCCATAAATTAATCTGTCTTAATATCAATT
GATCGATACAATGCGGTGATTCATCTCTACTGTACAGAAGAAAAATGACTGTTAATGTT

GTTTTGCATGATTTTTGTGACGTGGAGTATTTAGGTGTTAGGTTTTGGAATGATT
TTTTTCAGGCTGAATATTTGGGAATTGAAGATTTCTACAAGGACTTTGTGTCATGTGAA
GGAAGATGATATTTGTTTCAAAGTGGTATGTCAAGCACAGTCTCGTCAGTGCTCTCCTTT
TATATTTCCAGGAATAATCATGATTTGTGTATACCTGAAGATTTTCTTTGTGGCAAAGAGA
CAATTCCCTCAGCATTCAGAATACAACCTGCATGACATCAGCACGAATTTCAAAATAAAAA
CAGACAAAAGCCACTAAAACCTCTTGTGTGATCATGGGAGCGTTTCTTTATGCTGGGCT
CCATTTTTTCTCTGTAATGTCAATTGATCCTTTCATCAGCTACTCAACACCAGTCGATTG
ATGAAAACATTTGGATGGGTGGGCTTTAATTAATCTACACTAAACCCCTCATTTATGCG
TTTTTTTACACCTGGCTCAGAAAGGCTTTTGCTGTGCTTCAGGGAAGGCTCTTTAAAG
GAGGATATGTCAAACATTACCCTTTTCACTGAA

>TETRENSTNIP7160
ATGGAGCCAGTCTTCTGTTATGAGTCCAAGAACTTTTCTGTGTAAAGACCGTCTATCCA
CTGCCCATTCGTGTACATCCTTTACATGATTTTCGGGGTCATTGTCAATTGTGACTGTGTGT
GGAACCTTTTGGTCACGTGTTTCTATCATCTATTTTAAGCAGCTCCACACTCCAACCAAC
TACCTGTTGGCTCTCTTGTGTGTCTGACTTTCTCTGGGGTCTTGGTCATGTTACCC
GATATGATTCAAGTGGTAGAGACTTGCTGGTATTTTGAGACATCTTGTGCAAAGTCCAT
TTGAGTTTTGCTGTGATGTTGTGCACAACATCCATAATTAATCTGCTTTAATATCAATT
GATCGATACAATGAGTATCCATCCTCTACTGTATAGAAGAAAAATGTCTGGTCATGTT
GTTTGTGCTGATGATTTTTTCAGCTGGAGTGTTCAGGTGTGTAGGTTTTGGAATGATT
TTTTTCAGACTGAATATTTTGGGAATTGAAGATTTCTACAACCTTTGTTGCATGTGAAGGA
AGATGTGTTTTTTCAGAGTGGTATGTCAAGTACCCCTCTCGTCAGTCTCTCCTTTTAT
ATTCAGGAATAAATAATGATCAATTTATACCTGAAGATTTCTTTGTGGCAAAGAGACAA
TTCCTCAGCATTCACAATACAACCTGCATGACATCAGCACAAATTTCAAAATAACAACAG
GCAAAAGCCACTAAAACCTCTTGTGTGATCATGGGAGTGTTCCTTTATGCTGGGCTCCA
TTTTTTCTCTGTAAACATCATGATCCTTTCATTAGCTACTCAACACCAGTCGACTGTTT
AAAACAATTTTATGGGAGGCTTTTTAATCTACACTGAACCCCTATCATTTATGCATTT
TTTTACACCTGGTTTAGAAAGGCATTTCATCTGTTTGCTTCAGGCAAGGCTCTTTAAAGAT
GATATGTCAAACACTAGCCTTTTCGTGAA

>TETRENSTNIP3518
ATGGAGCCAGTCTTCTGTTTCGAGAAGAACATTTCTGTGTAAAGACCGTCTATCCGCTG
CCCTTCTGTGTCATTCTTTACATGGTCTAGGGGTTCATGGTCTGTGACTGTGTGTGGA
AACCTTTTGGTCACGTGTTTCTATCATCTATTTTAAGCAGCTCCACACTCCAACCAACTAC
CTGTGGTCTCTCTTGTGTGTCTGACTTTCTCTGGGGTCTTGGTCATGTTACCTGAT
GTGATTCAGTCGGTAGAACTTGTCTGGTATTTTGGAGACATCTTGTGCAAAGTCCATTG
AGTTCTGATGTGATGTTGTGCACAGCATCCATAATGAATCTGCTTTAATAGCAATTGAT
CGATACAATGCGGTGATCCATCCTCTAGTGTATAGAAGAAAAATGTCTGGTCATGTTGTT
TTGCTGATGATTTTTTCAGCTGGAGTGTTCAGGTGTGTAGGTTTTGGAATGATTTTTT
TTCAGGCTAAAACATTTTGGAACTGAAGATTTCTACAACACTTTGTTGCATGTGAAGGA
AAATGCTTTTTATTTCAAAGAGGTTTGTGAGGTACAGCTTGTGAGTCTCTCCTTTTAT
ATTCAGGAATAAATAATGATCAGTGTATACCTGAAGATTTCTTTGTGGCAAAGAAACAA
TTCCTCAGCATTCAGAATAACAACCTGCATGACATCAGCCAGAGATTCAGATAAAAAACAG
GCAAAAGCCACTAAAACCTCTTGTGTGATCATGGGAGCATTTCTTTTATGCTGGGCTCCA
TTTTTTCTCTGTACATCATGATCCTCTCATCAGCTACTCAACACCAGTCGAATGTGTT
GAAACATTTGTATGGCTAGGTTATATTAATCTACACTAAACCCCTCATTTATGCATTT
TCTTACACATGGTTTAGAAAGGCTTTTCGCTGTTTGCTTCAGGAAAGGCTCTTTAAAGCA
GGATATGTCAAACATTTCCCTTTTACCTATTAATGGC

>TETRENSTNIP7161
ATGGAGCCAGTCTTCTGTTTGAATCTAAGAACATTTCTGTGTAAAGACCGTCTATCCA
CTGCCCTTTCGTGTACATCCTTTACATGGTCTAGGGGTTCAGGTTATTGTGACTGTGTGT
GGAACCTTTTGGTCACGTGTTTCTATCATCTATTTTAAGCAGCTCCACACTCCAACCAAC
TACCTGTTGGTCTCTCTTGTGTGTCTGACTTTCTCTGGGGTCTTGGTCATGTTACCC
GATATGATTCAAGTGGCAGAGACTTGCTGGTATTTTGGAGACATTTTGTGCAAAGTCCAT
TTGAGTTTTTGTGTAATGTTGTGCACAGCATCCATAATTAATCTGCTTTAATATCAATT
GATCGATACAATGCGGTGATTCATCCTCTACTGTACAGAAGAAAAATGACTGTGAATGTT
GTTTGTGCTGATGATTTTTGTGACGTGGAGTATTTTCAAGGTGTTGTAGGTTTTTGAATGATT
TTTTTCAGGCTGAATATTTTGGGAATTGAAGATTTCTACAAGGACTTTGTGTCATGTGAA
GGAAGATGATATTTGTTTCAAAGTGGTATGTCAAGCACAGTCTCGTCAGTGCTCTCCTTT
TATATTTCCAGGAATAATCATGATTTGTGTATACCTGAAGATTTTCTTTGTGGCAAAGAGA
CAATTCCCTCAGCATTCAGAATAACAACCTGCATGACATCAGCACGAATTTCAAAATAAAAA
CAGACAAAAGCCACTAAAACCTCTTGTGTGATCATGGGAGCGTTTCTTTTATGCTGGGCT
CCATTTTTTCTCTGTAATGTCAATTGATCCTTTCATCAGCTACTCAACACCAGTCGATTG
ATGAAAACATTTGGATGGGTGGGCTTTAATTAATCTACACTAAACCCCTCATTTATGCG
TTTTTTTACACCTGGCTCAGAAAGGCTTTTGCTGTTTGCTTCAGGAAAGGCTCTTTAAAGCA
GAGGATATGTCAAACATTTACCTTTTCACTGAA

>TETRENSTNIP7869
ATGGTTTTAGGGTCATGGTCATTGTGACTGTGTGTGAAACCTTTTGGTCACTGTTTCT
ATCATCTATTTTAAGCAGCTCCACACTCCAACCAACTACCTGTGGTCTCTCTGTGTGT
TCTGACTTTCTCTGGGGTCTTGGTCTATGTTACCCAATATGATTCAAGTGGTGGAGACT
TGCTGGTATTTTGGGACATCTTGTGCAAAAGTCTATATGAGTCTCGATGTGATGTTGTGTC
ACAGCATCCATAATTAATCTGCTTTAATATCAATTGATCGATACAATGCGGTGATTTCAT
CCTCTGCTGTATAGAAGAAAAATGTCTGGTCATGTTGTTTGTGCTCATGATTCTTTTCAGC
TGGAGTGTTCAGGTGTTGTAGGTTTGGACAGATTTTTTAAGGCTGAACATTTTGGGA
ATTGAAGATTTCTACACAACACTTGTGTCATGTGAAGGAAGATGTGTTTTGTATACAAAGT
GGTCCGTCAGTACAGTCTGCTCAGTGTCTCTCTTTTATATCCAGGAATAATAATGATC
AGTTTATACCTGAAGATTTTCTTTGTGGCAAAGAGACAATTACTTAGCATTCAGAATACA
ACCTGCATGACATCAGCCAGAGATTGAGATAAAAAACAGGCAAAAGCCACTAAAACCTCT
GTTGTGATCATGGGAGTATTTCTTTTATGCTGGGCTCCGTTTTTTCTCTGTAACATCAT
GATCCTTTTCATCAGCTACTCAACCAACTGCATGTTTGAACATTTTATATGGCTAGGT
TATATTAATCTACACTAAACCCCTCATTTATGATTTTATACACTGGTTTAGAAAG
GCATTTGCTGTGTTGCTTCAGGAAAGTCTTTAAAGAGGATATGTCAAACATTTCCCTT
TTTACTGAT

>TETRENSTNIP216
ATGGATAGCAACGGGACCTTGCTCTGCTTCGCCAACCTTAACTCCTCTGCAAGAGG
CTGAACCGAACCTTCTCTGAAACCGCTGTGCTGAACGCTGTGCGGCTCGATCTCCCTG
GTCACCGTCACACTCAACCTTCTGTCATCGTCTCTATTTCTCACTTTAGGCGAGTCGAC
ACACCCACCAACGCTCTGCTCTCTCTGCTGTGTCGGATCTGCTGGTGGGCTGTCTG
GTGATGCCGATCGAGGCTGCGCTACGTGGAATGTGCTGGCGTTAGGAAGCTGATG
TGTGTTCTGGCTCCTTATGTGCTCTACTCTGTACTTTCTGCGTCTGTTGGCAACATGGTG
CTCATTTCCATAGACCGTTACCTGGCTATCTGTGACCCATGCTCTATTTCCAATAAGGTG
ACTCTGAAAGAGGCCAAAATTGAGTCTGTGCTGTGTTGGGCGGTTCTGTACTCCAACAC
GGATGTATTTGATCGGCCACCTCAAACATCCAGAAAGGTACAGTTCTGTGTCAGGAGAG
TGGTGGTGTGATCGACCACTCTCGAACTGTTGATCTGTTTATAACCTTTTTGCA
CCTTGTACCATCATGGTTGTGATGTACATGAGAGTGTGTGAGTCTGTTGTCTCAAAATG
CGAGTCATTCGTTTGCAGAACGCGCCGCTGCTGTGAACACAGCTACACCCGTGAAAAA
TCAGAGTGGAAAGCAGCCAGAACTCTGGGATTTGGTTCAGTGTGTTTCAATGTGTTT
TGTCCTATTAATACTACAGCTTTTCGAGGTGAAGACCTCAAACAACCTCATCTACTTT

GCTGCTTTGGTTTGGATAATGATGATTAATTCCTGTATGAACCTCTGATTTATGCTCTG
TTCTATCCCTGGTTCAGGAGATCCATCAAACCTCATCATCACACTCAGGATACTGCGTTCA
TACTCC

>Chr1-Tetra.TARs.006

ATGAGATATACACTCTGTGTGCTGTTATTGTTTAATAATGATTCAACATGTGTAAATAAGTTGCTTCAAAACTGAAGGCAGTCAATGTGTGGTTATTTTTTTTTTAATTGCAGTTAATTGTC
TTTTAAAGATATCAAGAACGTTTTCTCTCTCAGGCACTTTCAGACCACCACCAATCTCATCTGCTCTCCATGGCTGTGCTGATTTCTGGTGGGTCTTGCTGTGATGCCGCTGATGATCGT
CACCTGGATTCTGTGCGAGGCACCAAGTACAGTTGTGTCTATCTTTATCACCTGTTTAGCTTTATTTCTCACCTCTGCTTCTGTGGGAACATGGTGCTGATATCAGTCGATCGTTACGTGGCC
ATCTGTTACCTCTGCGTTATCTCTCCATCAAACCAAACAGAGTTAAATCTGTGTCTCTGTGTTGGATCAGCTCTGTTATCTACAATTTATACTTCTGAATGATTACCTTTCACAACCTG
ATTTTACAAGTCTCTGCTACAAAAATGTATCCTTTACATTGATTATATTTTAGTTATTGTGTGATGTAGTTATCACGTTTTGTGTCCCTCTCACTGTGATTATAGTTCTGTACAGCAGAGTGT
TGTGGTGGCGCTCACACAGGCCGTGCCATGAGGGCTCAGGTTTCAACCATCAGCTCACAAAGTGTGAGTGCAATGAAATCAGAGATGAGAGCTGTAGAACACTCGGAATCATCATCTCTTT
TTCCTGATGTCCTTTTTCCCATATTACATTTCTTCTTTAACAGGGCAAGGTTTAAAGTGATGAAGCTTTAACAGGACAACCTTTACTGTTCTTTTGTAAATCTACAATCAATCCTATCATCTATG
CGTTTTTCTACCCCTGGTTTAGAAAAGTTTAAAAAGTCTTGTCAGTGGCAAATACTGTGGACTGTAA

>Chr1-Tetra.TARs.002

ATGGTGATGTTGCTGGAAGATGGCTGCATCTCTCCGTTCAACACCTCCTGCAGATTATGTCTGGTTCTTGGAAGTCCACACTCACCAGTGCAGCTCTGTTCTGCCTTT
CTCCGCTGACTGTGGTGTGAATTTACTGGTTGTTTTCTCTATTTCTCATGTGAGGCACCTTCAGACCACCACCAATCTCATCTGCTCTCCATGGCTGTGTCTGACCTT
CTGGTGGGCTTGCTGTGATGCCGCTCATCATCGTCACCTGGATTCTGTCAAGGCACCAGTACATTTGAATGCTATCTTTATCAGCTGTTAGGCCTAATTCTCACCTC
TGCTTCTGTTGGGAACATGGTGCTGATATCAGTCGATCGTTACGTGGCCATCTGTTACCCTCTGCGTTATCTCTCCATCAAACCAAACAGAGTTAAACTCTGTGTGCTC
TGTGCTGGATCTGTTCTGTTATCTACAGTTTTATACCTTATGAAAAGATAGCCTTTCACCTATTGATTTTTCTGTTACTTGCTACAAAAATGATTTCTTTTATAAACTTCATTTT
AGTGATTGTGGATGTAGTTATCACGTTTTATGTTCTCTTACTGTGATTATAGTTCTGTATAGCAGAGTGTTTGTGGTGGCCGTCACACAGGCCCGTGCCATGAGGGCTC
AGGTTTCAACCATCAGTTACAAAAGTGTGAGTGCAATGAAATCAGAGATGAGAGCTGCTCGAACACTCGGAATCATCGTTCTCTTTTCCCTGATGTCCTTTCTCCCATAT
TACATTTCTTATTTAACGGGGCACAGTACAGATACCGAATCTGTAGCAAACCAACTGATACTGTTCTGTTGTAATCTACAATAAATCCTATCATCTATGCCTTTTTCTACCC
CTGGTTTAGAAACAATGTAAAAGTCATTATCAGTGGCAAAGTTTTTGGACTGTAA

Cichlid TAAR sequences

>contig007512-TiTAARs.A024

MMEETELCFPKLLNISCRRPKRPHFEIMLTYYILLSFISLLTVILNLLVIISISH**FR**QLHTPTNLLLLSLAVADFFVGLLMFFQIVLIDGCWFLGDMICTLYQYLAFIITSASIGTMVII
SADRYLAICYPLHYSTKITQQRVKICICLCWVFSVIFQSLIVKDNLKKQPGKYNSCIGECVFNVNIAGLFDLLFSFIVPITVIVLYLRVFAVAVSQAHAMRCQHAVHTHQRAVTV
TVTKSELKAARTLGVVVVFLICMCPYYCVALTGQDNFLNASSAAFVICLVFNNSCVNPIIYVFFYPWFRKSIKLIATLQILQPDSHETNMHx

>contig007520-TiTAARs.A025

MEMFEETELCFPQLLNFSCKRPMQPHSVSILIYALSSISLLTVTLNLLVIISISH**FK**KLHTPTNLLLLSLAVSDCLVGLLMLFQIMIIDGCWFLGEFMCMSMYFLLDYIITSASVG
TMVLISIDRYVAICYPLHYSTKVTPKRTKACVYLCWICSSVFQCLVLKDNLVQPGRYNSCYGECVVVVGHAFGVADLLLSFIGPVIVIVLYLVNFVAVMTQARALRSHIAAL
THEGSVSTNVKKSEMKAVRTISVVIIVFLICLCPYFCVTLSGQDAMLASSVAFVMCLFYLNNSCLNPLIYALFYPWFRKSVKQIVTLKILKSGSCDTNIMx

>contig007524-TiTAARs.A026

MKTFEETELCFPQLLNSSCRKTMRPYTLILYITLSSISLITVTLNLLVIISISH**FE**KLHTPTNLLLLSLAVSDCLVGLLMLFQIMIIDGCWFLGEFMCMSMYFLLDYIITSASIGTM
VLISIDRYVAICYPLHYSTKVTPKRTKACVYLCWICSSVFQCLVLKDNLVQPGRYNSCYGECVVVVGHAFGVADLLLSFIGPVIVIVLYLVNFVAVMTQARALRSHIAALTHE
GSVSTNVKKSEMKAVRTISVVIIVFLICLCPYFCVTLSGQDAMLASSVAFVMCLFYLNNSCLNPLIYALFYPWFRKSVKQIVTLKILKSGSCDTNIMx

>contig022324-TiTAARs.A027

MEIQMHLEAEFCPELLNSSCRKPTLHWSKTVLLNVGLSFISVITAALNLLIISVSH**FR**QLHTPSNILLSLAVSDDFFVGLLMPVEIFRSTACWVFGDLMCSLYIYLSGILMN
ASFEIIVFISVDRYVAICDPLHYPTTRITVARVKLSVCLCWFFYAFYFMSLYTKDVLKIPGRYASCYGECVFVIEDITGTVDLVLCFFVVPVIIIVLYTRVVFVAVSQARAMRSHVTA
TLERSLNQTNKSELKAARNLGVLVIVFLASICPFYFSLVDGSLVNASSATFLIIVYFNSFLNPLIYTLFYPWFRNAVKLIITLQIFKHNSSEANILx

>contig022330-TiTAARs.A028

MEIQKEAELCFPQLLNISCCKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLLTATLNLVIIISVS**YFR**KLHTPSNILLSLAVSDFLMGLLLIPEILRSMTCWVLGDLMCSVYFFLTVNITCASI
GNIVLISIDRYVAICDPLHYPTTRITVARVKLSVCLCWFFYSTFYSSLNTOEMLIVPGRYNSCYGECVLVISDFAGTLDLILFFILPVTVIIIVLYMRVVFVAVSQARAMRSHVTA
VTLQRSPNQTNKSELKAARTLGLVVVFLACYPFCYCYSLADENAVNDPAASFVVFVFNNSCINPLMYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKHNTCEANILx

>contig022334-TiTAARs.A029

MEIQKEAELCFPQLLNISCCKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLLTATLNLVIIISVS**YFR**KLHTPSNILLSLAVSDFLMGLLLIPEILRSMTCWVLGDLMCSVYFFLTVNITCASI
GNIVLISIDRYVAICDPLHYPTTRITVARVKLSVCLCWFFYSTFYSSLNTHKILIEPGRYNSCYGECVLVSSNIAGTLDLILFFILPVTVIIIVLYMRVVFVAVSQARAMRSHVTA
VTLQRSPNQTNKSELKAARTLGLVVVFLACYPFCYCYSLADENAVNDPAASFVVFVFNNSCINPLMYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKHNTCEANILx

>contig022337-TiTAARs.A031

MMEIEKGAELCFPQLLNSSCRKPTLHWSRALLNIVLSCISLITAALNLLVIISVS**YFR**QLHTPSNIVLLSLAVSDFLIGLLKMPFEIIRNTGCWVLGDLMCSVYIFLTISLLCASI
LNIVLISIDRYVAICDPLHYPTTRITVARVKLSVCLCWFFYSAFYSSLYAKNVLIIEPGRYNFCGECVFFSSNIAVVVDLVLFVIVPVSVIIIVLYMRVVFVAVSQARAMRSHVTSV
TQRSANQANKSELKAARTLGLVVVFLATFCPFYCYSLVEENALNDPSTSTLITVYFLNSCLNPLIYALFHPWFRNAVKLIITLQIFKCDTSEANILx

>contig022341-TiTAARs.A032

MEIQKGVELCFPQLLNTSCRKPALHWSKAVLLNIVLSCVSLITAALNLLVIISVS**YFR**KLHTPTNILLSLAVSDFLVGLLLMPFEIFRNMACWVLGDLMCSVSWYLTGNIAFA
STGNIVLISIDRYVAICDPLHYPTTRITVARVKLSVSLFWLFAIFYSSLYMKDVLNIPGRYNSCYGECVLVISDFAGTLDLILFFILPVTVIIIVLYMRVVFVAVSQARAMRSHVTA
VTLQRSNLTQTNKSELKAARTLGLVVVFLICYCPFFCFSFGVEDMVNPNSTFFVIMVFYFNNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKHNTSEANILx

>contig022343-TiTAARs.A033

MEIEKGAELCFPQLLNSSCRKPTLHWSRALLYIVLSCISLITAALNLLVIISVS**YFR**QLHTPSNIVLLSLAVSDFLIGLLMMPFEIIRNTGCWVLGDLMCSVYIFLTISLVCASIL
NIVLISIDRYVAICDPLHYPTTRITVARVKLSVCLCWFFYSTFYSSLYAKNVLIIEPGRYNFCGECVFFSSNIAVVVDLVLFVIVPVSVIVVLYMRVVFVAVSQAHAMRSHVTSV
TLQRSANQANKSELKAARTLGLVVVFLATFCPFYCYSLVDENAVNDPSASFVVIIFYNNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKCDTSEANILx

>contig022345-TiTAARs.A034

MEMQKGTELCFPQLLNSSCRKPIRHSKAVLLYIVLFCISLITAALNLLVIISISH**FK**QLHTPSNILLSLAVSDFLVGLLLMPLEIFRSTACWVLGDLMCSVYIYMTVNITCASI
GNIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITVARIKLSICFCWFYTIIFYSSLYTKDILIEPGRYNSCCGECVLINDIVIGVDLVTFIIVPVAVIIIVLYMRVVFVAVSQARAMRSHVTA
VTLQRLNQTNKSELKAARTLGLVVVFLACYPFCYCYASVEDMVNPNPSALFVFMVFYFNNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKLIITLQILKHGTCEANILx

>contig022349-TiTAARs.A035

MEIQKGAEELCFPQLLNSSCRNPTLHWSRALLNIVLSCFSPITAALNLLVIISVSH**FR**QLHTPTNILLSLAVSDDFFVGLLLMPLEIFRNTTCWILGDMCSVYWLNFSCFICV
TIGNIVLISVDRYVAICYPLHYPTTRITVARVKLSVCLCWFFYAFYCSFYTKDILIEPGRYNSCYGECVFIDDAGIIDLVLFFLIPVMVIIIVLYTRVVFVAVSQARAMRSHVTA
VTLQRSANQANKSELKAARTLGLVVVFLCYCPYCYFFTFFAEGLMDPATVFFITVIFYNSCLNPLIYALFYSWFRNAVKRIITLQIVTHDTNEANILx

>contig022353-TiTAARs.A036

MEIPKGVELCFPQLLNSSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLLTAALNLLVIISVSH**FR**QLHTPSNILLSLAVSDDFFVGLLLPLEIFRNTSCWVLGDLMCSAYWYLTNSNIACASI
GNIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITLKVKLGVCLCWFFYAFYFSSLYTKDVMIEPGRYNSCFGECVFFSSNIAVVVDLILSFFGPVTVIIIVLYMRVVFVAVSQARAMRSHVTSV
TLQRLNQTNKSELKAARSLGVLVVVFLACFCPLCYCYSLVDENAVNDPSASFVVIIFYNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKLIISLEIFKYDTSGANILx

>contig022354-TiTAARs.A037

MEIQEGPELCFPQLLNDSCKRKQTLHYSKTMLLYIVMSCISLITTAALNLLVIISVSH**FR**QLHTPSNILLSLAVSDFLVGLLLMPLEILRSTTCWVLGDFMCFLYWYLTGNITCV
SIGNIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITVARVKLSVCLCWFFYAFYFSSISLYAKDYLIESGRYNSCYGECVAFVINDIARTIDLVLFSIFPITVIIIVLYMRVVFVAVSQARAMRSHVTA
VTLQCSLNQANKSELKAARTLGLVVVFLCFCPPYCYVSLIREDFSSVAPIVISLFFSNNSCLNPVIYALFYPWFRKALKLIVTLQILHSGSCEVSILx

>contig022354-TiTAARs.A038

MEMQKGAEELCFPQLLNSSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLLTAALNLLVIISVS**YFR**QLHTPTNILLSLAVSDFLTGLLMLPLEIIRNTACWVLGDLMCSYIYTLTAGLFCAS
TGNIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITVARVKLSVCLCWFCSTFYSSLTKDVLKIPARYNSCYGECVFINDIAGFIDLVLFSFIVPVSVIIIVLYMRVVFVAVSQARAMRSHVTA
VTLQHSSNQANKSELKAARTLGLVVVFLACYPFCYCYSLIEVNVINDSSTYFLIIVFYNSCLNPLIYALFYSWFRNAVKLIITLQIFKHDTSEANMFx

>contig022355-TiTAARs.A039

MEIQKENKLCFPQLLNSSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLLTATLNLVIIISVS**YFR**KLHTPSNILLSLAVSDFLVGLVLLMPLGILRNTSCWVLGDIICSLYWYLTNSIVCASI
GNIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITVARVKLSVCLCWFFYAFYFCSLYTKDVLKIPGRYNSCYGECVLVINDIADVVDLVFSFIVPVSVIIIVLYMRVVFVAVSQARAMRSHVTSV
VTLQRSNLTQTNKSELKAARTLGLVVVFLACFCPLYYFSLVDENAINDPASASFVVIIFYNSCINPLIYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKYNISEANILx

>contig022356-TiTAARs.A040

MEIQKGAEELCFPQLLNSSCRKPTLRSSKAVLLNIVFSCISLLTAALNLLVIISVS**YFR**KLHTPSNILLSLAVSDFLVGLLLMPLEIFRSTTCWVLGDMCSVYWYLTGNITCA
SIGNVVVISVDRYVAICDPLHYPTTRITVERTKLSVCLCWFFYAFYWSLYKINILIEPGRYNSCYGECMFVSSDIAGIIDLVLFSFIVPVSVIIIVLYMRVVFVAVSQARAMRSHVTA
VTLQHSNNQANKSELKAARTLGLVAVFLSCYSPFYCYLAEEENVNDPSASTVIIIFYNSCINPLIYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKHNTCEANILx

>contig022357-TiTAARs.A041

MVIQKGAEELCFPQLLNSSCRKPTLHWSKAVLLNIMLPCLSLTTAALNLLVIISVSH**FR**QLHTPTNILLSLAVSDFLTGFLILPLEIIRNMACWVLGDLMCSVYTYLITSLFCAS
TGIIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITVVRKLSVCLCWFFYSTFYSSLQTKDVLNIPGRYNSCDGECVFLISNIAGTIDLVLFSFIVPVSVIIIVLYMRVVFVAVSQARATRSHVTA
VTLQSSLNQTNKSELKAARTLGLVVVFLACYPFCYCYFLKENVNDSATFFVILYHVNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKLIITFOIFTHDTSANILx

>contig022362-TiTAARs.A042

MEIQKGAEELCFQQLLNNSCRKLTNLWSKTVLLYIVLFCISLITVALNLLVIISVSH**FR**QLHTPTNILLSLAVSDFLVGLLLPLEILRSTTCWVFGDVICSFYFYLTGNITCASTG
IIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITVARVKLSVCLCWFFYAFYVTLKDKFLKPGRYNSCYGECILVINDTAGTADLVLSFFVPTVIIIVLYMRIFVAVSQARAMRSHVTA
VAKSKSELKAARTLGLVVVFLASYPFCYCYTLVEENVISDSSAFFVVIAYFLNFSNLNPMIYALFYPWFKKSVNLITLQIFKRHSSDSNILx

>contig022363-TiTAARs.A043

MEIQKGAEELCFQQLLNNSCRKPTLHWSKAVLLYIVLFCISLITVALNLLVIISVSH**FR**QLHTPTNILLSLAVSDFLVGLLLPLEILRSTTCWVFGDMCSVYWYLTGNITCASI
GNIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITVVRKHWCICLWFFYAFYDTLYLKDLLKIPGRYNSCYGECVLVINDIAGTADLVGGSGFSYHRTSPWx

>contig022363-TiTAARs.A044

MEIKGDELCLFVELNSSCKKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLITAVLNLLVIISVSH**FR**QLHTPTNILLSLAVSDFLVGLLLPLEIFRSTTCWVFGDMCSVYWYLTGNITCASI
GNIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITVVRKHWCICLWFFYAFYDTLYLKDLLKIPGRYNSCYGECVLVINDIAGTADLVSCFVPSIVIIIVLYMRVFLVAVSQARAMRSHVTTVTL
QRSNLTQTNKSELKAARTLGLVVVFLCFCPPYCYVSLVRDRNSSVAPNLMSVFFLNSCLNPLIYTMFYPWFRKAVKLIVTLQILQTGSCSEVSILx

>contig022365-TiTAARs.A045

MEKGAELCFPQLNNSCRKPTLHWSKAVLLTIVLFCISLITVTLNIIIVISVSH**FR**QLHTPSNILLPSLAVSDLLVGLLLMPLEIFRNTSCWVFGDLICSVYWYLTSGNITSTSTGN
IVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITVVRVKLSVCLCWFFYIFYISFYLYKDILIEPGRYNSCKGECVLVINDIAGIIDLVIAFIVPVSVIIIVLYMRVVFVAVSQARAMRSCVRAVTLQHS

LNQANKSELKAARTLGILVVFLASFCPFYCYFFVGENVVDSSAFFVIAFYFNSFLNPMIYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKRHSSDNTILx

>contig022368-TiTArs.A046

MEIQKGAELCFQQLNNSCRKTLHWSKAVLLYIVLFSISLITVALNLLVIISVSHFRQLHPTNTNILLSLAVSDFLVGLLLIPLEILRSTTCWVFGDVICSVYWYLTSNITCAST
GIIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRMTVARVKLSVCLCWFFYAIFYVTLYLKDFLIKPGSYNSCYGECVVLINDTAGTADLVLSFFVPIIVITVLYMRVFFVAVSQARAMRSYVTAVTL
QRSLNQTNKSELKAARTLGVLVVFLASYCPFYCYTLVEENVVDSSAFFVIAFYFNSFLNPMIYAFFYPWFRKSVKLIITLQIFKRHSSDNLx

>contig022368-TiTArs.A047

MEKGAELCFPQRPNSSCGKPTLHWSKAVLLYSVLFCSLITVALNLLVIISVSHFRQLHTPSNILLSLAVSDLLVGLLLMPLEILRSTTCWVFGDVICSVYWFLSGNIIICASIG
NIVLISADRYVAICDPLHYPTTRMTVVRVKLNSVLCWFFYVYFISLYLKDILIKPGRYNSCYGECVPVINDIAGIIDLVLTIVPVSIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTAITFQR
SLNQANKSELKAARTLGVLVIVFLACYCPFFCYTLVEEKVVDSDSFVFLIIVFYFNSFLNPLIYAFFYPWFRNAVKLIITLQIFKRHSSDANILx

>contig022375-TiTArs.A048

MEMQKGTELCFPDFLNTSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLITSALNLLVIISVSHFRQLHPTNTNILLSLAVSDFLVGLLLMPLEIFRSTACWVLGDLMCSVYWC LTGNIICA
SIGNIVLISIDRYVAICDPLHYPTTRMTVARVRVCVCLCWFFAIFYSSLYTDFLIDPGRYNSCYGECVFVISAIGIFDLVVSFFVSVTVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTTV
TLQRSLNQTNKSELKAARTLGILVVVFLCFCFPYYCVSLVRDENSSIASTVISVFFLNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLVTLQILRTGSCSEVNILx

>contig022377-TiTArs.A050

MEKGAELCFPQLNNSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLITAGLNLLVIISVSHFRQLHTPSNILLSLAVSDFLVGLLLPIAEIFRITVCWVFGESMCSLYTYLGYIVVTSISNI
VLISVDRYVAICDPLHYPSRITVARIKLSVCLCWFFYSAFYSTLCTKNILIKPGRYNSCYGECVFITSIAIGILDVLVSFIVPVSIIIVLYIRVFFVAVSQARAMRSHVTAATLQSSLN
QTNKSELKAARTLGVLVVFLASFCPFYCYFLVVEDIVDSSASIVVIVYFNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKVIITQIFKHSSEVNILx

>contig022378-TiTArs.A051

MMENKDSICFPPELFNSSCRRLAHWSETVPLNILLCSISAITALNLLVIISVSYFRQLHPTNTNILLSLAVSDFLVGLLLPGEIFLGIACWAFGNLLCSLFNYVSFIITSASVG
NMVLISVDRYVAICYPLHYSTRITVTRVKRSVCLCWLCVLYSSALLKDELIQPGGHNSCYGECVFVINFIAGTVDLLTTFIVPISIVVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTA
LQLSVNLTTKKSELKAGRTLGLVIVFLMCFCPYYCASFAVEDSLSESTSLVRYLFYFNSCLNPVIYALFYPWFRKAIKHIVMLQIFHTGSRLEANILx

>contig022379-TiTArs.A052

MDTQDVAELCFPQLFNTSCKKPIPTLSEFVFLHVVLSSISLITVALNLLVIISVSHYRQLHPTNTNILLSLAVSDFLVGLLLMPGEILRNTACWFLGDLTCSMYNYSFIVTST
SVGDMVLISIDRYVAICDPLHYPTTRITDRVKLSICLWLSSVYSSLFVKDDLTPQPKHNSCYGECTIVVDLITGIIDLLTFFVPVTVIVVLYLRVFFVAVSQARAMRSHVTA
TALQLSVTLTTKKSELKAARTLGVLVVFLCFCFPYYYCVTLARDDPLNSSSVFVLYLFYFNSCLNPLIYALFYPWFRKAVKLIISLHILQPGSCEISILx

>contig022382-TiTArs.A053

MGTQEKSELCFPQLFNMSCKKPAIARSKAVFLHIVLSSVSFLTVALNLLVIISVSHFRQLHPTNTNILLSLAVSDFLVGLLLSPAELRSTACWFLGQLTCLMYIFVSLTSTSAS
VGIMVLISADRYVAICDPLNYPIRITDRRVQLCVCLCWCSIAFSCFLVRDDLHQTRKQNSCYGKCVVVVQYIAGVVDLITFIVPVSIVVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTA
VTSHLPVTLTTKKSELKAARTLGVLVFLMCFCPYYCVSLVGEEFINSSASFAVYFLGNLNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLVTLQILQPGSCEVSILx

>contig022383-TiTArs.A054

METQDEAELCFPQLFNISCKKPKTSLSQVLLPYVVVVYSVSLTVALNLLVIVSVSHFRQLHPTNTNILLSLAVSDFLIGLLMMPAKILRDTACWFLGQLTCLINYICFIITSAS
VGIMVLISVDRYVAICDPLHYPTRITEKRVKLCVCLCWCSVFNILFIKDDLQREOHTSCYGECEVFVIDYIGTDDIVVTFIAPVTVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTA
TLQSVTLTAKKSELKAARTLGVLVFLCFCFPYYIVSLGNELFNSSASIVIYLYFNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLVTLQILQPGSCEVSILx

>contig022390-TiTArs.A055

MDTQEGAELCFPQLFNISCKKPTTSLSQVLLYIVLSSMSLLTVALNLLVIAVSHFRNTACWFLGQLTCSLYNYVSYIVASASVGNMVLISVDRYVAICDPLHYPSRITDKR
VKLCVCLCWLCVSVFYSVILIDDLSPQKHNNSCYGKCIIFIEFIAGFVDLVLSFIPLTVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTAVTLQLSVTLTAKKSELKAARTLGVLVFLI
CFCFPYYIVLSFGDEFLNSSASIVIYLYFNSCVNPLIYAMFYPWFRKAVKLVTLQILQPDSCSEVSILx

>contig022390-TiTArs.A056

MDTQDGELECFPQLFNISCKKPTTSLSQVLLPYIVVFSMSLLTVALNLLVIAVSHFRQLHPTNTNILLSLAVSDFLIGLLMMPANIIRKKVCWFLGQLTCLVYTYVFSIITSASV
GIMVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITHGRVKLCVCLCWCSVIYNILLIKDELVKPGQHISCYGECKILVDYIAGTTDIVLTFIIPVTVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTAVTMQ
LSVTLTTKKSELKAARTLGVLVFLCFCFPYICFVFGKLLSSSSATIVIYLYFNSCVNPLIYAMFYPWFRKAVKLVTLQILQPGSCEVSILx

>contig045088-TiTArs.A057

MEGVEFCFPHLLNNSCRKALRPVSVMILIYMISSISVLTATLNLVIVSISHFKQLHPTNTNILLSLAVSDDFFVGLYLLFYIMFIDGCWYFGEFMCILYYVIGTINTSSSIGTMV
LISVDRYVAICDPLHYPIKVTAKRVQTCVSLCWSFSALAGSYLLKDNLKQQSRFNSCVGECVVHINFIEYVADLALNFLPITVIVLYLRIFVVVSVQVRAMRSHTAGVTYQC
SRKGNPKKSEMKAARTLGIVIAFLSCTLFPYCVTLTGQNAFLNGSSSAFVLCFLFYFNSCLNPVIYALFYPWFRKSIKFIIVTFQILKSGSRNANIVKVTEx

>contig056134-TiTArs.A058

MEETELCFPKLLNTSCMRLRRPHFEMITLYLLSSIALLTVALNLFVVISISHFRQLHTRNNVLLLSAADFGVGLVMFFQIVLIDGCWFLGDMICTLYQYLAYVITSASIGTM
VIISVDRYLAICYPLHYSTIKTQORVKIVVCLCWICSVIFQSLIMDNLKQPGRYNSCYGECVFVINIYIAGLVVDVTFSFIVPITVIVVLYLRVFFVAVSQAHAMRSQLA VTHQQSV
TVTAKKSELKAAWTLGIVVVFLICMCPYYCVALTVDKNALSSAAAFVIYFFFNNSCLNPILYVFFYSWFRKSIKIVITLQILQPDSSKANMLx

>contig022320-TiTArs.A059

MEIQKAAELCFPQLNNSCRKPTLHWSKAVLLNIVLFCISVITAALNLLVIISVSHFRKLHTPSNILLSLAVSDFLVGLLLMPLEIFRNTACWVLGDVMCSVYWYLTSNITCA
SIGNIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITVVRVKLSVYLCWFFSIFYWSLYMKDILPEGRYNSCYGECVLIINDIAGIVDLALSFIIVPVTIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTA
TLQCSLNQANKSELKAARTLGVLVVFLACYPFYCYSLVDKNVVDSSASFVVLVYFNSCLNPLIYALFYPWFRKAIKCVITLLIFKHSSEVNVIx

>contig007518-TiTArs.A019

MKTIDRAELCFSQLNNSCRKTMHPRSLSVLFYVILSSISVLTVALNLLVIISISHFRQLHPTNTNILLSLAVSDCFVGLLVFQILVIDGCWYLGEQLCILYYIFDYVVTNASIGT
MVLISVDRYVAICDPLLYYPSKVTLKRVRTSVSLCWFSLFCVFLKDNLGQPGSYNSCYGECVVLVYVYTGIVDILLSFQIPVIVIALYLVKFMVVVTQARSMRSRIEAVAVQ
GSVTVTIKKSEIKAAARVLGIVVVFLACLLPYFCIGLTGDKTLLNASTATVITLIFYFNSCVNPLVYAFFYPWFRRTIKLIVTLKILNSRCKANLLISx

>contig039639-TiTAir.A001

MDGSGGPPLCFPNLNSSCRRLRPTSQAAALLYTLMAVSLLTVALNLLVVISISHFKQLHPTNTNILLSLAMSDLLVGLLVMPIEGLRYIETCWLGLRMLCALSPLYSYCLIS
VSLGSMVLISVDRYVAICDPLLYSSKITVNRVKLSVCVCWACSLLYNGCILMEHLGSPDRFSSCHGECVVFISYTSVGTVDLFSFVGPVGMFVLYMRVFFVAVSQVRAIQ
SQAVARAAPAAKKSELKAARTLGIVVFLMCMCPCPYYPSPFAGDDTSMSPYLLTFLWMVLTNSCVNPVIYVLFYLPWFRRAIRFIVTLRILQPHSREVNILx

>contig039640-TiTAir.A002

MDGSGGPPLCFPNLNSSCRRLRPTSQAAALLYTLASVLLTVALNLLVVISISHFKQLHPTNTNALLSLAVSDLLGLLVMPIEGLRYIETCWLGLRMLCALSPLYSYCLFSF
SLDSMVLISVDRYVAICDPLLYSSKITVNRVKLSVCFCWVCSLLYNGCILMEHLGSPDRFSSCHGECVVFISYTSVGTVDLFSFVGPVGMFVLYMRVFFVAVSQVRAIQSQV
AVRAAPAAKTSELKAARTLGILIAVFLMCFPCPYYPSPFTGDDTSTSLPYAVLFWIMLINACVNPVIYVLFYLPWFRRAIRFIVTLRILQPHSREVNILx

>contig039640-TiTAir.A003

MDGSGGPPLCFPNLNSSCRRLRPTSQAAALLYTLASVLLTVALNLLVVISISHFKQLHPTNTNALLSLAVSDLLVGLLVMPIEGLRYIETCWLGLRMLCALSPLYSYCLISV
SLDSMVLISVDRYVAICDPLLYSSKITVNRVKLSVCVCWVCSLLYNGCILMEHLRWPKRFSSCHGECVVFISYTSVGTIDLFSFVGPVGMFVLYMRVFFVAVSQVRIIRSQV
AVRAAPAAKKSEMKAARTLGIVIAVFLMCFPCPYYPSPLAGVDTSTSLPYALFSWIMLTNSCVNPVIYALFYPWFRRAIRLIVTLRILQPHSREVNILx

>contig039642-TiTAir.A004

MDGSGGPPLCFPNLNSSCRRLRPTSQAAALLYTLASVLLTVALNLLVVISISHFKQLHPTNTNALLSLAVSDLLVGLLVMPIEGLRYIETCWLGLRMLCALSPLYSYCLIS
VSLGSMVLISVDRYVAICDPLLYSSKITVNRVKLSVCVCWACSLLYNGCILMEHLGWPDRLSSCHGECVVFISYTSVGTVDLFSFVGPVGMFVLYMRVFFVAVSQVRAIQ
SQAVARAAPAAKISELKAARTLGILIAVFMCFPCPYYPSPLAGVDTFTLSPSYAMVCWIMLTNACVNPVIYVLFYLPWFRRAIRFIVTLRILQPHSREVNILx

>contig023443-TiTAir.A005

MMDSQDRTELCPYELANLSCRGLTRPQPEAVLLYTLFSLISVLTVALNVLVVISISHFRQLHMPTNVLLSLAISDLLVGLLVMPVETMRFIETCWLGLDLMCALSIIIGFTLTS
ASVGNMVLISIDRYVAICDPLLYSSKITVNRVKLSVCVCWACSLLYNGCILMEHLRQPDHNTCHSQCLVKNIVYVSGAIDLVTFIGPCSVIIILYMRVFFVAVSQAHAMRSHIT
AAAVRITAKKSEKKAARTLGVIIVFLLSFCPYYPSPLAGQDISNSASSWAIIVSWMLYFNSCLNPLIYALFYPWFRKAIFWIVSLKILEKGSQANILx

>contig037879-TiTAir.B060

MHPCYESENATYTFNNPSIACVILYIFLGSLSVVTIFGNLLVTIAIIFYKQLHPTNTNYLILSLAVADLLVGLVFPFMSMAFTVTLCLDHEDLFCKIRDSFVSLCTSSILNLCCISI
ERYAYVCQPLNLYRSKINTQVTMFMILVSWGISVLIGICIIAGFSQGMCEEVCSVDVVIANTMGVPVFSYLPALIMLCIYLKIFFVARQRARSIGNTTKCGQTASMMMERK
SIVMGVLLCLSPYICVVFQPLAHNPPPIVPIETLNLWTLNSMLNPLIYAFFYSWFRSAIRLIVSGTILHCLNANSKLx

>contig037889-TiTAir.B061

MTIIVNDLHPCYVIQDSKYMLTNSPSIICVFLYALLALLSVITICGNLLVIISVIYFKQLHPTNTNSLILSLAVADLLIGIIAFPLSMAFSLSSCLYHEGLFCKVRGTFDISLSTCSILNL
CCISIDRYHAVCQPLTYQTKISHRAVFMILMSWGVSGIIGISVTIAGLNNEKYEESFLIDVLMESTVGPMLSFYLPVIIMLCIYLKIFFVARQRARSIGNTTKCGQTASMMMERK
ATKTLAIVLGVFILCWSPPFLCITFPPTSDYQQLQVVPVPIETLNLWTLANSMLNPFIIYAFFYSWFRSAIRMIICKGIFQGD FANTKLTx

>contig002574-TiTAir.B062

MTNIVNDLHPCYVIQDSKYMLTNSPSIICVFLYAFALLSVITICGNLLVIISVIYFKQLHPTNTNSLILSLAVADLLVGIIAFPLSMAFSLSSCLYHEGLFCKVRGTFDISLSTCSILNL

LCCISVDRYHAVCQPLTYQTKISHRVVFMILMSWGVSGIIGISVTIAGFNNNEKCEESCLIDVLMESTVGPMLSFYLPVTIMLCIYLKIFFVALKQASSIQNTTKCGQTASIMER
KATKTLAIVLGVFIFCWSPCFLCITFPPTSDSVPVPVIETLNLWALANSMLNPFIIYAFFYRWFRSAIRMIICGKIFQRDFANTNMTx
>contig037900-Tiitar.B063
MAPDVPVNRTDADDLHPCYKIDKGSYIVKSNPSTLCVLLHIFGLSLSLTVTCGNLLVIISIIYFKQLHTLNTSLVLSLAVADLVGVGLVFLPFLSMRFTVSVCFLFYQDLFCCKVRDSF
DVTLSTSSILNCCISIDRYAYVCRPLTYRSLKINHVHVVMILVSWSVSILVAVGFLIAGLNHEKCKEGWISELLANILGPVLSFYLPVMIILCIYLKIFLVAEKHARSIGNTKCGA
TVVSKMEKKATKTLATVMGVFMWCWLPFFFCVTLQLLGHILIPLVYETLNLWALCNSMLNPFIIYAFFx

>contig035375-NyeTARs.A013

MDTQSRADLCFPQLFNTSCKKPTTSLQVLLFHILMPSMCLLTVTLNLLVIAISHFRQLHSHNTNILLSLAAADFLIGLLFMPGEILRNTVCWFLGQLTCSLYNYSFVVTSA
SVGIMVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITERRVKLCVCLCWLCVSFYCYMIVRDDLSQLGKHNSCFGECHIFVEFIAGFVDLVLSFIIPTVIVFLYMRVFFVAVSQARAMRSQVT
AVTLQLSVTLTAKKSELKAARTLGVLVVFLICFCPPYIYVSLFGDEFLNSASASIVFYFLLNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLIMTLQILQPGSCEVSILx

>contig035376-NyeTARs.A014

MDTQDGAELCFPQLFNISCKKPTTPRSQVLLYIVVSSMSLLTVTLNLLVIIVSHFRQLHTPTNILLSLAVTDFLVGLLFPMPGEILRNTACWFLGQLTCSLYNYSYIIASAS
VGNMVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITERRVKLCVCLCWLCVSFYSYVILIDDLSQLGKHNSCYGRCIIIEFIAGFVDLVLAIIPLTVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSQVTAVT
LQLSVTLTATKSELKAARTLGVLVVFLLCFCSYIIISLFGNELLNSSASIVIYLYFNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLIVTLQILQPGSCEISIMx

>contig035381-NyeTARs.A015

MDTQDGAELCFPQLFNISCKKPTTSLQVLLYIVVSSMSLLTVTLNLLVIIVSHFRQLHSPTNILLSLAVADFLVGLLFPMPGEILRNTACWFLGQLTCSLYNYSYIITSAS
VGNMVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITERRVKLCVCLCWLCVSFYCYVILIDDLSQLGKHNSCYGKCIHIEFIAGFVDLVLSFIIPLTVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSQVTAVTL
QLSVTLTAKKSELKAARTLGVLVVFLLCFCSYFIVSLFGNELLNSSASIVIYLYFNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLIVTLQILQPGSCEVILx

>contig046007-NyeTARs.A017

MOKENKLCFPQLLNSSCRKPTLHWSKDVLLNTVLSCISLLTAALNIIIVISVYFRKLHTPSNILLSLAVSDFLVGLLLMPLGILRNTGCWVLGDIICSLYWYLTSNIVCASIG
NIVLMVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITLAKVLSVCLCWFYAFFYVSLYTKDILLEPGRDNCYGEVCVFINDIAVVVDLVFSFIVPVSVIIVLYIRVFFVAVSQARAMRSHVTSVTL
QRSNLQTNKSELKAARTLGVLVVFLACFCPLYFSLVDENAINDPAASFVVIIFYNNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKLITLRIFKYNMSEANILx

>contig060105-NyeTARs.A018

MEETELCFPQLFNSSCRPKRQKHSQIEAVFIYPTLSSISVLTILNLLVIISIAHFKQLHTPTNILLSLAVSDFVGLIMACQISLLDGCWFLGDHMCALYSSLDYIVTSASVGT
MVLISADRYVAICDPLHYPTKITIKRVSVSICTWACWSILYNLMKDNFKQPGRYNSCSGDCVVVIDYFVGIFDFVLTFGVPVIVIVLYRVFVAVSQARAMRSHITALRLQ
GSETVHAKKSELKAARTLGVLVVFLICLFPFFCSSMVGQNSFFDIRSVPFERLLFYFNSCLNPLIYALFYPWFLKSIKLIIVTKFIRHGSSEASVLx

>contig046010-NyeTARs.A019

MQKEAELCFPQLLNSSCRKPTFHWSKAVLLNIVLCCISLLTAALNIIIVISVYFRQLHTPTNILLSLAVSDFLTGLLMLPLEIIRNTACWVLGDLMCVSYYTYLTAGLFCAST
WNIVLISVDRYVAICHPLHYPTTRITVARVKLCVCLCWFCSTFYGSLLTKDVLIKPARYNSCYGECVFINDIAGFIDLVSFIIPVSVIIVLYMRVFFVAVSQARSMRSHVTAVAL
QRSSNQANKSELKAARNLGVLVVFLACYLPHYCYSLIEVNINDSSSTFFLIIVFYFNSCLNPLMYALFYSWFRNAVKLITLQIFKHDTSEANMFx

>contig046013-NyeTARs.A021

MEIPKGVELCFPQLLNSSCRKPTLHWSKAVLLNTVLCCISLLTAALNIIIVSVSHFRQLHTPSNVLLSLAVSDFVGLLLPLEIFRNTSCWVLGDRMCSAYWYLTSNIVC
ASIGNIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITLANVKLSVCLCWFYAFFYSNLYTKDIMIEPGRYNSCFGECVFFGNSNIAIADLIFFFVPVTIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTL
LQQRSLNQTNKSELKAARTLGVLVVFLACFSPLYCYSLVDENAINDPAASFVVIIFYNNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKLITLIEFKYDTSGANILx

>contig062039-NyeTARs.A022

MMENKDRICFPEVFNSSCRPAFWSEAVPLNTLLCSISVITIALNIIIVSVSYFRQLHTPTNILLSLAVSDFLVGLLLPGEIFLGIACWAFGNLLCSLFNYSFIITSASVG
NMVLISVDRYVAICYPLHYSTKITRITRTRVKRSVCLCWLCVLYSSVLLKDELQPGRHNSCYGECVFINIAGTVDDLTLFIVPISVIVVLYIRVFAVAVSQARAMRSQLSVNL
TKKSELKAGRTLGVLIIVFLMCFPPYCYVSLAGEDSLSESSTIVRYLYFNSCLNPLIYALFYPWFRKAIKHIVMLQIFHTGSHEDNILx

>contig035377-NyeTARs.A023

MDTQDGAELCFPQLFNISCKKPTTSLQLLPYIVVSSMSLLTVTLNLLVIIVSHFRQLNTPTNILLSLAVSDFFIGLLMPANIIRKKVCWFLGQLACLFTYVVSFIITSASV
GIMVLISIDRYAAICDPLHYPTTRITRERVVKLCVCLCWLCVSFYNYILFIKNDLLQREHRTSCYGECKILVDYIAGTTDIVLTFIAPVTIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSQVTAVTL
QLSVTLTKKSELKAARTLGVLVVFLICFCPHYCIFVFGKVLNSSSATIYIYLYFNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLIVTLQILQPGSCEVSILx

>contig046014-NyeTARs.A024

MEIQKAELCFPQLLNSSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLITAALNIIIVSVSHFRQLHTPSNILLVSLAVSDFLVGLLLMPLEIFRNTACWVLGDVMCSVYWYLTSNITCA
SIGNIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITLKVKLSVCLCWFFSIFYWSLYMKDILEVPGRYNSCYGECVLIINDIAGIVDLALSFIVPVTIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTFVT
LQCSLNQANKSELKAARTLGVLVVFLACYCFFYCYSLVDKNVNDSSASFVVLVVFYFNSCLNPLIYALFYPWFRKAIRCVTLLIFKHDSSEVNVix

>contig058002-NyeTARs.A025

MEMFEETQLCFPQLNFSCKRPIRPHSVSILIYITLSSISLTVTLNLLVIISISHFKKLHTPTNILLSLAVSDCLVGLLILFQMIIDGCWFLGEFMCSMYFLLDYIITSASVGT
MVLISIDRYVAICYPLHYSTKITRTRERVKLCVCLCWLCVSFYNYILFIKNDLLQREHRTSCYGECKILVDYIAGTTDIVLTFIAPVTIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSQVTAVTL
QLSVTLTKKSELKAARTLGVLVVFLICFCPHYCIFVFGKVLNSSSATIYIYLYFNSCLNPLIYALFYPWFRKSVKQIVTLKILKSGSGCDTNIMYTEX

>contig045999-NyeTARs.A026

MEIQMHPDAELCFPELLNSSCRKPTLHWSKTVLLNVGLSSISLITAALNIIIVSVSHFRQLHTPSNIIILSLAVSDFVFCFLMPVEIFKNTACWVFGDLMCSLYTYLSCILINA
SFEMIILVSDRYVAICDPLHYPTTRITVPRVKLSVFLCWLYAILYNIYTKHALINPGRYGSCYGEVCVFVDDIIGIVDFVSLIVPVTIIVLYTRVFFVAVSQARAMRSHVTAVAL
LQRPLNQANKSELKAARNLGVLVVFLACYCFFYCYFFLAGNEVNASSASSILIVYFNSCLNPLMYALFYSWFRNAVKLITLQILKANSSEINILQRx

>contig060292-NyeTARs.A027

MAETELCFPNLNSSCSRVRKSPSDSVLIYVILTIISLLTVLNLIIIVISISHFKQLHTPTNHLLSLAVSDFVGLNMCQFSMLIDGCWYLGDLMCVLYYVFDIVATSASVGT
MVLISVDRYVAICDPLHYPTKVTPKRQVTCVLMCWICSSLLVGVLLKDNLDKPGRFNSCFGECVIVYVDFAIQVTDLILTLPITVIVILYRVFAVAVQIRAMQPHAAVTAQRGK
VSPKKSELKAARTLGVLVVFLICLFPYYSVILSGQDTLLDILSVTFFCLCFYFNSCLNPIIYAFFYPWFRKSVKLIIVTFQIVKSGSSDASMLx

>contig042499-NyeTARs.A028

MEGVFECFPHLLNSSCRKALHPVSVSTLIYMISSISVLTATLNLIIIVISISHFKQLHNPTNILLSLAVSDFVGLYLLFYIMFIDGCWYFGDFMCIYYVIATINTSSSIGTMVLI
SVDRYVAICDPLHYPTKVTAKRQVICVSLCWSFSALAGSFLKDNLKQSRFNSCYGECVVIHINFIIEYVADFALNFFLPITVIVLYLRIFVAVVSVQVRAMRSHTAGVTYQCS
RKGNPKKSEMKAARTLGVLVVFLSCALPFYCVTLTGQNAFLNGSSSAFVLCFLFYNSCLNPIIYALFYPWFRKSVKLIIVTFQILKSGSRNANIVKVTEx

>contig056200-NyeTARs.A029

MGTQEKSELCFPQLFNMSCKKPAIARSKAVFLHIVLSSVSFLTVALNLLVIIVSVSHFRQLHTPTNILLSLAVSDFLVGLLLSPAELRSTACWFLGQPTCLMYIFVSLTVTSAS
VGIMVLISADRYVAICDPLNYPIRITDRRVQLCVCLCWLCIAFSCFLVRDDLHQKRKQNSCYGKCVVVVQYIAGVVDLILTFIVPVTIIVLYMRVFFVAVSQARSMRSHATA
VRNHLPMTLTKKSELKAARTLGVLVVFLMCFPPYCYVSLVGEFINSASSASFVAYFLGNLSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLIVTLQILQPGSSEVSILx

>contig032272-NyeTAR.A004

MDRQDRIELCYPELANLSCRVLTRPQPEAVLLYTLFSLISVLTVALNVLVIISISHFRQLHMPTNVLLLSLAISDLLVGLLMPVEAMRFIETCWLGLDLMCAFTYIIGFTLTSAS
VGNMVLISIDRYVAICYPLQYPTKITHSRAELSVLTCWACSLLYNGIMLKEHLRQDRNHTCHGQCLVINYVPGAIDLVTFTIGPCSVIIILYMRVFFVAVSQAHAMRSHITAA
AAGTVKITAKKSEKKAARTLGVVIFVFLMSFCPPYYPYPSLAGQDISNSASSAWIVSWMLYFNSCLNPLIYAFFYPWFRKAIWVIFVSLKILEKGSSQANILx

>contig038663-NyeTAR.A005

MDSSGGPPLCFPNLNSSCRLLRPTSQTVVLYTLASISLLTVLNLVVISISHFRQLNTSTNTNILLSLAVSDLLVGLLMPVIEGLYYIETCWLGLRMLCALSPYLSYCLISVS
LGSMMVLISVDRYVAICDPLLYSSKITVNRVKLSVCVCWACSLLYNGILMEHIGWPPDRFGSGCHGECVVFISRALGTIDLFSSFLGPCALMFVLYMRVFFVAVSQVRIIRSQA
VRAAPAAKKSELKAARTLGVLVVFLMCFPPYYPYPSFAGDDTSMSPLYYALFSWIMLTNSCVNPVYIYALFYPWFRKAIRLIVTLRLIQPHSRDVKILx

>contig052987-NyeTAR.B030

MELFNVTVNTVSFLCDQSQIKKCLVLLYVLLSSFMLLTCGNLLVIISIIYFRLHTPTNYILSMAVADLLIGALIFPLSMTVSLKPCLYIYLLCNLRSTMDVMTMGVSLLNLC
CISVDRYAVACHPLIYKTKIDTCVAMKMGLSWAVAILCGIFVLLFILDCECDTSCVFALIAASVVVYIPTIVLLFMYTKILVVALRQARSIHNTISQNTSKAVSSSTERKATKT
LTVIGIFLIFWVPLFSYSFVPLDSFILYVLLPEFNWFAISNSMLNPFIIYAFFYTWFRRAFKMIISGKIFQGDVTNIKLHx

>contig061977-BurTARs.A012

MDTQDVAELCFPQLFNTSCKKPLSEFVFLHVVLSSISLLTTLNLLVIISVSH^{YR}QLHTPTNILLSLAVSDFLVGLLLMPGEILRNTACWFLGDLTCSMYNMSLIVTSTSV
GDMVLISIDRYVAICDPLHYPTTRITDRRVKLCVCLCWLCVSFYSSFLVKDDLTQPGKHNSCYGECTIVVDLITGTIDLLTFFVPVTVIVVLYLRVFFVAVSQARAMRSHVTV
ALQSLVTLTTKKSELKAARTLGLVVVFLLCFCPPYCVTLARDDLNNSSVSFLLYLFYFNSCLNPLIYALFYPWFRKAVKLISLHILQPGSCEISILx

>contig061433-BurTARs.A013

MEIQMHPEAELCFPELNNSSCRKPTLHWSKTVLLNVGLSSISVITAALNLLIISVYH^{FR}QLHTPSNILLSLAVSDDFFVGLLLPVEIFKNTACWVFGDLMCSLYIYLSGILMN
ASIEIIVFISVDRYVAICDPLHYPTTRITVTRVKLSVCLCWFYAIFYMSLYTKDVLKPGRYASCYGEVFFIEDITGTVDIVLCFFVPVTVIIVLYTRVFFVAVSQARAMRSHVTA
VTVLQRLSNQSNKSELKAARNLGLVIVFLASICPPFYFYSVLDGNVVKASSATFLIIVYFNACLNPLIYTLFYPWFRNAVKLIITLQIFKHNSSEANILx

>contig061091-BurTARs.A014

MEIPKGVELCFPQLNNSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLLTAALNLLVIISVSH^{FR}QLHTPSNILLSLAVSDDFFVGLLLPLEIFRNTSCWVLGDRMCSAYWYLTSSNIICAS
IGNIVLISVDRYVAICDPLHYPSRITLAKVLSVCLCWFYAFFYNSLYTKNIMIEPGRYNSCYGECVFFSSNIAIVADLILFFVPVTVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTLVT
LQRLSNQTNKSELKAARTLGLVVVFLACFSPLYCYSLVDENAINNPAASFVAFIIFYNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKYDTSGANILx

>contig060707-BurTARs.A015

MEETELCFPQLFNSSCVRKHSQIEAVFIYTPSSISVLTTLNLLVIISIAH^{FK}QLHTPTNILLSLAVSDDFFVGLIMACQISLLDGCWFLGDHMCALYSSLDYIVTSASVGT
MVLISADRYVAICDPLHYPTKITMKRVSVSICTCWACSSILYNLMKDNFKQPGRYNSCSGDCVVVIDYFVGIFDFVLTfVGPVIVIVLYLRVFFVAVSQARAMRSHITALRLOG
SETVHAKKSELKAARTLGLVIAFLICLPFFCSCSMVGQNSFFDIRSVPEFELLFYFNSCLNPLIYTCFYPWFLKSIKLVITFKIRFHGSSEASILx

>contig059673-BurTARs.A016

MKTFFEEAELCFPQLNNSCRKTMRPYTFISILIYTLSSIS^{LT}KLHTPTNILLSLAVSDCLVGLLILFQIMIDGCWFLGEFMCMSMYFLLDYIITSASIGTMVLISIDRYVAICYPL
HYSTKVTPTKRTKACVYLCWICSSVFQCLLLKDNLVQPGRYNSCYGECVVVGHAFGVADLLLSIIGPVTIVIVLYLVNFFVAMTQARALRSHIAALTHERSVSTNVKXSEM
KAVRTISVLIVFLICLPYFVGTVLTSQDAMLSASSAVAFVMCLFYLNSCLNPLIYALFYPWFRKSVKQIVTLKILKSGSCDNTIMx

>contig057301-BurTARs.A017

MEGVFECFPHLLNNSCRKALHPVSVSTLIYMISSISVLTATLNLVIIISIH^{FK}QLHNPTNILLSLAVSDDFFVGLYLLFYIMFIDGCWYFGEFMCILYYVIGTINTSSSIGTMVL
ISVDRYVAICDPLHYPIKVTAKRVQICVSLCWSFSALAGSFLLKDNLKQQSRFNSCVGECVVHINFIEYVADLALNFFLPITVIVLYLRIFVAVSQVRAMRTHTAGTVYQCS
RKGNPCKSEMKAARTLGIIVVIAFLSCALPFYCVTLTGQNAFLNGSSSAFVCLCFYFNSCLNPIYALFYPWFRKSIKLVITFQILKSGSRNANIVKVTX

>contig057145-BurTARs.A018

MEIQKVPCLCFPQLNNSCRKPTLHWSKAVLLNIVFSCISLLTAALNLLVIISVSH^{FR}KLHTPSNIVLLSLAVSDFLVGLLLMPAEILRSTTCWVLGDMCSVYWYLTGNIICAS
IGNIVLISVDRYVAICDPLHYRTRITVTRVKLSVCLCWFYAIFYWSLYKINLIEPGRYNSCYGECMFVSSDIAGIIDLFLSFIVPLSVIIVLYMRVFAAVSQARAMHSHVTSVTL
QHSSNQAKKSELKAARTLGLVVVFLSCYSPFYCYLAEENVNDPSASTVVIIFYNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKLIVTLQIFKHGTCEANILx

>contig056023-BurTARs.A019

MEIQMHPEAGLCFPELLNNSCRKPTLHWSKTVLLNVGLSSISLITAALNLLFIISVSH^{FR}QLHTPSNIIILSLAVSDDFFVCFLLMPVEIFKNTACWVFGDLMCSLYTYLSCILINA
SFEMIILVSVDRYVAICDPLHYPTTRITVPRVKLSVCLCWLYAILYNIYTKHALINPGRYGSCYGEVCFVDDIIGIVDFVVSILVPTVTVIIVLYTRVFFVAVSQARAMRSHVTA
VTVLQRLPLNQANKSELKAARNLGLVVVFLACYCPFYCYFFLAGNEVNASSASSILIVYFNSCLNPLMYALFYSWFRNAVKLIITLQILKANSSEINILQRx

>contig056021-BurTARs.A020

MEIQKGAELCFPQLNNSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLLTAALNLLVIISVSY^{FR}KLHTPSNILLSLAVSDFLMGLLMPAEILRSMTCWVLGDLMCSVYFFLTVNLT
CASIGNIVLISIDRYVAICDPLHYSTRITVARVKLSVCLCWFYSTFYCSLYTQEMLIEPGRYNSCYGECVLVIDFAGMVDLILFFILPVIIVLYTRVFFVAVSQARAMRSHVTA
VTVLQRLSNQTNKSELKAARTLGLVVVFLSCYCPFYCYSLTDKANVNDPAASFVIFIFYFNSCLNPLMYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKHNSCEANILx

>contig056020-BurTARs.A021

MEIQKENKLCFPQLNNSCRKPTLHWSKDVLLNTVLSISLLTAALNLLVIISVSY^{FR}KLHTPSNILLSLAVSDFLVGLLLMPLGILRNTGCWVLGDIICSLYWYLT
SNIVCASIGNIVLISVDRYVAICDPLHYPSRITLAKVLSVCLCWFYAFFYVSLYTKDILIEPGRDNNSCYGECAFVINDIAVVDLVFSFIVPVSIVVLYIRVFAAVSQARAMRSHVTSV
TVLQRLSNQTNKSELKAARTLGLVVVFLACFCPLYYFSLVDENAINDPAASFVVIIFYFNSCLNPLIYAFFYFYPWFRNAVKLIITLQIFKYNMSEANILx

>contig055697-BurTARs.A022

MMEPELCFPKLLNNSCRKPRPHFIEMLTYILLSFISLLTVILNLLVIISISH^{FR}QLHTPTNILLSLAVADFFVGLLMFFQIVLIDGCWFLGDIMCTLYQYLAFIITSASVGT
MVIISADRYLAICYPLHYSTQITQQRVNICISLCWFFSVIFQSLIVKDNLKQPGKYNSCIGECVFNYYIAGLFDLLFSFIVPITVIVVLYLRVFFVAVSQARAMRQCLAVTHQ
RSVTVTTKSELKAARTLGLVVVFLICMCPYCYVALTGQDNFLNASSAAFVCLVYFNSCLNPIIYFFYPWFRKSIKIATLQILQPDSTRETNMHx

>contig054630-BurTARs.A023

MENVYQQQCFPQLPNTSCRKPLQHNNQITFIYILLCCISLLTTLNVLNVIISISH^{FR}QLHNQTNLFLSLAVSDLLVGLLLMPPRILLGGCWFLGTFCGLFYASVFLTSA
SVGNMVLISVDRYVAICDPLGYPTAVTERKVQISVCLCWACSLLYNGTILNLFKQPDRYNSCDGECIVVINFITGAFDVVATFIGPTAVIIFLYMRVFLVAVSQAMRSHVA
FVTSKGSVHVAIKKSERKAATTIGVVAVFLMCFPCPYFYPVSLAGQDSTSVESFVGVWLLYCNNSCLNPLIYAFFYFYPWFRKTVKLIVTLQILQPDSCDANILx

>contig049540-BurTARs.A024

MGTQEKSELCFPQLFNMSCKKPAIARSKAVFLHIVLSSVSFLTVALNLLVIISVSH^{FR}QLHTPTNILLSLAVSDFLVGLLLSPAELRSTACWFLGQPTCLMYIFVSLTVTSAS
VIGIMVLISADRYVAICDPLHYPIRITDRRVKLCVCLCWLCISAFSCFLVRDLDHOKRKQNSCYGKCVVVVQYIAGVVDLITFIVPVTIVIVLYMRVFFVAVSQARSMRSHATA
VRNHLPMTLTKKSELKAARTLGLVVLVFLMCFPCPYCVSLVGEEFINSSASFAVYFLGLNSCLNPLIYAMFYFYPWFRKAVKLIVTLQILQPGSSEVSILx

>contig049534-BurTARs.A025

MEKGVELCFPQLNNSCIKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLITAGLNLVIIISVSH^{FR}QLHTPSNILLSLAVSDFLVGLLLPAEIFRITVCWVFGESMCSLYTYLYIVVTSSISNI
VLISVDRYVAICDPLHYPSRISVAKIRLSVCMCWFSYAFYSTLCTKNLIEPGRYNSCYGECVFITSDIAGIIDLVLSFIVPVSIIIVLYMRVFFVAVSQARAMHSHVATLQRLSN
QTNKSELKAARTLGLVVVFLASFCPPYCYFLVEDIVSDSSASIVIVYFNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKVIITFQIFKRDSSSEANVix

>contig041024-BurTARs.A026

MEIQKAAELCFPQLNNSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLITAALNLLVIISVSH^{FR}KLHTPSNILLSLAVSDFLVGLLLMPLEIFRNTACWVLGDMCSVYWYLTNNITCA
SIGNIVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITLAKVLSVCLCWFFSFIFYWSLYLKDILVEPGRYNSCYGECVLIINDIAGIIDLALSFIVPVSIIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTA
VTVLQRLSNQANKSELKAARTLGLVVVFLACYCPFYCYSLVDKNVNDSSAFVVLVYFNSCLNPLIYALFYPWFRKAIRCIVTLIIFKHDSSSEVNVix

>contig034854-BurTARs.A027

MDTQGGAEELCFPQLFNTSCKKPTPLSQVLLFHILMPSMSLLTVTLNLLVIAISH^{FR}QLHSHTNILLSLAAADFLNGLLFMPGEILRNTACWFLGQLTCSLYNYVSYIIASA
SVGNMVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITEGKVKLCVCLCWLCVSLYSYVILIDDLQOPGKHKSCYGCIIIEFIEIAGFVDLIFISFIPLTVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSQVTTVT
LQLSVTLTATKSELKAARTLGLVVLVFLLCFCPPYIVVSLFGDEVLSASESIAFYFLLNNSCLNPLIYAMFYFYPWFRKAVKLIVTLQILQPGSCEVSILx

>contig057148-BurTARs.A028

MQKEAELCFPQLNNSCRKPTFHWSKAVLLNIVLCCISLLTAALNLLVIISVSY^{FR}QLHTPTNILLSLAVSDFLTGLMLPLEIRNTACWVLGDLMCSVYTYLTAGLFCAS
TWNIVLISVDRYVAICPHLYPTTRITVARVKLCVCLCWFCSTFYGSLLTKDVLKIPARYNSCYGECVFVINDIAGFIDLVSFIFFVPSVIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTA
VAVLQRLSSNQANKSELKAARNLGLVVVFLCYLPFYCYSLIEVNVINDSSFTFLIIVFYFNSCLNPLMYALFYSWFRNAVKLIITLQIFKHDTTEANMFx

>contig059766-BurTARs.A029

MEETELCFQQLFNTSCMRPRPHFIEMLTYILLSFISLLTVILNLLVIISVSH^{FR}QLHTPTNILLSLAVADFYVGLLLFFQIVLIDGCWFLGDIMCTLYQYLAYVITSASIGTMVI
ISVDRYLAICYPLHYSTKITQQRVKIVVCLCWICSVIFQSLIMDNLEQPGRYNSCIGECVFVINYIAGLVDTVTSFIVPVTIVIVLYLRVFFVAVSQARAMRSQCLAVTHQ
RSVTVTAKKSELKAAWTLGIIVVFLICMCPYCYVALTGQDNLPSASSLTFLVCLVFNNSCLNPIIYFFYPWFRKSIKIVITLQILQPDSCQATVLx

>contig065494-BurTARs.A030

MEETELCFQQLFNTSCMRPRPHFIEMLTYILLSFISLLTVILNLLVIISVSH^{FR}QLHTPTNILLSLAVADFYVGLLLFFQIVLIDGCWFLGDIMCTLYQYLAYVITSASIGTMVI
ISVDRYLAICYPLHYSTKITQQRVKIVVCLCWICSVIFQSLIMDNLEQPGRYNSCIGECVFVINYIAGLVDTVTSFIVPVTIVIVLYLRVFFVAVSQARAMRSQCLAVTHQ
RSVTVTAKKSELKAAWTLGIIVVVFLICMCPYCYVALTGQDLSPLSASSLTFLVCLAYFNSCLNPIIYFFYPWFRKSIKIVITLQILQPDSSKVTMRx

>contig057305-BurTARs.A031

MAETELCFPNLNSCSPRVKRPSPDSVLIIYVILTIIISLLTVALLNLLVIISISH^{FK}QLHTPTNHLLSLAVSDDFFVGLNMCQFSQMLVDGCWYLGDMCVLYYVFDIVVTSASVGT
MVLISVDRYVAICDPLHYPTKVTPKRVQTCVLMCWICSLLVVGLLKDNLKDPGRFNSCFGECVIVYDFAIQVTDLITLIPITVIVILYVRFAVAVFQIRAMQPHPAVAVTQ
RQKVSPKKSELKAARTLGIIVAFILCLFPYYSVILSGQDTLDDILSVTFLLCLFYFNSCLNPIIYAFFYFYPWFRKSVKLVITFQIVKSGSSDASMLx

>contig045302-BurTAR.A001

MDSSGGPPLCFPNLNSCRRLLRPTSQTVVLYTLTASISLLTVVLNLLVVISISHFRQLNTSTNTLLSLAVSDLLVGLLVMPIEGLYYIETCWLLGRLMCALSPYLSYCLISVS
LDSMVVLISVDRYVAICDPLLYSSKITVNRVKLSVCVCWACSSLLYNGCILMEHIGWPDFRSSHGECVVFISRALGTIDLFFSFLGPCALMFVLYMRVFFVAVSQVRRIIRSQA
AVRAPPAKKSELKAARTLGILIAVFLMCFCPYYPYPSFAGDDTSMNLPYYALFSWIMLTNSCVNPVYIALFYPWFRRAIRLIVTLRILQPHSRDVKILx

>contig020038-BurTAR.A002
MDRQDRIELCYPELANLSCRGLTRPOPEAFLLYTLFLSISVLTVALNVLVIISISHFRQLHMPTNVLLLSLAISDLLVGLLVMPEAMRFIETCWMLGDLMCAFTYIIGFTLTSASVGNMVLISIDRYVAICYPLQYPTKITHSRAELSVTLCWACSLLYNGMILKEHLRQPDHNTCHGQCLVVINYVSGAIDLVTFTIGPCSVIIIYMRVFFVVALSQAHAMRSHITA
AAAGTVKITAKKSEKKAARTLGVVVFVFLMSFCPPYYPSLAGQDISNSASSWAIVSWMLYFNNSCLNPLIYAFFYPWFRKAIRFIVSLKILEKGSSQANILx
>contig006087-BurTAR.B032
MELFNVTVNTVVSFLCDSQKNKLCVLLVYVLLSSFMLLTICGNLLVIISIIYFRYLHTPTNYLILSMAVADLLIGALIFPLSMTVSLKPCLYIYSLLCNLRSTMDVMTMGVSLLNLC
CISVDRYAVACHPLYIKTICDVAAMKMGSLGSWAVAILCGIFVLLFFLDECDTSCLFALIAASVVVYIPTIVLLFMYTKILVVALRQARSIHNTISQNTKSKAVSSSTERKATKT
LTIVIGIFLIFWVPLFLSYSFVPLDSFILYVLLPEPNWFAISNSMLNPFIYAFFYTWFRRAFKMIISGKIFQGDVTNIKLHx

>contig084868-BriTARs.A014
METQDEAELCFPQLFNTSCCKPKTSLSQVLLPYVVVFSVSLTVALNLVDISLSSFRQLHTPTNSLLSLAVSDFLIGLLMMPAKILGDTACWFLGQLTCSLSYICFIITSASV
GIMVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITERRVKLCVCLCWLCSVIYNILFIKNDLLQGERHTSCYGEVCFVIDYIVGTTDIVLTFIAPVTIVVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTAV
TLQLSVTLTAKKSEIKAARTLGLVVLVFLLGFCPPYIVSLLGNELFNSSSASIAIYLYFNNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKFVVTLLQLQPGSCEVSILx
>contig084876-BriTARs.A015
MDTQDVAELCFPQLFNTSCCKPITPLSEFVLHVLLSSISLTLVTLNLLVIISVSHYRQLHTPTNILLSLAVSDFLVGLLLMPGEILRNTACWFLGDLTCFMYDYMSLIVTST
SVGDMVLISIDRYVALCDPLHYPTTRITDRRVKLSVCLCWLSSVFYSSLFVKDDLTHSGKHNSCYGECTIVVDLITGTIDLLTFFVPVTIVVLYLRVFFVAVSQARAMRSHVT
AALQLSVTLTTKRSELKAARTLGLVVLVFLLCFCPPYCVTLARDDLNNSSVSFLLYLYFNNSCLNPLIYALYPWFRKAVKLIISLHILQPGSCEISILx
>contig084880-BriTARs.A016
MEIQMHPEAELCFPELLNSSCRKPTLHWSKTVLLNVGLSSISLITAAALNFIISVSHFRQLHTPSNIIILSLAVSDFVFCFLMPVEIFKNTACWVFGDLMCSLYTYLSCILINA
SFEMIILVSIDRYVAICDPLHYPTTRITVPRVKLCVFLCWFYAILYNIYTKHALINPGRYGSCYGEVCFVVDIIIGIVDFVVSILVPTIIVVLYTRVFFVAVSQARAMRSHVTAVTL
QRPLNQANKSELKAARNLGLVVFLACYPFCYCFYFLAGNEVNASSASSILVYVFNNSCLNPLMYALFYPWFRNAVKLIITLQILKANSSEINILQRx
>contig084886-BriTARs.A017
MOKEAELCFPQLINSSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLTLTAALNLLVIISISYFRQLHTPTNILLSLAVSDFLTGLLMLPEIIRNTACWVLGDLMCSVYTCLTGLFCVSTW
NVVLISVDRYVAICHPLHYPTTRITVARVKLCVCLCWFYASTFYGSLLTKDVLIKPARYNSCYGEVCFVINDIAGFIDLVSFIVPVSVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSRVTA
VTLQRSSNQAKKSELKAARTLGLVVLVFLACYPFCYSLIEVNINDSSSTFFLIIVLYFNNSCLNPLMYALFYSWFRNAVKLIITLQIFKHDTSEANMFx
>contig084887-BriTARs.A018
MEIPKGVELCFPQLNSSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLTLTAALNLLVIISVSHFRQLHTPSNILLSLAVSDFVGLLLLLPLEIFRKTSCWVLGDRMCSAYWYLTSSNIICAS
IGNIVLISVDRYVAICDPLHYPSRITLAKVLSVCLCWFYAFFYSNLYTKDIMIEPSRYNSCFGEVCFSSNIAIVDLILFFVPVTIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTALT
QRSLNQTNKSELKAARTLGLVVLVFLACFSPLYCYSLVDENAIIDPAASFVVIIFYNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKYDTSGANILx
>contig086337-BriTARs.A019
MEETELCFPKLLNISCRRPKRPHFEIMLTLYILLSFISLTLVILNLLVIISISHFRQLHTPTNILLSLAVADFFVGFMLFFQIVLIDGCWFLGDMICTLYQYLAFIITSASIGTMVIIS
ADRYLAICYPLHYSTKITQQRINICISLCWFFSVIFQSLIVKDNLKQPGKYNNSCIGECVFFVNYIAGIFDLLFSFIVPITIVVLYLRVFFVAVTQARAMRQCLAVTHQRSVTVTV
MKSELKAARTLGVVVVFLICMCPYYCVALTGQDNFLNASSAAFVCLVYFNNSCLNPIIYVFFYPWFRKSIKIATLQILQPDSCETNMHx
>contig086344-BriTARs.A020
MEETELCFPQLFNSSCVRQKHSQIEAVFLYTPLSSISVLTILNLLVIISIAHFKQLHTPTNILLSLAVSDFVGLIMACQISLLDGCWFLGDHMCALYTTLDIVYTSASVGT
MVFISADRYVAICDPLHYPTTEITKISVCICTCWACSYLNSLMKDNFKQPGRYNSCSDGCAVVIDYFVGIFDVLTVFGPVIIVLYLRVFFVAVSQARAMRSHITALRLQGS
ETVHAKKSELKAARTLGLVVLVFLICLFPFFCSSMVGQNSFFDIRSVPFERLLFYFNNSCLNPLIYTFYCYPWFLKSIKLIIVTFKIFRHGSSEASILx
>contig086351-BriTARs.A021
MAETELCFPNLSSCSRVKRSPSESVLIYVILTIIISLTLVILNLLVIISISHFKQLHTPTNYLLSLAVSDFVGFNMCFQSMIDGCWYLGDLMCVLYYVFEIVVTSASVGT
MVLISVDRYVAICDPLHYPTKVTPKRQVQTCVLICWICSLLVVGVLLKDNLDKPGRFNSCFGEVCFYIDFAIQVTDLIPTIIVLYRVFVAVFQIRAMQHVAAGTQRGK
VSPKKSELKAARTLGLVIVAFVLCFLPPYCYVILSGQDTLDDLILSLAFFLCLFYFNNSCLNPIIYALFYPWFRKSVKLIIVTFQIVKSGSSDASMLx
>contig082565-BriTARs.A022
MDTQDGAELCFPQLFNISCKKPTPLSQVLLIYTVVSSMSLLTVTLNLLVIAVSHFRQLHTPTNILLSLAVTDFLVGLLMPGEILRNTACWFLGQLTCSLYNYASYIIASAS
VGNMVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITERRVKLCVCLCWLCSVFYSYVILIDDLSPQGHKHSYCYGKCIIFIEFIAGFVDLVAFIPLTVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSQVTA
VTLQLSVTLTAKKSELKAARTLGLVVLVFLLCFCFSYIISLFGNELNSSSASIVYLYFNNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLIVTLQILQPGSCEVSILx

>contig025313-BriTAR.A002
MDSQDRIELCYPELANLSCRGLTRPOPEAVLLYTLFLSISVLTVALNVLVIISISHFRQLHMPTNVLLLSLAISDLLVGLLVMPEVETIRFIETCWLLGDLMCAFSYIIGFTLTSASV
GNMVLISIDRYVAICYPLQYPTKITHSRAELSVTLCWACSLLYNGLIKEHLRQPDHNTCHGQCLVVINYVSGAIDLVTFTIGPCSVIIIYMRVFFVAVSQAHAMRSHITAAA
AGRVKITAKKSEKKAARTLGVVVFVFLMSFCPPYYPSLAGQDISNSASSWAIVSWMLYFNNSCLNPLIYAFFYPWFRKAIFVIVSLKILEKGSSQANILx
>contig029633-BriTAR.A003
MDGTGGPPLCFPNLSSCRRLLRPTSQAALLYTLASVSLTVVLKLLVVVSISHFKQLHTPTNALLSLAMSDLLLGLFVMPIEGLCYIETCWLLGRLMCALSPYLSYCLLS
FSLGSMVLISVDRYVAICDPLLYSPTKIVNRVKLSVCVCWACSLLYNGCIMGHGWDPDRFSSCHGECVVFISRTSGTVDFFLSFLGPCAVMFVMYMRVFFVAVSQVRAIQS
QAAYRAYPAKKSELKAARTLGLIIVAFVCMFCPPYYPSLAGVDFTLSPSYAMVCMWIMLINACSNPNVIVLYFYFWFRRALRFVTLRLQPHSRDVKILx
>contig035253-BriTAR.B025
MTNIVNDLHPCYVIGDSKYMLTNSPSIICVFLYAFLALLSVITICGNLLVIISVIYFKQLHTPTNYLILSLAVADLLVGIIFPLSMAFSLSSCLYHEGLFCKVIRGTFDISLSTCSILN
LCCISIDRYHAVCQPLTYQTKISPRVVVFMLMSWGVSGIIGISVTIAGFNNEKCEESCLIDVLESTVGPMLSFYLPVTMMLFIYLKIFFVALRQARRIQNTTKCGQTASIMER
KATKTLAIVLGVFIFCWSPFFLSITFPPTSDSVPPVPIETLNLWTLANSMLNPFIYAFFYSWFRSAIRMIICGKIFQGDFAFNTNMTx

>contig066890-ZebTARs.A014
MDTQDGEELCFPQLFNISCKKPTPLSQVLLPYIVVFSMSLLTVILNLLVIAVSHFRQLHTPTNILLSLAVSDFFIGLLMPANIIRKKVCWFLGQLACLVTYVFSIITSASV
GIMVLISVDRYVAICDPLHYPTTRITRERVVKLCVCLCWLCSVIYNILLIKDELVQPGQHNSCYGECKILVDYIAGTTDIVLTFIAPITIVVLYMRVFFVAVSQARTMRSQVTA
VTLQLSVTLTTKKSELKAARTLGLVVLVFLICFCPHYCIFVFGGKVLNSSSATIVYLYFNNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLIVTLQILQPGSCEVSILx
>contig066691-ZebTARs.A015
MEIPKGVELCFPQLNSSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLTLTAALNLLVIISVSHFRQLHTPSNILLSLAVSDFVGLLLLLPLEIFRNTSCWVLGDRMCSAYWYLTSSNIICAS
IGNIVLISVDRYVAICDPLHYPSRISVAKISLSVCMCFYSAFYSTLCTKNILIEPGRYNSCYGEVCFITSDIAGIIDLVSFIVPVSVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTLVT
LQRSLNQTNKSELKAARTLGLVVLVFLACFSPLYCYSLVDENAINNPAASFVVIIFYNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKYDTSGANILx
>contig066285-ZebTARs.A016
MEKGAELCFPHLNNSCIKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLITAGLNLVIISVSHFRQLHTPSNILLSLAVSDFLVGLLIPAEIFRITVCWVFGESMCSLYTYLGYIVVTS
SSINIVLISVDRYVAICDPLHYPSRISVAKISLSVCMCFYSAFYSTLCTKNILIEPGRYNSCYGEVCFITSDIAGIIDLVSFIVPVSVIIVLYMRVFFVAVSQARAMHSHV
TATLQRSLNQTNKSELKAARTLGLVVLVFLACFSPLYCYFLVVEDKVSDDSSASIVVIVYFNNSCLNPLIYALFYPWFRNAVKVIITFQIFKHDSSEVNVLx
>contig066056-ZebTARs.A017
MEETELCFPQLNSSCVRQKRQIEAVCIYTLSSISLTLAVLNLLVIISIAHFKQLHTPTNILLSLAVSDFVGLIMAFEISLLDGCWFLGDHMCALYSSLDYIVTSASVGT
M

VLISADRYVAICDPLHYPTKITIKRVSVSICTCWACSIYNSLIMKDNFKQPGRYNSCSGDCVVIDYFVGIFDFVLTFFVGPVIVIVLYLRVFFVAVSQARAMRSHITALRLQGS
ETVHAKKSELKAARTLGLVLI AFLICLFPFFC SSMVGMQNSFFDIRSVPELLLYFN SCLNPLIYFTFCYPWFLKSIKLVTFKIFRHGSSEASILx
>contig062677-ZebTARs.A018
MGTQEKSELCPFPQLFNMSCKKPAIARSKAVFLHVLSSVSFLTVALNLLVIISVSHFRQLHPTNILLLSLAVSDFLVGLLLSPAELRSTACWFLGQPTCLMIFYVSLTITSAS
VGMIMVLISADRYVAICDPLNYPIRITDRRVQLCVCLCWLCSTITFSCFLVRDDLHQRRKQNSCYGKCVVVVQYIAGVVDLITFIVPVTIVIIVLYMRVFFVAVSQARMSRSHATA
VRNHLPMTLTKSELKAARTLGLVLVFLCMFCPPYCVSLVGEFFINSSASFAVYLFGLNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLVTQLQILQPGSSEVSILx
>contig062676-ZebTARs.A019
METQDEAELCFPQLFNISCKPKPTSLSQVLLPYVVVFSVSLTVALNLLVIVSVSHFRQLHPTNILLLSLAVSDFLIGLLMPAKILRDTACWFLGQLTCSLSYICFVVTS
SVGIMVLISVDYVAICDPLHYPTTRITDRRVKLCVCLCWLCSTVFNILFIKDDLLQRRHTSCYGECEVVIDYIVGTTDIVLTFIAPVTIVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSHVTA
VTLQLSVTLTAKKSELKAARTLGLVLVFLLYFCPPYIVSFFGYELLNSSASIVIYLYFN SCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLVTQLQILQPGSCEVSILx
>contig061417-ZebTARs.A020
MEIQKGAELCFPQLLNSSCRKPTLRWSKAVLLNIVLSCISLLTAALNLLVIISVSYFRKLHPTSNILLLSLAVSDFLMGLLLMPAEILRSMTCWVLGDLMCSVYFFLTVNITCA
SIGNIVLISIDRYVAICDPLHYSTRITVARVKLSVCLCWCFYSTFYCSLYTQEMLEPEGRYNSCYGECVVISDFAGMVDLILFFILPLSVIIVLYTRVFFVAVSQARAMRSHVTAV
TLQRSLNQTNKSELKAARTLGLVVVFLSCYCPFYCYSLTDKNVNDPATSSVIFIFYFN SCLNPLIYALFYPWFRNAVKLIITLQIFKHNSCEANILx
>contig061410-ZebTARs.A021
MDTQDVAELCFPQLFNTSCCKKPLSEFVFLHVLLSSISLLTVTLNLLIIISVSHYRQLHPTNILLLSLAVSDFLVGLLLMPGEILRNTACWFLGDLTCSMYNYMSLIVTSTSV
GDMVLISIDRYVAICDPLHYPTTRITDRRVKLCVCLCWLCSTVFSYSLFVKDDLTQPGKHNSCYGECTIDVDLITGTDILLTFFVPVTIVVLYLRVFFVAVSQARAMRSHVTA
ALQLSVTLTTKKSELKAARTLGLVLVFLLCFCPPYCVTLARDDLLNSSVSFLLYLFYFN SCLNPLIYALFYPWFRKAVKLIIISLHILQPGSCEISILx
>contig059768-ZebTARs.A022
MENVYGGQCFPQLLNTSCRKPLQHNNQITFLYILLCCISLLTVTLNVLVIISISHFRQLHNQTNLFLLSLAVSDLLVGLLLMPPRILLGGCWFLGTFMCGLFYYASFVLTSA
SVGNMVLISFDYVAICDPLSYPTTTERKVQISVCLCWACSLLYNGTILNNFLKQPDYNSCDGECIVVINFITGAFDVVVTFIGPTAVIIFLYMRVFLVAVSQARMSRSHVA
FVTSKGSVHVAIKKSERKAATTIGVVAVFLCMFCPPYFPSLAGQDTSTSEFSVFGVWLLYCN SCLNPLIYAFFYPPWFRKAVKLIVTLQILQPDSCDANILx
>contig053139-ZebTARs.A023
MEEPCLCFPKLLNISCIRPKRPHFEIMLTLYILLSFISLLTVILNLLVIISISHFRQLHPTNILLLSLAVADFFVGLLMFFQIVLIDGCWFLGDMICTLYQYLAFITSA SVGMTMVIS
ADRYLAICYPLHYSTQITQQRVNINISLCWFFSVIFQSLIVKDNLKQPGKYN SCSIGECVFFVNYIAGLFDLLFSFIVPITVIVVLYLRVFFVAVSQARAMRQCQAVTHQRSVTVT
VTKSELKAARTLGLVVVFLICMCPYCYVALTGQDNFLNASSAAFVCLVYFN SCLNPIIYVFFYPPWFRKSIKLIATLQILQPD SRETNMHx
>contig030471-ZebTARs.A024
MEIQKAAELCFPQLLNSSCRKPTLHWSKAVLLNIVLSCISLTAALNLLVIISVSHFRKLHPTSNILLLSLAVSDFLVGLLLMPLEIFRNTACWVLGDRMCSAYWYLTINIICASI
GNIVLISVDYVAICDPLHYPSRITLAKVKLSVCLCWCFYAFFYSNLYTKNIMIEPGRYNSCFGECVFFSSNIAIVADLILFFFVPVTIVIALYMRVFFVAVSQARAMRSHVTSVTL
QCSLNQANKSELKAARTLGLVVVFLACYCPFYCYALVDKNVNDSSASFVLLVYFN SCLNPLIYALFYPWFRKAIRCIVITLLIFKHDSSEVNILx
>contig030464-ZebTARs.A025
MQKEAELCFPQLLNSSCRKPTFHWSKAVLLNTVLCISLLTAALNLLVIISVSYFRQLHPTNILLLSLAVSDFLTGLLLMPLEIIRNTACWVLGDLMCSVYTYLTAGLFCAST
WHIVLISVDYVAICDPLHYPTTRITVARVKLCVCLCWFCSTFYGSLLTKDVLKIPARYNSCYGECVFFINDIAGFIDLVSFIFFVSVIIVLYMRVFFVAVSQARMSRSHVTA VTL
QRSSNQANKSELKAARNLGLVLVFLACYPFYCYSLIEVNVINDSSSTFFLIIVYFN SCLNPLMYALFYSWFRNAVKLIITLQIFKHDTSEANMFx
>contig030445-ZebTARs.A026
MDTQDGAELCFPQLFNISCKKPTPLSQVLLLYIVSSMSLLTVTLNLLVIAVSHFRQLHPTNILLLSLAVTDFLVGLLLMPGEILRNTACWFLGQLTCSLYNYVSYIITSAS
VGNMVLISVDYVAICDPLHYPTTRITERRVKLCVCLCWLCSTVFCYVILIDDL SQPGKHNSCYGRCIIIEFIAGFVDLFLSFIPLTVIIVLYMRVFFVAVSQARAMRSQVTA VTL
LQLSVTLTAKKSELKAARTLGLVLVFLLCFCSTFYFISLFGNDLLNSSASIVIYLYFN SCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLIVTLQILQPGSCEVSVLx
>contig066330-ZebTARs.A027
MEEAELCFQQLFNTSCMRPRRPHFEIMLTLYILLSFISLLTVILNLLVIISVSHFRQLHPTNILLLSLAVADFFVGLLLFFQIVLIDGCWFLGDMICTLYQYLAYVITSASIGTMVI
ISVDYLAICYPLHYSTKITQQRVKIVVCLCWICSVIFQSLIIMDNLEQPGRYNSCIGECVFFVINYIAGLVDTVTSFIVPFTVIVVLYLRVFFVAVSQARAMRSQAVTHQRSVT
VTAKSELKAAWTLGIIVVFLICMCPYCYVALTGQDLSPASSTFLVCLVYFN SCLNPIIYVFFYPPWFRKSIKIVITLQILQPDSSKVTMRx
>contig053145-ZebTARs.A028
MEEAELCFQQLFNTSCMRPRRPHFEIMLTLYILLSFISLLTVILNLLVIISVSHFRQLHPTNILLLSLAVADFFVGLLLFFQIVLIDGCWFLGDMICTLYQYLAYVITSASIGTMVI
ISVDYLAICYPLHYSTKITQQRVKIVVCLCWICSVIFQSLIIMDNLEQPGRYNSCIGECVFFVINYIAGLVDTVTSFIVPFTVIVVLYLRVFFVAVSQARAMRSQAVTHQRSVT
VTAKSELKAAWTLGIIVVFLICMCPYCYVALTGQDNLPSASSTFLVCLVYFN SCLNPIIYVFFYPPWFRKSIKIVITLQILQPDSCQATVLx
>contig030440-ZebTARs.A029
MDTQSRaelCFPQLFNTSCCKKPTPLSQVLLFHILMPMSMLLTVTLNLLVIAVSHFRQLHPTNILLLSLAAADFLIGLLFMPGEILRNTVCWFLGQLTCSLYNISFVVTSA
SVGDMVLISVDYVAICDPLHYPTTRITERRVKLCVCLCWLCSTVFCYMIVRDDL SQPGKHNSCFGECIIFVEFIAGFVDLVSFIIPVTIVVLYMRVFFVAVSQARAMRSQV
TAVTLQLSVTLTATKSELKAARTLGLVLVFLICFCPPYIVSLFGDEFLNSASASIVFYFLLNSCLNPLIYAMFYPWFRKAVKLIMTLQILQPGSCEVSILx

>contig040586-ZebTAR.A001
MDSSGGPPLCFPNLNSSCRLLRPTSQTVVLYTLASISLLTVVLNLLVVISISHFRQLNTSTNTLLLSLAVSDLLVGLLVMPIEGLDIETCWLLGRLMCALSPYLSYCLISVS
LDSMVLISVDYVAICDPLLYSSKITVNRVKLSVCVCWACSLLYNGCILMEHIGWPD RFSSCHGECVVFISRALGTIDLFFSFLGPCALMFVLYMRVFFVAVSQVRIIRSQA AV
RAAPAAKKSELKAARTLGLIAVFLMFCPPYYPSPFAGDDTSMSLPYALFSWIMLTNSCVNPVIYALFYPWFRRAIRLIVTLRIQLQPHSRDVKILx
>contig040586-ZebTAR.A002
MDGTGGPPLCFPNLNSSCRLLRPTSQAALLYTLASVSLTTVVLNLLVVVSISHFKQLHPTNALLSLAMSDLLVGLLVMPIEGLRYIETCWLLGRLMCALSPYLSYCLIS
VLSGSMVLISVDYVAICDPLLYSSKITVNRVKLSVCVCWACSLLYNGCILMEHIGWPD RFSSCHGECVVFISQTS GTVDFFLSFLGPCGVMFVLYMRVFFVAVSQVRAIQS
QA AVRAAPAAKKSELKAARTLGLIAVFLMFCPPYYPSPFAGVDTFLSLPSYAMVCWIMLINACVNPVIYVLFYPWFRRAIRFIVSLRIQLQPHSRDVKILx
>contig003909-ZebTAR.A003
MDRQDRIELCYPELANLSCRGLTRPOPEAVLLYTLFSLISVLTVALNVLVIISISHFRQLHMPTNVLLLSLAISDLLVGLLVMPVEAMRFIETCWLLGDLMCAFTYIIGFTLTSAS
VGNMVLISIDRYVAICYPLQYPTKITHSRVELSVTLWCACSLLYNGMILKEHLRQPNRHNTCHGQCLVINYVSGAIDLVTFTIGPCSVIIILYMRVFFVAVSQAHAMRSHITAA
AAGTVKITAKKSELKAARTLGVVIFVFLMSFCPPYYPSPFAGQDISNASASSWAIVSWMLYFN SCLNPLIYAFFYPPWFRKAIWFIIVSLKILEKGSSQANILx
>contig033536-ZebTAR.B029
MELFNVTVNTVSFLLCDSQKNKL CVLLVYVLLSSFMLLTCIGNLLVIISIIYFRYLHPTPTNYLILSMAVADLLIGALIFPLSMTVSLKPCLYIYSLLCNLRSTMDVMTMGVSLLNLC
CISVDYRYAVCHPLIYKTKITDCVAMKMLGSAVAILCGIFVLLFFILDECDTSCVFALIAASVVVYIPTIVLLFMYTKILVVALRQARSIHNTISQNTKSKAVSSTERKATKT
LTVIGIFILCWWPLFLSYSFVPLDSFilyVLLPEFNWFAISNSMLNPFIIYAFFYTWFRRAFKMIISGKIFQGDVNTNIKLHx

Tetraodon TAAR sequences

>TETRENSTNIP3225
MEPVFCKEKNISCVKTVYPLPFRVILYMLGVMMVIVTCGNLLTVTSIIFKQLHPTNY
LLVSLAVSDFLGLLVMLPNMIQS VETCWYFGDILCKVYLSIGVMLCTASIINLSLISID
RYNVVHILPRLYRRKM SGNVILLMISFSWGWGSGVVGFGMIFRNLILGIEDFYNSVACEGR
CIFLQSGMSSTVSSVLSFYIPGIIMISLYLKIFIVAKRQFLSIQNTTCMASARDSNKKQT
KATKTLVIMGAFLLCWAPFFVCNIIHFISYSTPAALFETFLWAGYINSTLNPIIYAFF
YTWFRKAFLRVFSGKIFKDDMSNITLF

>TETRENSTNIP1455
MEPVFCYESKNISCVKTVYPLPIRVILYMLGVMMVVVTCGNLLTVTSIIFKQLHPTNT
YLLVSLAVSDFLLGFFVMLPSMIQLVETCWYFGDILCKVHLSFAVMLCTASIINLSTISI

DRYNAVIHPLLYRRKMMSGNVVFLMIFFSWSVSGVVGFGMIFLRLNILGIEDFYNNFVACE
GRCVLLQSGLSSTVSSVLSFYIPGIIMISLYLKIFFVAKRQFLSIQNTSSMTSARDSNKK
QAKATKTLVVIMGAFLLCWAPFFLCNIIDPYISYSTPAALIETFLWVGYNSTLNPLIYA
FFYTWFRKAFCLFASGKVFKECMSNISLFTD
>TETRENSTNIP7922
MEPVFCFESQNSICVKT VYPLPIRVILYMLVGMVVIVTCGNLLVTVSIIYFKQLHTPTN
YLLVSLAVSDFLLGFLVMLPDMIQLVETCWYFGDILCKVHLSFAVMLCTTSIINLSLISI
DRYNAVIHPLLYRRKMMSGHVLLMISFSWSVSGVVGFGQIFLRLNILGIEDFYNNFVACE
GRCVLLQSGPSSSTVSSVLSFYIPGIIMISLYLKIFFVAKRQLLSIQNTTCMTSARDSDKK
QAKATKTLVVIMGAFLLCWAPFFLCNIIDPFISYSTPAALFETFWVLGYINSTLNPLIYA
FFYTWFRKSFCLFASGKVFKECMSNISLFTD

>TETRENSTNIP7160
MEPVFCYESKNFSCVKT VYPLPIRVILYMIFGVIVIVTCGNLLVTVSIIYFKQLHTPTN
YLLASLAVSDFLLGFLVMLPDMIQLVETCWYFGDILCKVHLSFAVMLCTTSIINLSLISI
DRYNAVIHPLLYRRKMMSGHVLLMIFFSWSVSGVVGFGMIFRLNILGIEDFYNFVACEG
RCVFLQSGMSSTLSSVLSFYIPGIIMINLYLKIFFVAKRQFLSIHNTTCMTSAQISNNKQ
AKATKTLVVIMGVFLLCWAPFFLCNIIDPFISYSTPAALFKTILWGGLFNSTLNPIIYAF
FYTWFRKAFHLFVSGKVFKECMSNTSLFVE

>TETRENSTNIP3518
MEPVFCFEKNISCVKT VYPLPFRVILYMLVGMVVIVTCGNLLVTVSIIYFKQLHTPTNY
LLVSLAVSDFLLGFLVMLPDVQSVETCWYFGDILCKVHLSSDVMLCTASIMNLSLIAID
RYNAVIHPLLYRRKMMSGHVLLMIFFSWSVSGVVGFGMIFRLNIFGTEDFYNNFVACEG
KCLLFQRGLSGTVLSVLSFYIPGIIMISVYLKIFFVAKKQFLSIQNTTCMTSARDSDKKQ
AKATKTLVVIMGAFLLCWAPFFLCHIIDPLISYSTPAAMFETFWVLGYINSTLNPLIYAF
SYTWFRKAFRLFASGKVFKAGYVKHFFPYSLNG

>TETRENSTNIP7161
MEPVFCVESKNISCVKT VYPLPFRVILYMLVGVTVIVTCGNLLVTVSIIYFKQLHTPTN
YLLVSLAVSDFLLGFLVMLPDMIQLAETCWYFGDILCKVHLSFAVMLCTASIMNLSLISI
DRYNAVIHPLLYRRKMTGNVLLMIFVSWSIGVVGFGMIFRLNILGIEDFYKDFVACE
GRCILFQSGMSSTVSSVLSFYIPGIIMICVYLKIFFVAKRQFLSIQNTTCMTSARISNKK
QTKATKTLVVIMGAFLLCWAPFFLCNIDPFISYSTPAALMKTFGWVGFINSTLNPLIYA
FFYTWLRKAFCLFASGKVFKECMSNITLFTD

>TETRENSTNIP7869
MVLGVMVIVTCGNLLVTVSIIYFKQLHTPTNYLLVS
LAVSDFLLGFLVMLPDMIQLVETCWYFGDILCKVYMSSDVMLCTASIMNLSLISIDRYNA
VIHPLLYRRKMMSGHVLLMISFSWSVSGVVGFGQIFLRLNILGIEDFYNNFVACEGRCVL
LQSGPSSSTVSSVLSFYIPGIIMISLYLKIFFVAKRQLLSIQNTTCMTSARDSDKKQAKAT
KTLVVIMGVFLLCWAPFFLCNIIDPFISYSTPALFETFIWVLGYINSTLNPLIYAFYTW
FRKAFCLFASGKVFKECMSNISLFTD

>TETRENSTNIP2491
MDSNGDPWLCFANLNSSCKRLNQTFSETAVLNSLLASISLVTVTNLLVIVSISHFRQLH
TPTNALLSLAVSDLLVGLLVMPIEGLRYVETCWLLGSLMCALTPYYSYSVLSASVGNMV
LISIDRYLAICDPLLYSNKVT LKRAKIAICVCWAGSLFYNGCILIGHLKHPDRYSSCHGE
CVVLIDHISGTADLFITVFPCTIMVVMYMRVFAAAVAQMRVIRLQNAAVAVNAATTYVK
SEWKAARTLGIVIAVYLMCFCPYYYPALAGDTSNLSYFAALSWMIMNSCVNPLIYAL
FYPWFRRSIKLIITLRILRSYSSEIKII

>TETRENSTNIP3943
MDSNGDPWLCFANLNSSCKRLNRTFSETAVLNSLLASISLVTVTNLLVIVSIS
HFRQLHTPTNALLSLAVSDLLVGLLVMPIEGLRYVEMCWRLGKLMCVLAPYYSYSVLSA
SVGNMVLISIDRYLAICDPLLYSNKVT LKRAKIAVCVCWAGSVLHNGCILIGHLKHPERY
SSCHGECVVVIDHISGTVDLFITFFAPCTIMVVMYMRVFAAAVAQMRVIRLQNAAVAVNT
ATTVKKSEWKAARTLGIVSVFLMCFCPYYYPAFAGEDTSNNSSYFAALVWIMMINSCMN
PLIYALFYPWFRRSIKLIITLRILRSYSITFTLKKI

>TETRENSTNIP216
EPGLTVNDTSTLDEIHPCYTSHGKAYTFMHIA SVKCVLFYIFLGLLSVVTVCGNVLVIIS
VVYFKQLHVRNTNYLILSLAVADLLGVLVFPFSMAFTVTSCWYQENSFCKIRIFLDVTL
TASILNCCISIDRYAYVCPPTYKSKINDRIIGIMILVSWGVAASVAICIVYGENVDGK
CEESCLTDAVISTTLCIFSFLPVIVMLKIYMKIFFAARKQAKKIQNAKPGATVSKMER
KATKTLAIVMGVFLLCWTPYFLTIFQPLIHNTISIVIEALSWLALLNSMLNPFYIAFF
YSWFRSAFRIMSGKIFYSDYSNTKLL

>Chr1-Tetra.TARs.006
MRYTLCVLLFNNDSTCVNKLLQK LKAVNVLVIFFLIAVNLLKISRFTSLRHFQTTTNLILLSMAVSDFLVGLAVMPLMIVTLDSCRGTSTVVCYLYHLFSFILTSASVGNMV
LISVDRYVAICYPLRYSSIKPNRVKICVSLCWISSVIYNFILLNDYLSQLDFTSSCYKKCILIYDYLIVDVVITFCVPLTVIIVLYSRVAVTQARAMRAQVSTISSQSVSAMK
SEMRAARTLGIIILFFLMSFFPYISLTDGGLSDEALTGQLLLFFCNSTINPIIYAFFYWPFRKSLKVLVSGKYCGL

>Chr1-Tetra.TARs.002
MVMILLEDGCISPFNTSCRFMSGSWKSTLTSAAFLCPLSPLTVVLNLLVFSISHVRLHQTNTNILLSMAVSDLLVGLAVMPLIIVTLDSCQGTSTFECYLYQLLGLITSASVG
NMVLISVDRYVAICYPLRYSSIKPNRVKLCVSLCWICSVIYSFILMKDSLIDFVTCYKKCILFINFILVIDVIVITFYVPLTVIIVLYSRVAVTQARAMRAQVSTISSQSVS
AMKSEMRAARTLGIIIVFLMSFLPYIYSLTGHSTDTESVANQLILFCNSTINPIIYAFFYWPFRNNVKVIISGKVFG