

Species	Name	ID	-10	1	10	20	30	40	50	60	70	80	90	100	110	120
<i>Protobothrops elegans</i>	Basic PLA2	comp43_c0_seq1	M R T L W I M A V L L L G V E G	S L I E L W K M V F Q E T G K N P V K N Y G L Y G C N G G V G R R G K P K D A T D R C C F V H R C C Y K K V T G C D P K K D R Y S Y S W E N K A I V C G E K N P P ~ G L K Q V C E C D K A V A I C L R E N L G T Y N K N H R V T V K F L C K A P E S C												
<i>Protobothrops microsquamatus</i>	Promutoxin	gi 123913277 sp Q2PWA3.1 PA2HP_PROMU	M R T L W I M A V L L L G V E G	S L I E L G K M V F Q E T G K N P V K N Y G L Y G C N G G V G R R G K P V D A T D S C C F V H R C C Y K K V T G C D P K K D R Y S Y S W E N K A I V C G E K N P P ~ G L K Q V C E C D K A V A I C L R E N L G T Y N K N H R V T V K F L C K A P E S C												
<i>Protobothrops mangshanensis</i>	Zhaoermiutoxin	gi 115502551 sp P84776.1 PA2H_ZHAM	M R T L W I M A V L L L G V E G	S L I E L G K M V F Q E T G K N P V T Y Y T L Y G C N G G V G R R G K P K D A T D R C C F V H R C C Y K K L T G C D P K K D R Y S Y S W E N K A I V C G E K N P P ~ G L K E L C E C D K A V A I C L R K N L G T Y D K K H R V T M K F L C K A P E S C												
<i>Calloselasma rhodostoma</i>	Basic PLA2 homolog G6K49	gi 27151658 sp Q9PVF3.1 PA2BF_CALRH	M R T L W I M A V L L L G V E G	S L I E L G K M I F Q E T G K N P V K N Y G L Y G C N G G V G N R R G K P V D A T D R C C F V H K C C Y K K V T G C D P K K D R Y S Y S W E N K A I V C G E K N P P ~ G L K E L C E C D K A V A I C L R E N L G T Y D K K H R V T V K F L C K A P E S C												
<i>Protobothrops microsquamatus</i>	Basic phospholipase A2 homolog	gi 129468 sp P22640.1 PA2H_PROMU	M R T L W I M A V L L L G V E G	S L I E L G K M I F Q E T G K N P V K N Y G L Y G C N G G V G N R R G K P V D A T D R C C F V H K C C Y K K V T G C D P K K D R Y S Y S W E N K A I V C G E K N P P ~ G L K Q V C E C D K A V A I C L R E N L G T Y N K N H R V T V K F L C K A P E S C												
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Basic Protein I	gi 222953 dhj BAA01561.1	M R T L W I M A V L L L G V D G	S L I V L W K M I F Q E T G K E A A K N Y G L Y G C N G G V G R R G K P K D A T D S C C Y V H K C C Y K K V T G C D P K M D S Y S Y S W K N K A I V C G E K N P P ~ G L K Q V C E C D K A V A I C L R E N L G T Y N K K Y T I Y P K P F C K K A D T C												
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Basic Protein II	gi 408407672 sp PODJ9.1 PA2B2_PROFL	M R T L W I M A V L L V G V D G	S L V Q L W K M I F Q E T G K E A A K N Y G L Y G C N G G V G R R G K P K D A T D S C C Y V H K C C Y K K V T G C N P K M D S Y S Y S W K N K A I V C G E K N P P ~ G L K Q V C E C D K A V A I C L R E N L G T Y N K K Y T I Y P K P F C K K A D T C												
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Basic Protein III	gi 408407673 sp C7G1G6.1 PA2B3_PROFL	M R T L W I M A V L L V G V D G	S L V Q L W K M I F Q E T G K E A A K N Y G L Y G C N G G V G R R G K P K D A T D S C C Y V H K C C Y K K V T G C N P K M D S Y S Y S W K N K A I V C G E K N P P ~ G L K Q V C E C D K A V A I C L R E N L G T Y N K K Y T I Y P K P F C K K A D T C												
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Pf PLA2 4	comp552_c0_seq1		S L I F L G K M I L Q E T G K N S V K S Y G V Y G C N G G V G R G K P K D A T D R C C F V H R C C Y K K V T G C D P K K D R Y S Y S W K N K A I V C G E K N P P ~ G L K Q V C E C D K A V A I C L R E N L G T Y N K N H R V T V K F L C K A P E S C												
<i>Bothrops leucurus</i>	Basic PLA2	gi 353678055 sp P86975.1 PA2HB_BOTLC		S L I F L G K M I L Q E T G K N S V K S Y G V Y G C N G G V G R G K P K D A T D R C C F V H R C C Y K K L T G C D P K K D R Y S Y S W K E K T I V C G E K N P P ~ G L Q E L C E C D K A V A I C L R E N L G T Y N K K Y R Y H L K P F C K K A D P C												
<i>Trimeresurus gracilis</i>	Basic PLA2 Tgc-K49	gi 40339948 sp A8E2V9.1 PA2B_TRIGS	M R T L W I V A V L L V G - E G	S L I Q L W E M I L F Q E T G K G A A K Y G L Y G C N G M G H R G R P V D A T D R C C V H K C C Y K K L T G C D P K T D R Y S Y S W K E G A I V C G G D D P ~ C R K E L C E C D K A T T I C F R D N L D T Y D K K Y K I Y L K F L C K K P E P C												
<i>Cerrophidian godmani</i>	GODMT-II	gi 3122600 sp P81165.1 PA2H2_CERGO		S M Y Q L W E M I L Q E T G K N A V P S Y G L Y G C N G G V G R G K P K D A T D R C C F V H K C C Y K K L T G C S P K T D S Y S Y S W K E K T I V C G E K N P P ~ G L Q E L C E C D K A V A I C L R E N L D T Y N K N Y K I Y P K P L C K K A D A C												
<i>Bothrops jararacussu</i>	Bothropstoxin Ia	gi 51890398 emb CAA55334.2		S L I F L G K M I L Q E T G K N P A K S Y G A Y G C N G G V L G R G K P K D A T D R C C Y V H K C C Y K K L T G C D P K K D R Y S Y S W K D K T I V C G E K N P P ~ G L K E L C E C D K A V A I C L R E N L G T Y N K K Y R Y H L K P F C K K A D A C												
<i>Bothrops brazili</i>	BBTX-II	gi 558705001 pdb 4K09		S L I F L G K M I L Q E T G K N P A K S Y G A Y G C N G G V L G R G K P K D A T D R C C Y V H K C C Y K K L T G C D Q K K D R Y S Y S W K K T I V C G E K N P P ~ G L K E L C E C D K A V A I C L R E N L G T Y N K K Y R Y H L K P L C K K A D A C												

Species	Protein Name	Accession	Sequence
<i>Protobothrops elegans</i>	Acidic Phospholipase A2	gi 123913236	sp Q21683.1 PA2A_PROEL
<i>Protobothrops mucrosquamatus</i>	Acidic Phospholipase A2 1	gi 233996784	sp Q91566.1 PA2A1_PROMU
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Phospholipase A2	gi 436247	djh BAA01565.1
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Acidic Phospholipase A2	gi 129417	sp P06859.2 PA2A1_PROFL
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Phospholipase A2 isozyme	gi 222959	djh BAA01563.1
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	PI PLA2 2	comp41_c0_seq1	
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Phospholipase A2	gi 355040	prf 1202299A
<i>Timemurex gracilis</i>	Acidic Phospholipase A2	gi 403399517	sp AB2V8.1 PA2A_TRIGS
<i>Bothrops moenii</i>	Acidic Phospholipase A2	gi 403399514	sp G3DT18.1 PA2A_BOTMO
<i>Viridovipera stejnegeri</i>	Acidic Phospholipase A2	gi 82201337	sp Q6H3C9.1 PA2AC_TRIST
<i>Cerrophidion godmani</i>	D1E6b Phospholipase A2	gi 59727030	3CW992119.1

<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Basic Phospholipase A2 PL-Y	gi 28212211 sp Q9QY77.1 PA2BY_PROFL	M R T L W I M A V L L V G V E G H L L Q F R K M I K K M T G K E P I V S Y A F Y G C Y G K G G R G K P K D A T D R C C F V H D C C Y E K V T G C D P K W D Y Y T Y S S E N G D I V C G G D N P C T K V V C E C D K A A A I C F R D N L K T Y - K K R Y M T F P D I F C T D P T E K C
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Phospholipase A2	gi 527102756 dbj BAN6283.1	M R T L W I M A V L L V G V E G H L L Q F R K M I K K M T G K E P I V S Y A F Y G C Y G K G G R G K P K D A T D R C C F V H D C C Y E K V T G C D P K W D Y Y T Y S S E N G D I V C G G D N P C T K V V C E C D K A A A I C F R D N L K T Y - K K R Y M T F P D I F C T D P T E K C
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Basic phospholipase A2 PL-X	gi 464330 sp QO2517.1 PA2BW_PROFL	M R T L W I M A V L L V G V E G H L L Q F R K M I K K M T G K E P I V S Y A F Y G C Y G K G G R G K P K D A T D R C C F V H D C C Y E K V T G C D P K W D Y Y T Y S S E N G D I V C G G D N P C T K V V C E C D K A A A I C F R D N L K T Y - K K R Y M T F P D I F C T D P T E K C
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Phospholipase A2	gi 211926921 dbj BAG82670.1	M R T L W I M A V L L V G V E G H L L Q F R K M I K K M T G K E P I V S Y A F Y G C Y G K G G R G K P K D A T D R C C F V H D C C Y E K V T G C D P K W D Y Y T Y S S E N G D I V C G G D N P C T K V V C E C D K A A A I C F R D N L K T Y - K K R Y M T F P D I F C T D P T E K C
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Basic Phospholipase A2 PLA-B	gi 28201849 sp Q8JIG0.1 PA2BK_PROFL	M R T L W I T A V L L V G V E G H L L Q F R K M I K K M T G K E P I V S Y A F Y G C Y G K G G R G K P K D A T D R C C F V H D C C Y E K V T G C D P K W D Y Y T Y S S E N G D I V C G G D N P C T K V V C E C D K A A A I C F R D N L K T Y - K K R Y M T F P D I F C T D P T E K C
<i>Glycydus haly</i>	Basic Phospholipase A2	gi 27151647 sp O42187.2 PA2BB_GLOHA	M R A L W I V A V L L V G V E G S L L Q F R K M I K K M T G K E P V S Y A F Y G C Y G S G G R G K P K D A T D R C C F V H D C C Y E K L T G C D P K W D Y Y T Y S W K N G T I V C G G D N P C K K E V C E C D K A A A I C F R D N L K T Y - K K R Y M T Y P N I L C S S K S K

Species	Protein	Accession	Sequence
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	PLAN(N/O)	gi 28268779 dbj BAC56893.1	M R T L W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K I M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G R P K D A T D R C C F V H D C C Y E K L T D C S P K S D I Y S Y S W K T G V I I C G G E G T E C K K Q I C E C D R A A A V C F G Q N L R T Y K N K Y M F Y P D F L C T D P S E K C
<i>Protobothrops flavoviridis</i>	Basic Phospholipase A2 PLAN	gi 48428373 sp Q80542.2 PA2BN_PROFIL	M R T L W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K I M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G R P K D A T D R C C F V H D C C Y E K L T D C S P K S D I Y S Y S W K T G V I I C G G E G T E C K K Q I C E C D R A A A V C F G Q N L R T Y K N K Y M F Y P D F L C T D P S E K C
<i>Protobothrops mucrosquamatus</i>	Basic Phospholipase A2 Trimucrotoxin	gi 26006835 sp Q90W39.1 PA2BT_PROMU	M R T L W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K I M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G R P K D A T D R C C F V H D C C Y E K L T D C S P K S D I Y S Y S W K T G V I I C G G E G T E C K K Q I C E C D R A A A V C F G Q N L R T Y K N K Y M F Y P D F L C T D P S E K C
<i>Sistrurus miliaris</i>	Phospholipase A2	gi 166012664 gb ABY77926.1	M K T F W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K I M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G R P K D A T D R C C F V H D C C Y E K L T D C S P K S D I Y S Y S W K T G V I I C G G E G T E C K K Q I C E C D R A A A V C F G H N L R T Y K K R Y M F Y P D F L C T D P S E K C
<i>Sistrurus miliaris streckeri</i>	Basic Phospholipase A2 Sms-N6	gi 82200841 sp Q6ER1.6 PA2B_SISMS	M R T L W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K I M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G R P K D A T D R C C F V H D C C Y E K L T D C S P K S D I Y S Y S W K S G V I I C G G E G T P C E K K Q I C E C D R A A A V C F G E N L R T Y K K R Y M F Y P D F L C T D P S E K C
<i>Cerrophidion godmani</i>	Basic Phospholipase A2 Ceg-N6	gi 82200840 sp Q6ER5.1 PA2B_CERGO	M R T L W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K I M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G R P K D A T D R C C F V H D C C Y E K L T D C S P K S D I Y S Y S W K S G V I I C G G E G T P C E K K Q I C E C D R V A A V C F G T N L R T Y K K R Y M F Y P D F L C T D P S E K C
<i>Bothriechis schlegelii</i>	Basic Phospholipase A2 PA2B_BOTSC	gi 82200839 sp Q6ER4.1 PA2B_BOTSC	M R T L W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K I M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G Q Q P L D A T D R C C F V H D C C Y E K L T D C S P K S D I Y S Y S W K S G V I I C G G E G T P C E K K Q I C E C D R V A A V C F G A N L G T Y K K S Y M F Y P D F L C T E P S E K C
<i>Sistrurus miliaris</i>	Phospholipase A2	gi 166012666 gb ABY77927.1	M K T F W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K I M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G R P K D A T D R C C F V H D C C Y E K L T D C S P K S D I Y S Y S W K S G V I I C G G E G T P C E K K Q I C E C D R A A A V C F G E N L R T Y K K R Y M F Y P D F L C T D P S E K C
<i>Sistrurus miliaris</i>	Phospholipase A2	gi 166012668 gb ABY77928.1	M R T L W I V A V L L V G V E G H L L Q F N N M I K F E T K K N A F P F Y A F Y G C Y G W G G R G R P K D A T D R G C F V H D C C Y E K L T D C S P K S D I Y S Y S W K S G V I I C G G E G T P C E K K Q I C E C D R A A A V C F G E N L R T Y K K R Y M F Y P D F L C T D P S E K C
<i>Crotalus viridis viridis</i>	Basic Phospholipase A2 Cvv-N6	gi 82092667 sp Q71QE8.1 PA2BN_CROVV	M R T F W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K M M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G R P K D A T D R C C F V H D C C Y E K L T N C S P K S D I Y S Y S W K R G V I I C G K E G T P C E K K Q I C E C D R A A A V C F R E N L R T Y K K R Y M F Y L D F L C T D P S E K C
<i>Sistrurus catenatus tengerinus</i>	Phospholipase A2	gi 166012672 gb ABY77930.1	M R T F W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K I M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G R P K D A T D R C C F V H D C C Y E K L T D C S P K S D I Y S Y S W K S G V I I C G G E G T P C E K K Q I C E C D K A A A V C F G E N L R T Y K K R Y M F Y P D F L C T D P S E K C
<i>Deinagkistrodon acutus</i>	Basic Phospholipase A2 DAV-N6	gi 97180272 sp Q1ZY03.1 PA2B_DEIAC	M R T L W I V A V L L V G V E G H L L Q F N K M I K I M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G W P K D A T D S C C F V H D C C Y Q K L T G C S P K W D I Y Y S W K T G V I I C G G E G T P C E K K I C E C D R A A A V C L G E N L R T Y K K R Y M F Y P D F L C K K P S K Q C
<i>Sistrurus catenatus tengerinus</i>	Basic Phospholipase A2 Scr-N6	gi 82200838 sp Q6ER3.1 PA2B2_SISCT	M R T L W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K I M T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R G R P K D A T D R C C F V H D C C Y E K L T D C S P K S D I Y S Y S L K S G V I I C G G E G T P C E K K Q I C E C D K A A A V C F G E N L R T Y K K R Y M F Y P D F L C T D P S E K C
<i>Oviphis monticola</i>	Phospholipase A2	gi 347516488 gb AEO99169.1	M R T L W I V A V L L V G V E G N L L Q F N K M I K E E T K K N A F P F Y T S Y G C Y G W G G R Q Q Q P K D G T D R C C F V H D C C Y G K L T N C S P K S D I Y S Y S L K S G V I I C G G E G T P C E K K Q I C E C D R V A A I C L R R N L R T Y K N S Y M F Y P D F L C T G P T E T C

