

Additional file 7: Table S5. Identification of gene conversion events in the VQ motif family

Species	Gene conversion pairs	P-value	Begin	End	Length
<i>Zea mays</i>	<i>GRMZM2G023921</i> vs <i>GRMZM2G055404</i>	0.0065	12	36	25
	<i>GRMZM2G064903</i> vs <i>GRMZM2G055404</i>	0.0121	12	36	25
<i>Glycine max</i>	<i>GLYMA13G26290</i> vs <i>GLYMA14G34680</i>	0.023	40	54	15
	<i>GLYMA15G37230</i> vs <i>GLYMA14G34680</i>	0.023	40	54	15
<i>Brassica rapa</i>	<i>Bra022675</i> vs <i>Bra008473</i>	0.0049	19	33	15
	<i>Bra035182</i> vs <i>Bra037588</i>	0.0235	53	72	20
	<i>Bra039565</i> vs <i>Bra007505</i>	0.0438	23	33	11
	<i>Bra003032</i> vs <i>Bra008473</i>	0.0447	19	33	15
<i>Brachypodium distachyon</i>	<i>BRADI1G35890</i> vs <i>BRADI1G32060</i>	0.0332	31	49	19
	<i>BRADI4G00780</i> vs <i>BRADI1G35890</i>	0.0477	49	71	23
<i>Selaginella moellendorffii</i>	<i>SELMODRAFT_415509</i> vs <i>SELMODRAFT_438797</i>	0	106	209	104
	<i>SELMODRAFT_415509</i> vs <i>SELMODRAFT_438797</i>	0	24	104	81
	<i>SELMODRAFT_410083</i> vs <i>SELMODRAFT_442289</i>	0.0442	46	194	149