

Table S3. Intron contents in the mitogenomes of three *Melastoma* species.

Gene	Intron	Type	Length (bp)		
			<i>M. candidum</i>	<i>M. sanguineum</i>	<i>M. dodecandrum</i>
<i>ccmFC</i>	intron1	<i>cis</i>	962	961	957
<i>cox2</i>	intron1	<i>cis</i>	1,106	1,106	1,106
	intron1	<i>trans</i>	-	-	-
<i>nad1</i>	intron2	<i>cis</i>	1,335	1,335	1,335
	intron3	<i>trans</i>	-	-	-
	intron4	<i>cis</i>	3,091	3,091	3,091
	intron1	<i>cis</i>	1,006	1,006	1,006
<i>nad2</i>	intron2	<i>trans</i>	-	-	-
	intron3	<i>cis</i>	2,235	2,235	2,236
	intron4	<i>cis</i>	1,499	1,499	1,499
	intron1	<i>cis</i>	1,440	1,440	1,440
<i>nad4</i>	intron2	<i>cis</i>	3,744	3,742	3,765
	intron3	<i>cis</i>	2,268	2,268	2,268
	intron1	<i>cis</i>	853	853	853
<i>nad5</i>	intron2	<i>trans</i>	-	-	-
	intron3	<i>trans</i>	-	-	-
	intron4	<i>cis</i>	1,099	1,099	1,099
<i>nad7</i>	intron1	<i>cis</i>	913	913	912
	intron2	<i>cis</i>	1,032	1,032	1,032
	intron3	<i>cis</i>	976	976	975
	intron4	<i>cis</i>	1,687	1,687	1,687
<i>rpl2</i>	intron1	<i>cis</i>	1,505	1,505	1,505
<i>rps3</i>	intron1	<i>cis</i>	1,214	1,214	1,215
<i>rps10</i>	intron1	<i>cis</i>	789	789	789