

	100	110	120	130	140	
SiH1.1	LEEKHGGN..LP	NFRKLLAVOL	KKLAAAGKLT	RVK.NSFK	LP	SARPA.....VEPK...AAPK.....
SbH1.3	VEEKHGGGK..LP	NFRKLLTSOL	KKLAAAGKLT	RVK.NSFK	LP	VTARPA...D.....AKPK...AAAK.....
ZmH1.5	VEGKHGGGK..LP	NFRKLLTVOL	KKLAAAGKLT	RVK.NSFK	LP	ATD.....AKPK...AAK.....
OsH1.2	LEDKHKDDH..LP	NFRKLLLVOL	KKLVAAGKLT	KVK.NSVK	LP	TRAPAAAKPK.....AKPA...AAAKPKPKP
SbH1.1	VEDKHKDDK..LP	NFRKLLLVOL	KKLVAAGKLT	KVK.NSVK	LP	APARAATKPK.....PKPK...AAPK.KPK
ZmH1.9	VEDKHKDDK..LP	NFRKLLLVOL	KKLVAAGKLT	KVK.NSVK	LP	PAR.APAAAKPK.....PKSK...TAVK.KPK
ZmH1.2	VEDKHKDDK..LP	NFRKLLLVOL	KKLVAAGKLT	KVK.NSVK	LP	SSA.....TKPK...AAPK.KTK
ZmH1.3	VEDKHKDDK..LP	NFRKLLLVOL	KKLVAAGKLT	KVK.NSVK	LP	SSA.....ATKPN.....PKPK...AAPK.KPK
OsH1.5	IHANHGAN..LP	NFRKLLLVOL	KKLVAAGKLT	KVK.NSVK	LP	SSSTRPAPAAAD.....AKPK...APA.....
SiH1.5	MEDKHGAS..LP	ANYKKMLSIOL	RGFPAAGKLV	KVK.ASVK	KL	DAAKKDS.....PK...AKPA.AAK
SbH1.4	MEDKHGAS..LP	ANYKKMLSIOL	RGFPAAGKLV	KVK.ASVK	KL	DAAKKAA.....PKPK...AKLA.AAK
ZmH1.1	VGDKHGAS..LP	ANYKKMLSIOL	RGFPAAGKLV	KVK.ASVK	KL	DAAKKAS.....PKTKAKPAKAA.AAK
OsH1.3	MEDKHGAS..LP	ANYKKMLSIOL	RGFPAAGKLV	KVK.ASVK	KL	DAAKDS.....PKAK...PAAP.APK
AtH1.1	IEEKRRKE..LP	TFRKLLLVNL	KRLVASEKLV	KVK.ASFK	KL	PSASAKA.....SSPK...AAAE.KSA
AtH1.6	IEEKHKKS..LP	TFRKLLLVNL	KRLVASEKLV	KVK.ASFK	KL	PSARSAAT.....PKPA...APVK.KKA
SiH1.3	MGEKHRDV..LP	ANYRKVLAVOL	RNFPAAGKLV	KVK.ASFK	KL	AAAE.....E.....KKPA...AAMA.RAK
SbH1.6	IGEKHRDV..LP	ANYRKVLAVOL	RNFPAAGKLV	KVK.ASFK	KL	AAAE.....E.....KKAA...AASA.AAK
ZmH1.10	MGEKHRDV..LP	ANYRKVLAVOL	RNFPAAGKLV	KVK.ASFK	KL	AAAE.....E.....RKPS...AAAK.AKK
OsH1.4	MGEKHMVG..LP	ANYRKVLAVOL	RNFPAAGKLV	KVK.ASFK	KL	AAAE.....E.....KKAT...AKA.ARS
BbH1.1	IPKYYT...LP	AGWEKVLVSOL	KKLVASGKIV	KVK.GSVK	KL	GEEL.....K.....KKPV...KKVV.KKL
BbH1.2	IPKYYT...LP	AGWEKVLVSOL	KKLVASGKIV	KVK.GSVK	KL	GEEL.....K.....KKPV...KKAI.RKA
AtH1.5	IEEKHKSL..LP	SFRKLLSLOL	KNSVAKGLV	KVK.ASVK	KL	SDTTKMITRQD.....KKNK...KMK.QED
SiH1.2	LKNKCRAS..LP	SDHTSLLTINL	GRMKSSGELV	FKR.NNXY	FR	PDG.....DEEVKEEPPSATAPAGPASPL...RPDG.YKDPVDEDSTGVF
SiH1.4	IEGKY.GE..LP	AHASLLTAHL	ARMKESGELIF	LK.NNXY	FR	ADAP.....D.....APP.....
SbH1.5	IEGKY.GE..LP	AHASLLTAHL	ARMKESGELIF	LK.NNXY	FR	ADAP.....D.....APP.....
ZmH1.7	IEGKY.GS..LP	AHASLLTAHL	ARMKESGLVF	LK.NNXY	FR	ADAP.....D.....APP.....
ZmH1.11	IEGKYVDGD..LP	AHASLLTAHL	ARMKESGLVF	LK.NNXY	FR	ADAP.....D.....APP.....
OsH1.6	IEGKYVEGL..LP	AHPSLLTAHL	ARMKQTGLAF	SK.NNXY	FR	DDP.....S.....LPP.....
AtH1.2	IESIQ.QT..LP	SHMTLLSYHL	NQMKKTGOLIM	VK.NNXY	MP	D.P.....D.....APP.....
ZmH1.6	IKGSYGSN..LP	AHNAVLTTGL	ARMKATGLAF	LR.NNXY	LL	PNED.....E.....ASPL...STGG.HKGPAAEEESTGVL
SiH1.7	IEAARGD..LP	ASHPALVAAHL	SRMSAAGELVAV	AGGKVAL	PPP	P.....PPPP...APLA.PESPADD.....
SbH1.2	IEAARGD..LP	ASHPALVAAHL	SRMSAAGELVAV	AGGKVAL	PPP	P.....PPPP...APPA.LESPADDEE.....
ZmH1.8	IEAARGD..LP	ASHPALVAAHL	SRMSAAGELVAV	AGGKVAL	PPP	P.....PPPP...ESPADDEE.....
ZmH1.4	IEAARGD..LP	ASHPALVAAHL	SRMSAAGELVAV	AGGKVAL		PPPP...AQPA.PESPADDGEDDD.....
OsH1.1	IEAARGGGGL..LP	ASHPALVAAHL	SRMSAAGELVAV	AGGKVAL	LRPTP	P.....PPPP...ADPA.AAAAVAEEEE.....
AtH1.3	IERITYTG...LP	AHGAALLTHHL	KTILKTSGLVM	VK.KSVK	KL	LASTP.....T.....PPAS...VAVA.AAAAQGLDV.....
AtH1.4	IERITYTG...LP	AHGAALLTHHL	KTILKTSGLVM	VK.KSVK	KL	LASTP.....P.....PPPP...TSVA.PSL...EP.....
SiH1.6	IRGRYVAG..LP	AKHLVVVRS	HLARMVCAGETILL	DK.NKN	C	YRRH.....PDPA.....

						150	
SiH1.1						PAKA.AG.....	KPA
SbH1.3						P.....	A
ZmH1.5						P.....	
OsH1.2						KAAAKP.KA.AA.....	KPKA
SbH1.1						TGAKKP.KA.AA.....	KPKA
ZmH1.9						AGAKKP.KA.AT.....	KPKPKPKA
ZmH1.2						TGVKKP.KA.AA.....	KPKA
ZmH1.3						TGAKKP.KA.AA.....	KTKA
OsH1.5							TKPKV
SiH1.5						TAAAKPVKA.TA.....	KPK
SbH1.4						TAAPKPTKKDAA.....	KPK
ZmH1.1						TTAPKPKA.AA.....	AKS
OsH1.3						AAAPKPAKD.AA.....	KPK
AtH1.1						PAKKKP.ATVA.....	VTKA
AtH1.6						TVVA.....	KPKG
SiH1.3						APAAG.....	KRK
SbH1.6						TKKTTP.....A.....	KRK
ZmH1.10						KASAGM.....A.....	KRK
OsH1.4						KAAKGV.VGGA.....	KRK
BbH1.1						PVAPKPEGEKK.....	EKKP
BbH1.2						PATPKAKGEKKEKKPKTPKAKGEKKP	
AtH1.5							KEIT
SiH1.2	DAASVYLDIDDDFAQLGLHSVRDAD..	DTDVPALAPGVAADDIGVPAPAPDGVVADDIDVPAPAPVVTADAAA	GPVKRGRG.....	R.PPKP			
SiH1.4						KRGRG.....	R.PPKV
SbH1.5						KRGRG.....	R.PPKA
ZmH1.7						KRGRG.....	R.PPKA
ZmH1.11						KRGRG.....	R.PPKA
OsH1.6						KRGRG.....	R.PPKP
AtH1.2						KRGRG.....	R.PPKQ
ZmH1.6	DVG.....	DDVLLASPLVIDADA.VDIDVPAPAPVVTAD.....	VDDIDVLAPAPVVSADVNPVHTKRGRG.....	R.PPKP			
SiH1.7		EDDDC.....	AD.....EEEEAPE.....	PLPQPPAKRGRG.....	R.PPKV		
SbH1.2		EEDDC.....	ADDEEEEEEEAPE.....	LPMPQLPAKRGRG.....	R.PPKP		
ZmH1.8		EEDDY.....	ADD.EEEEEEEAPE.....	EPLPQPPAKRGRG.....	R.PPKP		
ZmH1.4		DDDDC.....	ADE.VDEEEEAPELL.....	VP.....VPVPQPPAKRGRG.....	R.PPKP		
OsH1.1		EEEEFL.....	ADD.DSADDLP.....	PPPPPKRGRG.....	R.PPKV		
AtH1.3		PRSEIL.....	HSSNN...DPMA.....	SGSASQPLKRGRG.....	R.PPKP		
AtH1.4		PRSDFI.....	VNENQPLDPVL.....	ASSTPTIKRGRG.....	R.PPKA		
SiH1.6						DPVKRGRR.....	RRRRK

	160		170		180		
SiH1.1	KPA	KAAKP	AAKPK	A	SP	KAKA	TA
SbH1.3	KAP	KAAKT	AAKPK	A	SP	KAKA	TA
ZmH1.5	KAP	KAPKA	APKPK	P	SP	KAKA	TA
OsH1.2	KAP	AKSKA	AAKPK	P	AAAKP	AAKP	AA
SbH1.1	KAP	AKAKP	AAKPKA	P	AKAKPAAKPKAAAKP	AA	AA
ZmH1.9	KSP	AKAKP	AAKPK	P	AAAKP	AAKP	PAA
ZmH1.2	KSP	AKPKP	ATKPK	P	AAAKP	ASKP	AA
ZmH1.3	KTP	AKAKP	ATKPK	P	AAAKP	AAKP	AV
OsH1.5	TTT	KAAKP	AAKKA	P	ATTK	AAKP	TK
SiH1.5	TTA	AAA	TKPK	K	TA	AA	TP
SbH1.4	TTA	AAA	TKPK	K	A	AA	AP
ZmH1.1	TTA	AAA	TKPK	K	AA	AA	VP
OsH1.3	TTA	AAA	TKPK	K	AP	AA	AP
AtH1.1	TKK	VAA	ASKAK	K	TI	AVKP	TA
AtH1.6	KVA	AAVAP	AKAK	P	AA	AKGT	KA
SiH1.3	RAA	ASAAP	AKKK	P	AA	PA	E
SbH1.6	RAA	APA	KKK	P	AV	AA	E
ZmH1.10	RAA	APA	KKK	P	AA	AA	E
OsH1.4	RTP	RPSA	AAAK	P	AS	SA	AVPP
BbH1.1	KTP	KVKKP	NATPKAKAL	PLP	AEAKPV	ETAP	VK
BbH1.2	KTP	KVKKP	KA	P	KA	EA	VE
AtH1.5	KRT	RSS	STRPK	K	TV	SV	K
SiH1.2	KVA	VAEDS	PAEASLV	A	ADAVA	GP	GR
SiH1.4	RDP		NAPPPP	P	KAPST	GSP	PR
SbH1.5	RDP		NAPPPP	P	KSPAS	AGTG	RR
ZmH1.7	RDP		NAPAPA	P	KSPSS	TG	GR
ZmH1.11	RDP		GAPVSP	P		SG	GR
OsH1.6	KDA	AAA	AAAPAPA	P	AAAPAA	SSP	PR
AtH1.2	KTD	AESD	AAAAAVV	A	ATVVS	TDPP	SR
ZmH1.6	KDP	VAEGY	GGKATA	P	VAAAA	VPVK	GR
SiH1.7	RPP	GFP	AGGPG	P	VVGAP	GAA	RR
SbH1.2	RPA	GFP	AGVPGAA	P	PIGAP	GAAASP	RR
ZmH1.8	RPT	GFP	AGVPGAA	P	PIGVP	GAAAA	RR
ZmH1.4	RPA	GFP	IGVP	P		GAAASP	RR
OsH1.1	RPP	GYP	AVPAAAA	P	PVVPVVGAPVDGSVAAAA	PAVP	RR
AtH1.3	KPE	SQPPQLQPLPPTNQVANGQPIWEQQQ	VQSP	VVPVPTVPTESAKRGGPRGRKNGSAAP		ATAPIVQASVMAGIMK	RR
AtH1.4	KPDVVQPQPL		IQIOPQLPLQPPQPVKRRPPGRPRKDGTS	SP		TVKPAASVSGGVETVK	RR
SiH1.6	KGP	GSE	VIIAMVT	P		SEAF	RR

	190		200				
SiH1.1	KXP	KAA	SPK	KAKAAA	PAAA	KXP	
SbH1.3	KAP	KAA	SPK	KAKPAG	PTPAAL	KXP	
ZmH1.5	KAP	KAA	SPK	KAKAKP	VAPAAAS	KXP	
OsH1.2	KAP	KSPAKPAA	KPK	KAKPAAKPKAKAA	KPKPAAAVTKTKATSAP	KXP	
SbH1.1	KAP	KAA	KPK	KAKPAA	AKPKPKPKA	VAAK	KPKPAAKK
ZmH1.9	KAP	KAA	KPK	KAKPAA	KAKPKA	AAAK	KPKPAAKK
ZmH1.2	KAP	KAP	KPK	KAKPAA	KAKPKA	AGAK	KPKPAAKK
ZmH1.3	KVP	KTP	KPK	KAKPAA	KAKPKT	AGAK	KPKPAAKK
OsH1.5	KTI	KVAAAPAA	KPK	AKPKA	KAKTATSP	VKP	KPKPAAKK
SiH1.5	EKK	KIV	KPK	KSPAA	KAKAK	PKT	KPKPAAKK
SbH1.4	E	KVV	KPK	KSPAA	KAKAK	PKT	KPKPAAKK
ZmH1.1	E	KVV	KPK	KSPAA	KAKAK	PKT	KPKPAAKK
OsH1.3	E	KVV	KPK	KSPAA	KAKAK	PKT	KPKPAAKK
AtH1.1	AAK	KVT	KAK	AKPVPRATAAA	TKRKA	VDAK	KPKPAAKK
AtH1.6	AAKVVAKA	KVT	KPKAKV	TAAKPKSKSVAAV	SKTKA	VAAK	KPKPAAKK
SiH1.3	AKK	KVT	RAK	RAKAA	PAQPM	VAAK	KPKPAAKK
SbH1.6	ARK	KVT	RAK	RAKAA	PVOPK	VAAK	KPKPAAKK
ZmH1.10	ARK	KVT	RAK	RAKAA	PVOPK	VAAK	KPKPAAKK
OsH1.4	ARP	KVT	RAK	RAKAA	PMOP	VAAK	KPKPAAKK
BbH1.1	KKP	EAA	KPK	RAKAA	PAKRLG	VAAK	KPKPAAKK
BbH1.2	KKP	KAA	KPK	GAAKA	PAKPKT	VAAK	KPKPAAKK
AtH1.5	K	K	RKK	KARQ	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
SiH1.2	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
SiH1.4	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
SbH1.5	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
ZmH1.7	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
ZmH1.11	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
OsH1.6	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
AtH1.2	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
ZmH1.6	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
SiH1.7	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
SbH1.2	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
ZmH1.8	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
ZmH1.4	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
OsH1.1	GRPP	KPK	KPK	DPA	VAAK	KPKPAAKK	KPKPAAKK
AtH1.3	GRPP	GR	RAAGRO	RKPKSV	SS	TASVYPYVANG	ARR
AtH1.4	GRPP	SG	RAAGRE	RKPTVV	SAPASVFPYVANG	VRR	ARR
SiH1.6	KAP	VAVGTRRTVPLP	TYPEMIV	DAIQALGNE	NGSD	SAAIAGYIE	KYGA

210 220 230 240 250 260 270
SiH1.1 RGRPPKAAKTSAKAS.PAKAAKK....PAPA...TP...KKKAKAAATP.....KKAGRPKK...AAAASP.ARKGAARKAKK.....
SbH1.3 RGRPPKVAKTSAKSS.PAKGAACKAA..ASAA...AA...KKKAKAVASSKKAVGSPKKKAATPKK...AAAAASP.ARKGAARKAKK.....
ZmH1.5 RGRPPKVAKTSAKAS.PAKAAKK....AAA...PA...KKKGKAAAP.....KKVATPKK...AAAAASP.ARKGVARKAKK.....
OsH1.2 ARRPPKAAKTSAKDT.PSKKAAAP.AAKK.PAA...AA...KKK...AP.....AKKAAPAKK...AAAP.ARKVPARKAKK.....
SbH1.1 AGRPKAAKTSAKDT.PGKKAPV..AKK.PAA...AA...KKK...SA.....AKKAAPAKK...SAAAP.ARKVPARKAKK.....
ZmH1.9 AGRPKAAKTSAKDT.PGKKAAAP..AKK.PAA...AA...KKK...AP.....AKKAAPAKK...AATP.SRKVPSRKAKK.....
OsH1.2 AGRPKAAKTSAKAT.PGKKAPV..AKK.PAA...AA...KKK...APV.....AKKAAPAKK...AAAP.ARKAPSRKAKK.....
ZmH1.3 AGRPKAAKTSAKDT.PGKKAPV..AKK.SAA...AA...KKK...AP.....AKKAAPSKK...AATP.VRKAPS RKAKK.....
OsH1.5 RGRPAKSAKTSAKDS.PAKKAAPVAAKK.KAA...AT...KKK...ASVAAAPAAARKGAARKSMK.....
SiH1.5 VKSP..AS...KKK.....ARKVAA.....
SbH1.4 VKSP..AA...KKK.....ARKVAA.....
ZmH1.1 VKSP..AS...KKK.....ARKASA.....
OsH1.3 VRSP..AA...KKK.....TRKAPA.....A.....
AtH1.1 KARPAKAAKTAKVTS.PAKKAVA.ATKKVATV...AT...KKK...TP.....VKKVVVKPKT...VKSP.AKRASSRVKK.....
AtH1.6 KERPAKASRTSTRTS.PGKKVAA.PAKKVAVT...AT...KKK...AP.....AKSV.....KVKSP.AKRASTRKAKK.....
SiH1.3 KQAARPVRAAVARKA.....ANKASA.....
SbH1.6 ARAA...AGGGGKK.....ANKASA.....
ZmH1.10 ARAA...ASGAGKK.....VNKASA.....
OsH1.4 IRSA...IS...KKK.....ANKASA.....
BbH1.1 IKSS...VG...KKK.....AMKASAA.....
BbH1.2 EKKPKKT.....PAKKARK.PAAEKKLA.....PKK...KPTKVK...APKEAKPKTPKASKPKAP.KKAASAKKEKK.....
AtH1.5 IKSS...VG...KKK.....AMKASAA.....
SiH1.2 AMGTDGESTADAN...AP.VKRGGRG..RPPKAQ.....GP.H.....
SiH1.4 RGRPPKKAIDATAAAA.APSPAAAAPAGGDGS...AP.VKRGGRG..RPPKVRPA.....VP.SETAAA.....
SbH1.5 RGRPPKKAKTSEDGASPAKPKAPTTPAPAGDGS...TP.VKRGGRG..RPPKVRPV.....VP.SETAAA.....
ZmH1.7 RGRPPKKAKTIDGAAS...PSPSPAPAPAGDGS...TP.GKRGGRG..RPPKVRPA.....VP.SETAAA.....
ZmH1.11 RGRPPKKAKTIDGAAS...PAPAGDGS...TP.VKRGGRG..RPPKVRPV.....VP.SETAAA.....
OsH1.6 RGRPPKKAKEVEQDDPIGAPAAASAPAAAAEAA...PP.VKRGGRG..RPPKVRPA.....AP.VGEPAAA.....
AtH1.2 RGRPPKKAKEVEQDDPIGAPAAASAPAAAAEAA...PP.VKRGGRG..RPPKVRPA.....AP.VGEPAAA.....
ZmH1.6 RGRPPKKAKEVEQDDPIGAPAAASAPAAAAEAA...PP.VKRGGRG..RPPKVRPA.....AP.VGEPAAA.....
SiH1.7 RGRPPKKAKEVEQDDPIGAPAAASAPAAAAEAA...PP.VKRGGRG..RPPKVRPA.....AP.VGEPAAA.....
SbH1.2 RGRPPKKAKEVEQDDPIGAPAAASAPAAAAEAA...PP.VKRGGRG..RPPKVRPA.....AP.VGEPAAA.....
ZmH1.8 RGRPPKKAKEVEQDDPIGAPAAASAPAAAAEAA...PP.VKRGGRG..RPPKVRPA.....AP.VGEPAAA.....
ZmH1.4 RGRPPKKAKEVEQDDPIGAPAAASAPAAAAEAA...PP.VKRGGRG..RPPKVRPA.....AP.VGEPAAA.....
OsH1.1 RGRPPKKAKEVEQDDPIGAPAAASAPAAAAEAA...PP.VKRGGRG..RPPKVRPA.....AP.VGEPAAA.....
AtH1.3 RGRPPKKAKEVEQDDPIGAPAAASAPAAAAEAA...PP.VKRGGRG..RPPKVRPA.....AP.VGEPAAA.....
AtH1.4 RGRPPKKAKEVEQDDPIGAPAAASAPAAAAEAA...PP.VKRGGRG..RPPKVRPA.....AP.VGEPAAA.....
SiH1.6 TRRHRHATFVSGELS.....PPTNVESSGEEV.....LKKATG.....EVLVSVP.....

SiH1.1
SbH1.3
ZmH1.5
OsH1.2
SbH1.1
ZmH1.9
ZmH1.2
ZmH1.3
OsH1.5
SiH1.5
SbH1.4
ZmH1.1
OsH1.3
AtH1.1
AtH1.6
SiH1.3
SbH1.6
ZmH1.10
OsH1.4
BbH1.1
BbH1.2
AtH1.5
SiH1.2
SiH1.4
SbH1.5
ZmH1.7
ZmH1.11
OsH1.6
AtH1.2
ZmH1.6
SiH1.7 VGFFV.....
SbH1.2 VGFFV.....
ZmH1.8 VGFFV.....
ZmH1.4 VGFFV.....
OsH1.1 VGFFV.....
AtH1.3 .GELKKKFDIFQEKVKEIVKVLKDG.V.TSENQAVVQAIKDLEALTVTETVEPQVMEEVQPEETAAPQTEAQQTEAAETQGGQEEGQEREGETQTOT
AtH1.4 YGELKKKFFELFQARAKDIVIVLKSEIGGSGNQAVVQAIQDLEGIAET.TNEPKHMEEVQ....LPDEEHLETEP.....EAEQGQGT
SiH1.6 TH.....EAEQGQGT

SiH1.1	.	.	.	.
SbH1.3	.	.	.	.
ZmH1.5	.	.	.	.
Osh1.2	.	.	.	.
SbH1.1	.	.	.	.
ZmH1.9	.	.	.	.
ZmH1.2	.	.	.	.
ZmH1.3	.	.	.	.
Osh1.5	.	.	.	.
SiH1.5	.	.	.	.
SbH1.4	.	.	.	.
ZmH1.1	.	.	.	.
Osh1.3	.	.	.	.
AtH1.1	.	.	.	.
AtH1.6	.	.	.	.
SiH1.3	.	.	.	.
SbH1.6	.	.	.	.
ZmH1.10	.	.	.	.
Osh1.4	.	.	.	.
BbH1.1	.	.	.	.
BbH1.2	.	.	.	.
AtH1.5	.	.	.	.
SiH1.2	.	.	.	.
SiH1.4	.	.	.	.
SbH1.5	.	.	.	.
ZmH1.7	.	.	.	.
ZmH1.11	.	.	.	.
Osh1.6	.	.	.	.
AtH1.2	.	.	.	.
ZmH1.6	.	.	.	.
SiH1.7	.	.	.	.
SbH1.2	.	.	.	.
ZmH1.8	.	.	.	.
ZmH1.4	.	.	.	.
Osh1.1	.	.	.	.
AtH1.3	EAEAMQEALF	.	.	.
AtH1.4	EAEAMQEALF	.	.	.
SiH1.6	.	.	.	.