

Table S3: Dynamics of *col* and *S59* transcription during muscle differentiation.

			stage 12	stage 13	stage 14	stage 15	stage 16
DA3	number of nuclei	Mean	1,15	2,60	6,85	9,70	10,45
		Std. Dev.	0,37	0,60	1,23	0,98	0,76
		Minimum	1	2	4	8	9
		Maximum	2	4	9	11	12
	number of <i>col</i> transcription dots	Mean	1,15	1,40	4,00	3,60	0,35
		Std. Dev.	0,37	0,50	1,34	1,70	0,81
		Minimum	0	1	2	1	0
		Maximum	2	2	7	7	3
DT1	number of nuclei	Mean	1,35	2,75	5,75	8,40	8,55
		Std. Dev.	0,49	0,55	0,79	0,94	0,89
		Minimum	1	2	5	7	6
		Maximum	2	4	8	10	10
	number of <i>S59</i> transcription dots	Mean	1,10	1,30	2,90	3,75	0,15
		Std. Dev.	0,55	0,47	1,17	1,45	0,37
		Minimum	0	1	1	1	0
		Maximum	2	2	5	6	1
LO1	number of nuclei	Mean	1,00	2,10	4,20	5,20	5,30
		Std. Dev.	0,00	0,72	0,62	0,62	0,66
		Minimum	1	1	3	4	4
		Maximum	1	3	5	6	6
	number of <i>S59</i> transcription dots	Mean	1,00	0,60	0,00	0,00	0,00
		Std. Dev.	0,32	0,60	0,00	0,00	0,00
		Minimum	0	0	0	0	0
		Maximum	2	2	0	0	0
VA2	number of nuclei	Mean	1,05	3,30	7,50	10,00	10,90
		Std. Dev.	0,22	0,66	1,24	1,12	1,12
		Minimum	1	2	5	8	9
		Maximum	2	4	9	12	13
	number of <i>S59</i> transcription dots	Mean	0,75	1,25	2,85	2,75	0,20
		Std. Dev.	0,64	0,91	1,04	1,94	0,41
		Minimum	0	0	2	0	0
		Maximum	2	4	5	8	1
VT1	number of nuclei	Mean	1,00	2,05	3,70	4,30	4,85
		Std. Dev.	0,00	0,51	0,66	0,47	0,67
		Minimum	1	1	3	4	3
		Maximum	1	3	5	5	6
	number of <i>S59</i> transcription dots	Mean	0,25	0,35	1,70	0,95	0,15
		Std. Dev.	0,44	0,49	0,86	0,83	0,37
		Minimum	0	0	0	0	0
		Maximum	1	1	3	3	1