

Table S5: Dynamics of *Kr* transcription during muscle differentiation.

			stage 12	stage 13	stage 14 ^{early}	stage 14 ^{late}	stage 15
DA1	number of nuclei	Mean	1,00	2,75	4,58	7,67*	n.d.
		Std. Dev.	0,00	0,62	0,79	0,58	
		Minimum	1	2	3	7	
		Maximum	1	4	6	8	
	number of <i>Kr</i> transcription dots	Mean	0,83	0,92	0,83	0,25	0,00
		Std. Dev.	0,39	0,29	0,58	0,45	0,00
		Minimum	0	0	0	0	0
		Maximum	1	1	2	1	1
DO1	number of nuclei	Mean	1,00	2,50	4,17	7,25*	n.d.
		Std. Dev.	0,00	0,67	0,58	1,26	
		Minimum	1	1	3	6	
		Maximum	1	3	5	9	
	number of <i>Kr</i> transcription dots	Mean	0,75	0,83	0,42	0,17	0,00
		Std. Dev.	0,45	0,39	0,51	0,39	0,00
		Minimum	0	0	0	0	0
		Maximum	1	1	1	1	0
LL1	number of nuclei	Mean	1,00	2,00	3,58	6,14*	n.d.
		Std. Dev.	0,00	0,60	0,79	0,90	
		Minimum	1	1	2	5	
		Maximum	1	3	5	7	
	number of <i>Kr</i> transcription dots	Mean	0,67	0,83	0,50	0,25	0,00
		Std. Dev.	0,49	0,58	0,52	0,45	0,00
		Minimum	0	0	0	0	0
		Maximum	1	2	1	1	0
LT2	number of nuclei	Mean	1,00	2,00	2,58	4,33	5,75*
		Std. Dev.	0,00	0,60	0,67	0,65	1,04
		Minimum	1	1	1	3	4
		Maximum	1	3	3	5	7
	number of <i>Kr</i> transcription dots	Mean	0,33	0,67	0,33	0,00	0,00
		Std. Dev.	0,49	0,65	0,49	0,00	0,00
		Minimum	0	0	0	0	0
		Maximum	1	2	1	0	0
LT4	number of nuclei	Mean	1,00	2,08	2,33	3,58	4,63*
		Std. Dev.	0,00	0,51	0,78	0,79	0,74
		Minimum	1	1	1	3	4
		Maximum	1	3	4	5	6
	number of <i>Kr</i> transcription dots	Mean	0,50	0,67	0,33	0,42	0,00
		Std. Dev.	0,52	0,49	0,49	0,51	0,00
		Minimum	0	0	0	0	0
		Maximum	1	1	1	1	0
VA2	number of nuclei	Mean	1,00	2,25	4,58	6,29*	n.d.
		Std. Dev.	0,00	0,62	0,90	1,38	
		Minimum	1	1	3	5	
		Maximum	1	3	6	8	
	number of <i>Kr</i> transcription dots	Mean	0,42	0,67	0,67	0,08	0,00
		Std. Dev.	0,51	0,49	0,49	0,29	0,00
		Minimum	0	0	0	0	0
		Maximum	1	1	1	1	0