

Figure S1

[illegible]

chr9:15385643-15385793

* chr9:15,385,714 (-)

GTAGGTACTATTATTGTGTCACCACATATGCAACTGGGAAGAGCTGAAATGGGGATTGAGCCTGGGG**GACCCG**ACTTCTGCCAATGTAAAACGTAATATGATTTCCCTTGCTGTGTGATTTCAGACTTTTTTGTCACCTCTATTCTGCACAAATT
TAGGTACTATTATTGTGTCACCACATATGCAACTGGGAAGAGCTGAAATGGGGATTGAGCCTGGGGACCC**TGTTAAGTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAATGAGACTGCCAAGGCAAGCGAGGGTCCAAGAACAGATTTTATTCGACGG
CTCAGCCATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACAGGACCCGACTTCTGCCAATGTAAAACGTAATATGATTTCTTTGCTGTGTGATTTCAGACTTTTTTGTCACCTCTAT

chr9:29215716-29215866

* chr9:29,215,798 (+)

CAAAATAAAACCTAACAGATTGATAATGTTTTCTCCCATCTTATTTGAGATAGATCTTTTATATACTATTATGTTT**TAATGA**AGTAGGAAACAAAGGCCATCTCAAAGTCCCATTACAAATCTAGAAAATTTCTAGAACAACTTTCTG
AAAATAAAACCTAACAGATTGATAATGTTTTCTCCCATCTTATTTGAGATAGATCTTTTATATACTATTATGTTT**TAAT**TGTTGGGGCCAGGCGGGAAGGAACTCCTCAAGATGGCGGATACGCCAAATGGCTGAAGTTCCT
TGCAATAAAATCTGTCTTGACCCCTCGCTTGCGCTGGCGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACTAAAAAACTTAACATTAATGAAGTAGGAAACAAAGGCCATCTCAAAGTCCCATTACAAATGTAGAAAATTTCTAGAAC

chr10: 67519279-67519434

* chr10:67,519,359 (-)

AGTGGAAGCAAGAACTAGTTAGTAAACATTGGAATTGACTGAAAAAAGACGATGGCATGGGGACCAGAGAAT**CGAGTAG**ACTTAGTGAGAAGTGGCGAGATAGATTTTGATGGCAGAGCCAATAGGATCTCTGGACATCTCGGATATGGAG
AAGCAAGAAACCTAGTTAGTAAACATTGGAATTGACTGAAAAAAGACGATGGCATGGGGACCAGAGAATGGAGTAG**TGTTAAGTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAATGAGACCGCCAAAGGCAAGCGAGGGTCCAAGAACAGATTTT
GGTGGTGACAGAACTTCAGCCATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACAGAGTAGATCTAGTGAGAAGTGGCGAGATAGATTTTGATGGCAGAGCCAATAGGATCTCTGGACATCTCTGG

chr11:7046350-7046500

* chr11:7,046,441 (-)

TAATTTTTTTCAGCAACCTCCACACTGTTTTCTGCATTAACTACATCAATTTACATTTCTACCAGTAGGGCACAAGGATAGGGAT**CCCTTC**CTCCTTACACTTAAGATTTGGTGTGAGGAGGACAGTATTAATAATTTTATTATACCTGGGAC
TTTGAGGAACCTCCACACTGTTTTCTGCATTAACTACATCAATTTACATTTCTACCAGTAGGGCACAAGGATAGGGAT**CCCTTC**TGTTAAGTTTTTTTAGTAACTAGATGGAAATGAGACCGCCAAAGGCAAGCGAGGGTCCA
AAGTGGAGGTGGTGACGGAACCTCAGCCATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACAGCTTCTCTTACCTTAAGATTTGGTGTGAGGAGGACAGTATTAATAATTTTATTATACCTGGG

chr11:6426768-6426918

* chr11:6,426,854 (+)

AGGCTTGGTTCCTGTCACTGCAAAATACATGAGGGAAGACCCGAGGGTCTTTCTACTGACTGTTCTTTTTTAGT**AGTAGT**AGTACGATGACTATTGATTGGATACCAATTTATTTATTATTTGCCACTTTTTAGGGAGTGTTCACATCT
GCTTGGTTCCTGTCACTGCAAAATACACGAGGGAAGACCCGAGGGTCTTTCTACTGACTGTTCTTTTTTAGT**AGTAGT**TGTTGGGGCCAGGCGGGAAGGAACTCCTCAAGATGGCGAGATACGCCAAATG
CCTGCAATAAAATCTGTCTTGACCCCTCGCTTGCGCTGGCGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACTAAAAAACTTAACAGTAGTGATGACTATTGATTGGATACCAATTTATTTATTATTTGCCACTTTTTAGGGAGTGTTCAC

chr11:48336263-48336413

* chr11:48,366,348 (-)

GCTAAACCGCTGAGCCACCCAGGCTGCTCTCTGTCTCTCTCAAAATGAATAAAATTTTTTTTGAATCTTTTTTAAAG**AAGAT**AAAGATAGTACTGCACCTCCTGCTCACAAAGTACTGGAATGGCGATTGTTTCTCCAGTCAGAGTA
TAAACCGCTGAGCCACCCAGGCTGCTCTCTGTCTCTCTCAAAATGAATAAAATTTTTTTTGAATCTTTTTTAAAG**AAGAT**TGTTAAGTTTTTTTAGTAACTAGACGGAATGAGACCGCCAAAGGCAAGCGAGGG
TGGAGGTGGTGACAGGAACCTCAGCCATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACAGAGATAAGATAGTACTGCACCTCCTGCTCACAAAGTACTGGAATGGCGATTGTTTCTCCAGTCAGAG

chr12:869800-869950

Provirus

* chr12:869,873 (-)

CACCAAGTCTGATCAAATTACATATGAGGATTTTGAGACGCCAGTGTGCTCTTGATTTTCAGTGCTT**GGGAGG**TTACAAGAAACACCAAGGAGTAACTTATCATGGAATAAGACCCAGGTGTGTGTGCACAGGCACCTGTGTCTACT
GTCTGATCAAATTACATATGAGGATTTTGAGACGCCAGTGTGCTCTTGATTTTCAGTGCTTGGGAGT**TGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAATGAGACCGCCAAAGGCAAGCG
CAGGAACCTCAGCCATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACAGGAGAGTTACAAGAAACACCAAGGAGTAACTTATCATGGAACACAGACCCAGGTGTGTGTGCA

chr12:9415607-9415757

* chr12:9,415,667 (-)

ATTAAAGTAGAATTTTAAAGATTTTTTTTATTGCTATGTAGAAAATCTAGTTG**CTTTTAG**TATTTGACCTTACTTCTTGTTATCTTTCTAAAGTCAATTTATTATCTAGTAATTTGTTTGTAGTACAAATCCTGATTCCTGGGCATTTT
ATTAAAGTAGAATTTTAAAGATTTTTTTTATTGCTATGTAGAAAATCTAGTTGCTTTT**TGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAATGAGACCGCCAAAGGCAAGCGAGGGTCCAAGAACAGATTTTATTCGAGGCA
CATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACAGCTTTTAGTATTTGACCTTACTTCTTGTTATCTTTCTAAAGTCAATTTATTATCTAGTAATTTGTTTGTAGTACAAATCCTGATTCCTGGGCATTTT

chr13:10866571-10866721

* chr13:10,866,647 (+)

ACATTCCAACATAATCTCTTTTTTACTATTATAAAGTAGAAACCTAATTTCTTACAGTACAGTAGCTCT**TTAAC**CTTAAATATCTCACCTGGGAGAGTAAGATTCCTTAATTTTTTATTCACATATCATTAGGAACCTAAAGTGGTCTGGT
TAATTCACACATAATCTCTTTTTTATTGCTATGTAGAAAATCTAGTTGCTTTT**TGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAATGAGACCGCCAAAGGCAAGCGAGGGTCCAAGAACAGATTTTATTCGAGGCA
AAATCTGTTCTTGACCCCTCGCTTGCCCTGGCGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACTAAAAAACTTAACATTAACCTAAATATCTCACCTGGGAGATAGATTCCTTAATTTTTTATTCACATATCATTAGGAACCTAAAGTGGTCTGGT

chr13:16157716-16157866

* chr13:16,157,778 (+)

CTTACTACCAATACTCTGGTCTTCCCTCTAATTTTCATATTTTTTCCCTTAAACAGATAT**TGAAC**ATTATCATAGTATTACAAAGAGCCTTCATAGTTGCTTACTGTCAATGGCATAAAGGCCAAATGTTTAAACAAATGgtcacacagac
CTTACTACCAATACTCTGGTCTTCCCTCTAATTTTCATATTTTTTCCCTTAAACAGATATGAAC**TGTTGGGGCCAGGCGGGAAGGAACTCCTCAAGATGGCGGATACGCCAAATGGCTGAGGTTCTGTCCACCAC**
CCCTCGCTTGGCTTGGTGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACTAAAAAACTTAACATGAACATTATCATAGTATTACAAAGAGCCTTCATAGTTGCTTACTGTCAATGGCATAAAGGCCAAATGTTTAAACA

chr13:20998526-20998676

* chr13: 20,998,612 (-)

ATACTAAACCAATTTTTTACAAAAAATAATTTACTATGACCATGCACAAATCTAAACAAATGTCAATGATAATACACTCTCCCTACCAGGACAGACCCTCCACCATCACTTCTCCCCCTTAATAGCCACTCACTGCCTGTCCCAAAGG
TACTAAACCAATTTTTTACAAAAAATAATTTACTATGACCATGCACAAATCTAAACAAATGTCAATGATAATACACTCTCCCTACT**TGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAATGAGACCGCCAAAGGCAAGCGAGGGTCCAAGAAC

chr13:32380467-32380617

Provirus

* chr13:32,380,539 (+)

TTTGCAATTTTGCTCGGAACCCACCCCATTCATCTCCTTTGTTATATTTCTTCTACAGGTGATTT**CATCAGC**CTCCTAGATTTTATCAATGTCTATGCATTAATGATTCCAAATATTCGTTTAAAGCTTCTTACTCTTCTCGAGCTCCAA
TTGCATTTTGTCTGGAACCCACCCCATGCATCTCCTTTGTTATATTTCTTCTACAGGTGATTT**CATCAG**TGTTGGGGCCAGGCGGGAAGGAACTCCTCAAGATGGCGGATACGCCAAATGGCTGAAGTTCCTGTCCACCAC
CTGTCTTGGACCCCTCGCTTGCTTGGCGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACTAAAAAACTTAACAATCAGCCTCCTAGATTTTATCAATGTCTATGCATTAATGATTCCAAATATTCGTTTAAAGCTTCTTACTCTTCTCGAGCTCCAA

chr13:17413370-17413520

* chr13:17,413,419 (-)

TGTATGGGATCCCTGGGTGGCGAGCGGTTTGGCGCCTTGCTTTTGCCACAGGGCGGATCTCTGGAGACT**CAGGAT**CGAATCCACATCGGGCTCCCGGTGCATGGAGCCTGCTTCTCCCTCTGCCTATGTCTCTGCCTCTCTCTCTCT
GGGATCCCTGGGTGGCGAGCGGTTTGGCGCCTTGCTTTTGCCACAGGGCGGATCTCTGGAGACT**CGGGAT**TGTTAAGTTTTTTTAGTAACTAGACGGAATGAGACCGCCAAAGGCAAGCGAGGGTCCAAGAACAGATTTTATTCG
TGACAGGAACCTCAGCCATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACAGGAGATCGAATCCACATCGGGCTCCCGGTGCATGGAGCCTGCTTCTCCCTCTGCCT

chr15:32084913-32085063

* chr15:32,084,977 (-)

ATTAAACTAAGTAAGAGAAATGAGTTGAAAAATGTTACATACCTATGTTTCCATGTAT**TAGTT**TATTTTGGAAAAAGAGAAATTTGTAACAAACAAAAATAAAATAAATGTTTTCAGGGGCTGAGGGTAGATGGAATCTCCCTTATT
ATTAAACTAAGTAAGAGAAATGAGTTGAAAAATGTTACATACCTATGTTTCCATGTATATGT**TGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAATGAGACCGCCAAAGGCAAGCGAGGGTCCAAGAACAGATTTTATTCGAGGCACC
TGAGGAGTTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACAGTATGTTTATTTTGGAAAAAGAGAAATTTGTAACAAACAAAAATAAAATAAATGTTTTCAGGGGCTGAGGGTAGATGGAAT

chr16:6873721-6873871

* chr16:6,873,790 (-)

AATGGGAAGGGCTGAGTGGGCTGTAGAGACAAATTACACCTCTGGGTAAACATTTTATGA**AGGTGA**GAGAAAGCACTGACCATAACGGAAGAGAACCAAGGCTACGTGACAGCACAGTTTTTGAGTTTCCCTTAATTACCTGAAAGGCC
TGGGAAGGGCTGAGTGGGCTGTAGAGACAAATTACACCACTGGGTAAACATTTTATGAAGGTGA**TGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAATGAGACCGCCAAAGGCAAGCGAGGGTCCAAGAACAGATTTTATTCGAGGCACC
CCTCAGCCATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACAGGGTGAGAGAGAAAGCACTGACCATAACGGAAGAGAACCAAGGCTACGTGACAGCACAGTTTTTGAGTTTCCCTTAATTACCTGAAAGGCC

chr17:30368704-30368854 * chr17:30,368,796 (-)
CATGATTCAAAGGAAGAAATTTTCCTCTATATATTACTACTGTTGATAAACTCCTGGTCAGTGAATCACCTCCCTCTGATTTCTAT**CCATCCTCTT**CCTACTATTTCTTGGGAGGATAGGTCACATCAGGGATACTTCTCCACAATCTCACTG
CATGATTCAAAGGAAGAAATTTTCCTCTATATATTACTACTGTTGATAAACTCCTGGTCAGGGAATCCCCCTCTGATTTCATCCATCT**GTGTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAAATGAGACCGCCCAAGGCAAGCGAGGGTC
TGGCGTATCGGCCATCTGAGGAGTTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACA**CCATCCTCTT**CCCTATTCTTGGGAGGATAGGTCACATCAGGGAATCTTCTCCACAATCTCACTG

chr17:9744887-9745037 Provirus * chr17:9,744,973 (-)
TGTGCAATCTCCCAAGAAAGCCTGATAAATACACAGCAGATGTAGCCACGCTTTAGAAGTTCGAAAGTCTTTTAAAAACATT**ATCTT**GTTCATAGTAATCACTCCCTTTTAGTACTTTGTAAATATTTTTCATTGTTCTGTTTTTTTTT
TGTGCAATCTCCCAAGAAAGCCTGATAAATACACAGCAGATGTAGCCACGCTTTAGAAGTTCGAAAGTCTTTTAAAAACATTATCTTT**TGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAAATGAGACCGCAAGGCAAGCGAGGGTCCAAGAACAGGCAAG
GTGGAGGTGTTGACAGGAATTCAGCCATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACA**ATCTT**GTTCATAGTAATCACTCCCTTTTAGTACTTTGTAAATATTTTTCATTGTTCTGTTTTTTTTT

chr19:9813589-9813739 * chr19:9,813,667 (-)
GTGAAGCCATAAAATTTAATAGAACTTAAAAATATTTAAGGTACATTACCATTTTGAGTTCCCATTCG**TACTAT**GTCTATACAAACAGCCGTGTGGAGAAATTAACATTTCTGGGTTTCTCAGTGCCTCTTGGGACTCTTCACTT
GAAGCCATAAAATTTAATAGAACTTAAAAATATTTAAGGTACATTACCATTTTGAGTTCCCATTCGTAAGTCTTTTAAAAACATTATCTTT**TGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAAATGAGACCGCAAGGCAAGCGAGGGTCCAAGAACAGGCAAGCTT
GTGACAGGAAGTTAGCCATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACA**GTACTAT**GTCTATACAAACAGCAGTGTGGAGAAATTAACATTTCTGGGTTTCTCAGTGCCTCTTGGGACTCTTCACT

chr20:14974909-14975059 * chr20:14,974,979 (+)
ACATCTTTAAATAGGAACATATGTTGGTTTAAAGTGAGATGACATAAATGGAAGTTTTCGCAAA**TGAAAAA**TACAAAAACGGTTATCAGGTTTGGTACATTACTTAGTGATTTCAGAAACTGACCTAAATAGTTTGGCGGTGAGATTAG
CTTTAAATAGGAACATATGTTGGTTTAAAGTGAGATGACATAAATGGAAGTTTTCGCAAA**TGAAAAA**TACAAAAACGGTTATCAGGTTTGGTACATTACTTAGTGATTTCAGAAACTGACCTAAATAGTTTGGCGGTGAGATTAG
TGTCTTGGACCTCGCTTGCCTTGGCGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACT**TA**AAAAAACT**TAACA**AAATATACAAAAACGGTTATCAGGTTTGGTACATTACTTAGTGATTTCAGAAACTGACCTAAATAGTTTGGCGGTGAG

chr20:12058377-12058527 * chr20:12,058,450 (+)
TAACAAGTAGGCTGTAGTCTTGTGGAGATCCCTTATCAGTAATGAGTTTGTATTTTTTAACTG**CTTCT**TAATTTTTTCTTCTTAATTTTGGCTTCAACGTTTGAGTATGATGCGTCTGGCCATCAATCTCTTGCATTATATCTT
TAACAAGTAGGCTGTAGTCTTGTGGAGATCCCTTATCAGTAATGAGTTTGTATTTTTTAACTG**CTTCT**TAATTTTTTCTTCTTAATTTTGGCTTCAACGTTTGAGTATGATGCGTCTGGCCATCAATCTCTTGCATTATATCTT
ATCTGTCTTGGACCTCGCTTGCCTTGGCGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACT**TA**AAAAAACT**TAACA**CTTCTAATTTTTTCTTCTTAATTTGGCTTCAACGTTTGAGTATGATGCGTCTGGCAATCAATCTC

chr20:16677067-16677217 * chr20:16,677,142 (+)
GTTATATAGCAAAACAAAAAAATGTTTATCTGTCTTTAGTAATTGGGAAGAGAGTCTTTCTAAACT**AAATAT**GTTCACAGTGAATTTAGAAAAATATAATACCAAAGTCAGAGAAACATCAGAAAAACGCAAGTTGGAAAAATACACT
GTTATATAGCAAAACAAAAAAATGTTTATCTGTCTTTAGTAATTGGGAAGAGAGTCTTTCTAACTAA**ATAGTTGGGGCCAGGCGGGAAGGGAACCTCTCAAGATGGCGGATACGCCAAATGGCTGAAGTTCTCTGTCACCACT**
TCTGTCTTGGACCTCGCTTGCCTTGGCGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACT**TA**AAAAAACT**TAACA**AAATATGTACAGTGAATTTAGAAAAATATAATACCAAAGTCAGAGAAACATCAGAAAAAAAGCAAGTTGGGAATAATAC

chr21:9814285-9814435 * chr21:9,814,350 (+)
TGTTCATATGCTTTCTATAAATCTAAACTCTTCTATAAGATGTTAAATTTAAAAAA**ACCTAT**CAGGTATAATCTATAGGATTGCTGTAATAATCAAGTGAGATAAATAAAATAAATAAATAAATAAATAAATAAATTT
TGTTCATATGCTTTCTATAAATCTAAACTCTTCTATAAGATGTTAAATTTAAAAAA**ATACCTAT**AGTTGGGGCCAGGCGGGAAGGGAACCTCTCAAGATGGCGGATACGCCAAATGGCTGAAGTTCTCTGTCACCA
TGGACCTCGCTTGCCTTGGCGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACT**TA**AAAAAACT**TAACA**CTATCAGGTATAATCTATAGGATTGCTG

chr21:7250000-7250150 * chr21:7,250,064 (-)
TGCCTACTCGTGGCTTTGCTGAAGGTATCCTCCATCTCTGGATTCAATCACTCCTT**TACCAG**CACCTCCATAAACAGGGGAGGTTACGTGCTAGGAACACAGGGGAGGAGGAGGATGCCAAAGACTACTCCTCTCTTGTAGGACCT
TGCCTACTCGTGGCTTTGCTGAAGGTATCCTCCATCTCTGGATTCAATCACTCCTTACCAG**TGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAAATGAGACCGCCCAAGGCAAGCGAGGTCCAAGAACAGATTTTATTGCAGCCACCTCGG
TTGGCGTATCCACCATCTTGAGGAGTTTCCCTTCCCACTGGCCCCAACA**ACCAG**ACCTCCCATAAACAGGGGAGGTTACGTGCTAGGAACACAGGGGAGGAGGAGGATGCCAAAGACTACTCCTCTCT

chr22:45482993-45483143 * chr22:45,483,070 (-)
CCAGTGGAGGGGGAGGTGGGTTGAAGATACCTGTTAAACACTTGAATTAAACAAAGTGAATTCCTGGCAG**GGCCCT**ATATGTTAACTGATGAGAGCGCCACTCCATGGGCTTCAGGAAGTGACTTAGGCCCTGAGAAGAACAGGCCAC
CCAGTGGAGGGGGAGGTGGGTTGAAGATACCTGTTAAACACTTGAATTAAACAAAGTGAATTCCTGGCAGG**CCCTTGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAAATGAGACCGCCCAAGGC
TCCCTTCCCGCTGGCCCCAACA**GGCCT**CTATATGTTAACTGTATGAGAGCGCCACTCCATGGGCTTCAGGAAGTGACTTAGG

chr22:576984-57677134 * chr22:57,677,068 (-)
ATGATTACCAAGGTCTGCTGGGAAGAAAGAACTGTGTACATCGAGGCATCGTGATAGTGAAGAAGTTTCAAAAGAT**ATAAT**AGACAGGGAAGGGAAGGGAAGAGATTGCGGTCAAGCACTCCGTGCCCTTCAAGAAATGCTGT
ACCAAGGTCTGCTGGGAAGAAAGAACTGTGTACATCGAGGCATCGTGATAGTGAAGAAGTTTCAAAAGATATAAT**TGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAAATGAGACCGCCCAAGGC
CCCTTCCCGCTGGCCCCAACA**ATAAT**AGACAGGGAAGGGAAGGGAAGAGATTGCGGTCAAGCACTCCGTGCCCTCTAAG

chr26:27059664-27059814 * chr26:27,059,757 (+)
GGAAGCTGAATAAAGTACTTGGACTCCATGCATGTTTTTGCAACTTGCTACGATTTATATGATTATTTTAAATAATTTTTTAAAT**TAGTTTTT**CAAGAAAAATATAATCCAAAAATTTGAAATACAACCAAAATGTAATTTGTATAATC
ATAAAGGTACTTGGACTCCATGCATGTTTTTGCAACTTGCTACGATTTATATGATTATTTTAAATAATTTTTTAAAT**TAGTTTTT**CAAGAAAAATATAATCCAAAAATTTGAAATACAACCAAAATGTAATTTGTATAATC
GAGGGTGCCTGCAATAAAACCTGTTCTTGGACCTCGCTTGCTTGGCGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACT**TA**AAAAAACT**TAACA**ATTAGTTTTTCAAGAAAAATATAATCCAAAAATTTGAAATACAACCAAAATGTAATTTGTATAAT

chr26:28072398-28072548 * chr26:28,072,465 (-)
GGGAGAGGTTTTAAACACATGGATTCCAGGCTTCATCCTAGTGAACGAGAATCTTAGGGA**ATAG**GGCCTAAGATTGGGATTGTTAGTTTTTCAAACTCCCTGAGTGGGAATTTCTACTGCTGGTGGTGAGGGAGTGACAGGCTGGATT
GTTTTAAACACATGGATTCCAGGCTTCATCCTAGTGAACGAGAATCTTAGGGA**TGTTAAGTTTTTTTAGTAAC**TAGACGGAAATGAGACCGCCCAAGGCAAGCGAGGTCCAAGAACAGATTTTATTGCAGGC
CTTCAGCCATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACA**ATAAG**GGCTTAAGATTGGGATTGTTAGTTTTTCAAACTCCCTGAGTGGGAATTTCTACTGCTGGTGGTGAGGGAGTGACAG

chr26:35982371-35982521 Provirus * chr26:35,982,438 (+)
CCTGGGTGGCTCAGTTAAGCATCTGACTCTTGGTTTCAGCTCACATCATGATCTCAGGGT**CCTGAG**ACTGAGCCCCATGGGGAGCTCCATGCTCATTGTGGAGTCTGCTAAAGTTTCTCCCTCTCCCTCTGCCCTCCCTGTGCTCATTC
CCTGGGTGGCTCAGTTAAGCATCTGACTCTTGGTTTCAGCTCACATCATGATCTCAGGGTCTGAG**TGTTGGGGCCAGGCGGGAAGGGAACCTCTCAAGATGGCGGATACGCCAAATGGCTGAAGTTCTCTGTCACCACCTCCAC**
TCTTGGACCTCGCTTGCCTTGGCGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACT**TA**AAAAAACT**TAACA**CTGAGACTGAGCCCCGTGGGGAGCTCCATGCTCATTGTGGAGTCTGCTAAAGTTTCTCCCTCTCCCTCTGCCCTCCCTG

chr27: 44066867-44067018 * chr27:44,066,943 (-)
ATACAAGTACTGCCAGCATGCTAGCAAGGAGTAATATTTCAATAAACATTAGTTTTTTTTTTAAAGTTTGAATCTATAGCTCTTGAATCTGGGCTCTTCTGTAGCTTTCCCTTGGATGCATTTCTTTTGTGTTTTTTTACAA
GGTGACAGAACTTAGCCATTTTGGCGTATCCGCCATCTTGAGGAGTTTCCCTTCCCGCTGGCCCCAACA**ATTAG**CTCTTGAATCTGGGCTCTTCTGTGCTTTCCCTTGTGTTTTTTT

chr28:11031827-11031977 * chr28:11,031,931 (+)
GGGGTGATTCCTTGGGCTGCTTTCTCAGCTCAAAGTGTTCTCTGTGTACAGTGTCTTAACTATGGGCTCAGGCCCAAATCTTGGGCTCTGAAAC**AGTGTC**AGGTGGGAGTTTAGGCTTGGTGCTTCAAGTTTGGCGCTTGGGTGA
TCCCTGGGCTGCTTTCTCAGCTCAAAGTGTTCTCTGTGTACAGTGTCTTAACTATGGGCTCAGGCCCAAATCTTGGGCTCTGAAAC**AGTGTC**AGGTGGGAGTTTAGGCTTGGTGCTTCAAGTTTGGTCTTGGGTGA
GCCCGAGGGTGCTGCAATAAAATCTGTTCTTGGACCTCGCTTGCCTTGGCGGTCTCATTTCCGTCTAGTTACT**TA**AAAAAACT**TAACA**AGTGTCAGGTGGGAGTTTAGGCTTGGTGCTTCAAGTTTGGTCTTGGGTGA

* chr28:19,826,822 (+)

ATAACTCACTCCTTCCCTTGAGTGCTGAGCACAAAGATGATCTTGCTCTAAGTTGCCATAAAATGTT**CCTC**ACGTTATTTTATATCAGGAGTTTCTATCTCTCAGTCATAATCGAAGGTACTCAGGTAAGACATCGATTTTATTA
ATAATCACTCCTTCCCTTGAGTGCTGAGCACAAAGATGATCTTGCTCTAAGTTGCCATAAAATGTTCTTCACTGTTGGGGCGACGGGGGAAGAACTCTCCAGATGGCGGGATACGCAAAATGGCTGAAGTTCTGTCACCA
CAATCTGTGTTCTGGACCGCTGCCTTGCCTTGGCGGCTCATTTCCGTAGTTATCAAAAAAATTAACAACCTCAGCTATTTTTATCAGGAGTTTTCTATCTCTCAGTCATATCGAAGGTACTCAGGTAAAC

* chr28:16,566,219 (+)

CCTTTGGAAATTCCTTTATCTCTACCCCTCAGATACAGTGGCAATCATCCCCAAGCATATGACC**CCCA**ATATACATCTCGAGGGTCTCATGCTAAAGTGGTTTATGGACAGGAATAAATACCAATTCTTAACAATAGCTAGCT
 CCTTTGGAAATTCCTTTATCTCTACCCCTCAGATACAGTGGCAATCATCCCCAAGCATATGACC**CA**ATATACATCTCGAGGGTCTCATGCTAAAGTGGTTTATGGACAGGAATAAATACCAATTCTTAACAATAG

* chr29:30.896,757 (-)

TCCTATACCTTTCGATGGAAAGCCATCATGAAGCTTTATATAGACAGAAAAATGCGATAATAACCTTGAATTTTTTATAAAG**GATATC**CTGCGACATTTTAAAAAATGGAATGGTGTGGGGAGGGGCACTGGGGCCTGGAGGAAGTTTAG
CGATGGAAAGCCATCATGAAGCTTTATATAGACAGAAAAATGCGATAATAACCTTGAATTTTTTATAAAGATATC**TGTTAAGCTTTTTTAAAGTAAC**TAGCAGGAAATGAGTGTGGGAGGGGCACTGGGGCCTGGAGGAGTTC**CAAGAAC**
AGTGAGGGTGGTGCAGGAGATTCAGCCACTTTGGGGCTAGCCGACTCTGAGGAGTTCCCTTCGCGCTGGCCCGACAATATCTGTCGACATTTTAAAAAATGGAATGGTGTGGGAGGGGCACTGGGGCCTGGAGG

* chr30:944,498 (+)

GACACAAGAAC TTAGAATTATAGGACTTCGACTATA TTTGTGATTCATAT TGT TTTT TTAAGAA **GTAA** A TTTTAGCAAT TCTTTATAAACAGATGATATCTGGGTACTTTAAATATAGAGGTCCAAATGACAGAAAAAGAAATCAACT
 GACACAAGAAC TTAGAATTATAGGACTAGACTATA TTTGTGATTCATAT TTT TTTT TTAAGAA **GTAA** TGT TGGGCGAGCGCGGGAAGGAAACCTCCTAAGATCGGGCATACACCAAACTGGAGTTCCTGTCACCCCTCCAC
GTTCTTGAGCCCTCGTGCCTCTGGCGGCTCATTTCCGCTGAGTCAATAAAAAAATCA **GTAA** GATATTTTAGCAAT TCTTTATAAACAGATGATATCTGGGTACTTTAAATATAGAGGTCCAAATGACAGAAAAAGAAATCAACT

* chr31:4,943,865 (+)

ACCAAATTTGACAATAGATTGGAAGTTCCAAACACCCCTGCTCGGGTTTAATTGCGCAAGTGTGCCAGAACTAGAAAACATTTT**ACTTAC**TGTGATTACCGGTTTATATAAAAAGATATAACTCAGAGACGCCAAATGGAAGAGA
 ACCAAATTTGACAATAGATTGGAAGTTCCAAACACCCCTGCTCGGGTTTAATTGCGCAAGTGTGCCAGAACTAGAAAACATTTT**ACTTAC**TGTGTTGGGGCAGCGGGGAGGGAACCTCTCAAGATGGCGGATACGCCAAAA
 GCAATAAAATCTGTCTTGGACCGCTCGCTTGGCGGCTCAGTCTCCGCTAGTTACTAAAAAACTTAACA**CACT**ACTGATTCAGTGGTTATATAAAAGATTAATACTCAGACAGCCAAATGGAAGGAA

* chr32:7,493,322 (+)

ATTATGCTTTTATATTCCTTGATTACTGAGAAACTTGCAAAATTATATATATATA---TGTG**TATAT**ATATATACACACACATATATATATATATATATATATATATATTTGTTACTAACAGTTTAACTCTTGACATATCCAAT
ATTATGCTTTTATATTCCTTGATTACTGAGAAACTTGCAAAATTATATATATATATATGTTATAT**TGT**TGGGGCCAGGCGGGAAGGAAAC**TCCT**CAAGTGGCGGGATCGCCAAAATGGCTGAAGTCCTGTCACACATCCCA
TGTTCTGGACCCCTCGCTTCTCGTTGGCGGCTCATCTTTCGCTAGT**ATCA**AAAAAC**TAACA**CAAT---ATATATATATTTTGTACTAACAGTTTAACTCTTGACATATCCA

*chr32:433,745 (-)

GCGAATCTCTCTTCACAGGGGGGCAACACACAATATTATACGGTGGTGAAACTGCTGCTTAGCCCGGACACCACTG**CTAATA**TATTTTGTCATTAATAAAACCTTGAAGTCTGTGTTTGATGATCATAGCTCAGTCTCTTCACTTCAGCT
 CTCTTCACAGGGGGGCAACACACAATATTATACGGTGGTGAAACTGCTGCTTAGCCCGGACACCACTGTCATAAT**TGTTAAGT**TGTTTGATGATCATAGCTCAGTCTCTTCACTTCAGCT
 GAGGTGTGACAGGAAGTCTCAGCAATTTGGCGTATGCCCAATCTGAGGAGGTTCCCTTCGCGCTGGCCCAACAATAATTTGTCATTAATAAAACCTTGAAGTCTGTGTTTGATGATCATAGCTCAGTCTCTTCACTTC

* chr32:22,146,581 (-)

[illegible]

* chr33:29,595,068 (+)

CAATAGGTAAATAAAATGTGGTTTAGCCAGATATGTTCTCTCTGGCTACTGATGTGAATTTTAGAGTATCGTTGGGGCTCGGAGCAAAGCCAAAGAAATAATTATGAGACATCTTGGGTGCAAAAAGTGGTTTTATTAAATCA
GAATAGTAAATAAAATGTGGTTTAGCCAGATATGTTCTCTCTGGCTACTGATGTGAATTTTAGAGTATCGTTGGTTGGGGCGAGCGGGAGGAAATCTCCAGATGCGGGATATGCCAAATGGCTGAAGTCTCTGCA
GCAATAAATATGTCTCGGACCGCTGCTGCTTGGCCGCTCATTTCCGCTAGTATCAAAAAACCTAACAAGTGGGGTCTGGAGCAACCAAGAAATAATTATGAGACATCTTGGGTGCAAAAAGTGGTTTTAT

* chr32:5,338,956 (-)

GAAAACCTTTTACACACACAGGCAAATTAAAGTCACCTCCACTCTGTTTCTCACACAGTTCTGAATGTATGATTATACCATTGGTTCTATCA**CTCTGC**ATTCTAAATTATTGTTTACATGATGCCCTCTCAATACAGTAAGTCACAGCAT
 GAAAACCTTTTACACACACAGGCAAATTAAAGTCACCTCCACTCTGTTTCTCACACAGTTCTGAATGTATGATTATACCATTGGTTCTATCA**CTCTGC**ATTCTAAATTATTGTTTACATGATGCCCTCTCAATACAGTAAGTCACAGCAT
 CTGTCATCCCAAGTGAGGTCGGTCAGGCAAGTCTCAGGCATTTGGCGCATTCGCGCATTTGAGAGGTTTCCCTTCGCGCTGGCCCAACATCTGCATCTCAATTAATTGTTTACATGATGCCCTCTCAATACAGTAAGTCACAG

* chr34:9.822.792 (-)

CATAGCTCTGTCCTCGTCCCCACCACTGGCTGTACGGTGTGCCGTTACAAACACAGCAGACACTTGTAGTGTAAAGAGAAGT**GGAATTC**CTCCAGGAATAGTGGCTCCAGGGTGGAGGGGAGGCAGAGGCCCTCAGGCAGGAGGATGAGG
 CAACTGCTCTGCTCTCGTCCCCACCACTGGCTGTACGGTGTGCCGTTACAAACACAGCAGACACTTGTAGTGTAAAGAGAAGT**GGAATTC****TGTTAAGT**TTTTTGAAC**TAGT**CAGGAAATGAGACT**TGCCAGG**CAGCAGGAGT**CTCAAGA**
 CAGATGGAGGTGGTGACAGCAATCTCAGCCATTTTGGCTGATGCCCATCTTGGAGAGTTCCCTCCCGCTCGGCCCAAC**GAATTC**CTCCAGGAATGTGGCTCCAGGGTGGAGGGGAGGCAGAGGCCCTCAGGCAGGAGGATGAGG

*chr37:29,074,556 (-)

ATAGTCATACATGCAGCTAAATTACTTGAAGATTGCTGTGATTTAAAAATCTCAGTGGATTTCATTTTATTCACCTCTCAGTGGTACCTTGGTTCATATCTGTGCATAGAAAAATCCCTAGAGCTATTCCCACCTCTATCACCAGATATGGT
ATAGTCATACATGCAGCTAAATTACTTGAAGATTGCTGTGATTTAAAAATCTCAGTGGATTTCATTTTATTCACCTCTCAGTGGTGTGATTAGTCTTTTAACTACATAGACGGAAATGAGACCGCCGACGGACGGGGTCCCAAGAA
GACAGGAATCTCAGCCAAATTTGGCGATTCCGCCATCTGAGAGATTTCCTCCCGCTGGCCGCAACAAGTGGTCACTTGGTCTTCTGTCAATAGAAAATCTAGACGATTTCCCACTCTATCACCAGATATGGT

* chr38:17,036,411 (+)

TATTTTAGGCTTTGTGGGCATACGGTTTCTGTTAATATCCACAGAAAACACCATGGACAGTACATAAACAGATGGGCATGGTTGAGTTCCAATAAACTTTATTTATAAAAGTCAAAAGTGAGCTGGGCTGGATTGGCCATAGAGA
TATTTAGGCTTTGTGGGCATACGGTTTCTGTTAATATCCACAGAAAACACCATGGACAGTGTGGGGCGAGGGGGGAAGGAAGTCTCAAGTGGCGGATAGCCAAAATGGCTGGAGTTGCTGCACCTTACCTTGGGATG
TGACCCTGCGTTCGCTTCGGGCTTCATTTCGCTAGTATCAAAAAAACTTAACACGATGATACAACAGTGGGCATGGTTGAGTTCCAATAAACTTTATTTATAAAAGTCAAAAGTGAGCTGGGCTGGATTGGC

chr38:5999944-6000094

The CfERV1z insertion is associated with a gap and present within non-reference structural variation.

Flanking regions are from validations and linked by Sanger sequencing to the chr38:600000 locus; the 'empty' flank shown below is not present in the reference.

GAGCTTGTAAATAAACCTCGTGTGTTTGCCTGGTGCCGGCTCCTTGGTGGTTTCTCGGATTCGCAATCTTGGGCACAACA

*chrX:1.655.533 (-)

ATATACGGCAGCAGTGGCCTCACCTGGAGAGCTGGGTCCAGT**TGAGG**TACTTTCCACAGGGTATATTAGCCCCCTGAGCATAATGACAGCAGTGAAGCCATATTTGCGCCTGTCCCCTAGATATGCCCCCATGAATTTTTTCATCAGG
ATATACGGCAGCAGTGGCCTCACCTGGAGAGCTGGGTCCAGCTAGT**TGTTAAG**TTTTTTAGTAACTTAGACGAAATAGACACGCCAAGCAGGAGGTCCAAAGACGATTTTTTGACGCCAGCTTTGGGGCAGAGGTTCCACG
CGCCATCTCTGAGGAGTTTCCCTTCCGCGCTGGCCCAACAGTAGTACTTTCCACAGGGTATATTAGCCCCCTGAGCATAATGACAGCAGTAAAGCCATATTTGCGCCTGTCCCCTAGATATGCCCCCA