

Multiple sequence alignment of the E6 protein sequence from various strains of HPV18

CLUSTAL O (1.2.4) multiple sequence alignment

WWB01567.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62647.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTILELTVVF	60
ALA62728.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
WWB01575.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
WAN39494.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62711.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62757.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62661.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
QGA89126.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
QGA89123.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62701.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ABP99784.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62778.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62626.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62713.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62674.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
AGU90327.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALU65860.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62763.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTILELTVVF	60
QGA89120.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ABP99704.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ARS43414.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62675.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62621.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62650.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62671.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62738.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALT54635.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ABP99776.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ABP99736.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62773.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
AHZ96677.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
BCD58550.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62638.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
QCF42159.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
WEW62170.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62613.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62657.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62695.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
QKZ93395.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
AI005452.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
QNL09192.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALU65879.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
QNL09190.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
QKZ93394.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ALA62736.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ADC35660.1	MARFEDPTRRPYKVPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
NP_040310.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
ARS43444.1	MARFEDPTRRPYKLPDLCTELNTSLQDIEITCVYCKTVLELTVVF	60
****.*****:*****:*:*:*****:*** * *.:***** *****.*		
WWB01567.1	PHAACHKCIDFYRIREL RHLYDSVYDTEKLTNTGLYNLLIRCLRCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62647.1	PHAACHKCIDFYRIREL RHLYDSVYDTEKLTNTGLYNLLIRCLRCQKPLNPAEKRRH	120
ALA62728.1	PHAACHKCIDFYRIREL RHLYDSVYDTEKLTNTGLYNLLIRCLRCQKPLNPAEKL RH	120
WWB01575.1	PHAACHKCIDFYRIREL RHLYDSVYDTEKLTNTGLYNLLIRCLRCQKPLNPAEKL RH	120
WAN39494.1	PHAACHKCIDFYRIELRYYSVYDTEKLTNTGLYNLLIRCLRCQKPLNPAEKL RH	120

ALA62711.1	PHAACHKCIDFYSKIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62757.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNAAEKL RH	120
ALA62661.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKVTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
QGA89126.1	PDAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLKPAEKL RH	120
QGA89123.1	PDAACHKCIDLYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62701.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ABP99784.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRYYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62778.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62626.1	PHAACHKCIIFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62713.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62674.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
AGU90327.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALU65860.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62763.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
QGA89120.1	PDAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ABP99704.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ARS43414.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKRTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62675.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKRRH	120
ALA62621.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62650.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62671.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62738.1	PHAACHKCIHFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALT54635.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ABP99776.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ABP99736.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62773.1	PHAACQKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
AHZ96677.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
BCD58550.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62638.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
QCF42159.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
WEW62170.1	PHAACHKCIDLYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62613.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62657.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALA62695.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
QKZ93395.1	PHAACHKCIIFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
AI005452.1	PHAACHKCIIFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
QNL09192.1	PHAACHKCIDFYSRIREFRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ALU65879.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
QNL09190.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
QKZ93394.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLSPA EKL RH	120
ALA62736.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ADC35660.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
NP_040310.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120
ARS43444.1	PHAACHKCIDFYSRIRELRHYSDSVYGDITLEKLTNTGLYNLLIRCLRQCQKPLNPAEKL RH	120

*.***:***.:* :***:* * ***** *****. *** **

WWB01567.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
ALA62647.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNARQERRQRRRETQV	158
ALA62728.1	LNEKRRFHKIAGYYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
WWB01575.1	LNEKRRFHKIAGHYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
WAN39494.1	LNEKRRFHKIAGHYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
ALA62711.1	LNEKRRFHKIAGYYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
ALA62757.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHLCCNARQERLQRRRETQV	158
ALA62661.1	LNEKRRFHKIAGYYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
QGA89126.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
QGA89123.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
ALA62701.1	LNEKRRFHKIAGYYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
ABP99784.1	LNEKRRFHKIAGHYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
ALA62778.1	LNEKRRFHKIAGHYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
ALA62626.1	LNEKRRFHKIAGHYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
ALA62713.1	LNEKRRFHKIAGHYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158
ALA62674.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNARQERLQRRRETQV	158

AGU90327.1	LNEKRRFHKIAAGHYRGQCHSCCNQARQERLQRRRETQV	158
ALU65860.1	LNEKRRFHNIAGPYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALA62763.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERRQRRRETQV	158
QGA89120.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ABP99704.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ARS43414.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALA62675.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALA62621.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALA62650.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERRQRRRETQV	158
ALA62671.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHLCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALA62738.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALT54635.1	LNEKRRFHNXAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ABP99776.1	LNEKRRFHKIAAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ABP99736.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALA62773.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
AHZ96677.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
BCD58550.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALA62638.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
QCF42159.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
WEW62170.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALA62613.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALA62657.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALA62695.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
QKZ93395.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRREAV	158
AI005452.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
QNL09192.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALU65879.1	LNEKRRFHNIAGHFRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
QNL09190.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
QKZ93394.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ALA62736.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ADC35660.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
NP_040310.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
ARS43444.1	LNEKRRFHNIAGHYRGQCHSCCNRARQERLQRRRETQV	158
*****: ** :***** ***:*****: **:* :**		