

MLT1F2 Length of sequence: 149 bp

MLT1F2 sequence:

GGGTGGCTGGGTGGCTGAGTGGCTCATGCTCAGGGTTTCTCACAAGCGGCTGCCATCCCTGAAGCTTGA
CCAGGGTGTAGGATCAGCTTCCAAGCTCAGTGGATTAACTGGCCCTGCTTCAAACTTTTCAGTGGCTG
TTTCAGGACT

MLT1F2 bisulfite converted sequence:

GGGTGGTTGGGTGGTTGAGTGGTTTATGTTTAGGGTTTTTATAAGCGGTTGTTATTTTTGAAGTTTGAT
TAGGGTGTAGGATTAGTTTTAAGTTTAGTGGATTAAATTGGTTTTGTTTTAAATTTTTAGTGGTTGTT
TTAGGATT

BS-CYP11A1-MLT1F2

Forward primer GGGTGGTTGGGTGGTTGAGTGGTTTATGTTTAG

Reverse primer CCTAAAACAACCACTAAAAAATTTTAAAACAAAACC

Sanger sequencing after cloning into pJET plasmid- Representative sequences after cloning sequences

PE placenta tissue

>TGGTTGGGTGGTTGAGTGGTTTATGTTTAGGGTTTTTATAAGTGGTTGTTATTTTTGAAGTTTGACTAG
GGTGTAGGATTAGTTTTTAAGTTTAGTGGATTAAATTGGTTTTGTTTTAAAATTTTTAGTGGTTGTTTTA
GGATCTTTCTAGAAGATCTCCTACAATATTCTCAGCTGCCATGGAAAATCGATGTTCTTCTTTTATTCTCTC
AAGATTTTCAGGCTGTATATTA AAACTTATATTAAGAACTATGCTAACCACCTCATCAGGAACCGTTGTA
GGTGGCGTGGGTTTTCTTGGCAATCGACTCTCATGAAAACCTACGAGCTAAATATTCAATATGTTCTCTT
GACCAACTTTATTCTGCATTTTTTTGAACGAGGTTTAGAGCAAGCTTCAGGAACTGAGACAGGAATTT
TATTA AAAATTTAAATTTTGAAGAAAGTTCAGGGTTAATAGCATCCATTTTTTGCTTTGCAAGTTCCTCAG
CATTCTTAACAAAAGACGTCTCTTTTGACATGTTTAAAGTTTAAACCTCCTGTGTGAAATTATTATCCGCTC
ATAATTCCACACATTATACGAGCCGGAAGCATAAAGTGTAAGCCTGGGGTGCCTAATGAGTGAGCTAA
CTCACATTAATTGCGTTGCGCTCACTGCCAATTGCTTTCAGTCGGGAAACCTGTCGTGCCAGCTGCATTA
ATGAATCGGCCAACGCGCGGGGAGAGGCGGTTTTCGTATTGGGCGCTCTTCCGCTTCCTCGCTCACTGA
CTCGCTGCGCTCGGTCGTTGCGCTGCGGCGAGCGGTATCAGCTCACTCAAAGGCG
GTAATACGGTTATCCACAGAATCAGGGGATAACGCAGGAAAGAACATGTGAGCAAAAGGCCAGCAAAA
GGCCAGGAACCGTAAAAAGGCCGCGTTGCTGGCGTTTTTCCATAGGCTCCGCCCCCTGACGAGCATCA
CAAAAATCGACGCTCAAGTCAGAGGTGGCGAAACCCGACAGGACTATAAAGATACCAGGCGTTTCCCCC
TGGAAGCTCCCTCG

Healthy placenta tissue

>TGGTTGGGTGGTTGAGTGGTTTATGTTTAGGGTTTTTATAAGCGGTTGTTATTTTTGAAGTTTGATTAG
GGTGTAGGATTAGTTTTTAAGTTTAGTGGATTAAATTGGTTTTGTTTTAAAATTTTTAGTGGTTGTTTTA
GGATCTTTCTAGAAGATCTCCTACAATATTCTCAGCTGCCATGGAAAATCGATGTTCTTCTTTTATTCTCTC
AAGATTTTCAGGCTGTATATTA AAACTTATATTAAGAACTATGCTAACCACCTCATCAGGAACCGTTGTA
GGTGGCGTGGGTTTTCTTGGCAATCGACTCTCATGAAAACCTACGAGCTAAATATTCAATATGTTCTCTT
GACCAACTTTATTCTGCATTTTTTTGAACGAGGTTTAGAGCAAGCTTCAGGAACTGAGAC

AGGAATTTTATTAAAAATTTAAATTTTGAAGAAAGTTCAGGGTTAATAGCATCCATTTTTTGCTTTGCAAG
TTCCTCAGCATTCTTAACAAAAGACGTCTCTTTTGACATGTTTAAAGTTTAAACCTCCTGTGTGAAATTATT
ATCCGCTCATAATTCCACACATTATACGAGCCGGAAGCATAAAGTGTAAGCCTGGGGTGCCTAATGAG
TGAGCTAACTCACATTAATTGCGTTGCGCTCACTGCCAATTGCTTTCAGTCGGGAAACCTGTCGTGCCA
GCTGCATTAATGAATCGGCCAACGCGCGGGGAGAGGCGGTTTGCGTATTGGGCGCTCTCCGCTTCCTC
GCTCACTGACTCGCTGCGCTCGGTCGTTTCGGCTGCGGCGAGCGGTATCAGCTCACTCAAAGGCGGTAAT
ACGGTTATCCACAGAATCAGTGGATAACGCAGGAAAGAACTGTGGAGCAAAAGGCCAGCAAAAGGCCA
GTAACCGTAAAAAGGCCG