

A

HmaUn_WGA37547_1_9723_15591_+	:	CTACAAACTCCCCAGCCAACATTGACAGACGGGTACCGTATG-----GGCCCCGTACGGTACCCGTATGTCAATGTTGGCTGGGT	CGCAACCTA
HmaUn_WGA65314_1_18694_24501_+	:	TTATAAACTTCCCAGCCAACATTGACAGACGGGTACCGTATG-----GTACCCCGTATGTCAATGTTGGCTGGGT	TATAACTAT
HmaUn_WGA66104_1_19483_25247_+	:	TTAGTGTTTAAACCCAGCCAACATTGACAGACGGGTACCGTATG-----GGCCCCGTACGGTACCCGTATGTCAATGTTGGCTGGGA	AAGGTTGTTC
HmaUn_WGA64604_1_77648_83689_-	:	ACTGAGGTAAACCCAGCCAACATTGACAGACGGGTACCGTATG-----GGCCCCGTATG---CCGTATGTCAATGTTGGCTGGGA	AAGATTCTAA
HmaUn_WGA23433_1_11106_17289_-	:	GTTTCTGCTACCCAGCCAACATTGACAGACGGGTACCGTATG-----GGCCCCGTACGGTACCCGTATGTCAATGTTGGCTGGGT	TAAACTTTAT
HmaUn_WGA65585_1_42555_48513_+	:	ACCGAAACTTCCCAGCCAACATTGACAGACGGGTACCGTATG-----GGCCCCGTACGGTACCCGTATGTCAATGTTGGCTGGGT	TTTATTAGCT
HmaUn_WGA67220_1_31084_36975_+	:	GGAGTAATTACCCAGCCAACATTGACAGACGGGTACCGTATG-----GGCCCCGTACGGTACCCGTATGTCAATGTTGGCTGGGT	TATACTACTC
HmaUn_WGA70740_1_24827_31242_-	:	GGAGAAACTACCCAGCCAACATTGACAGACGGGTACCGTATG-----GGCCCCGTACGGTACCCGTATGTCAATGTTGGCTGGGT	TATTACCTTA
HmaUn_WGA72923_1_184039_190370_+	:	GGTATAATTACCCAGCGAACATTGACAGACGGGTACCGTATG-----GGCCCCGTACGGTACCCGTATGTCAATGTTGGCTGGGT	TATTGTGTAC
HmaUn_WGA62318_1_24809_30619_-	:	TATTAACCCACCCAGCCAACATTGACAGACGGGTACCGTATG-----GGCCCCGTACGGTACCCGTATGTCAATGTTGGCTGGGC	CATGCATTCA

B

Contig809_153907_154479_+	:	ATTATTGCTTAGGAGCTAATCTGCAAGATTTTAAATTTTGTCTAGAC	Buster1_NA1_SM	GTCTAGACTAATCCCTTTATTACGGTTTATCATTGGTCTACCGGATGAG
Contig45_77347_77537_+	:	ATTATTACTTAGGAGCTAATCTATAAGATTTAAATTTTGTCTAGAC		-----TAATCCCGTTATTACGGTTTATCATCGTTCTACTGTACAAG
Contig400_136504_136693_-	:	ATTATTGTTTTGGAGTTAATCTGCAGGATTTTAAATTTTGTCTGGAC		-----TAATCCCTTTATTACGGTTTATGATTGATCTATCAGATGAG
Contig243_51869_52058_-	:	ATTATTGCTTAGGAGCTAATCTGCAAGATTTTAAATTTTGTCTAGAC		-----TAATCCCTTTATAACGGTTTATCATGGGTCTACCGAATGAG

Contig17514_228_869_-	:	GCTAACAAATATTCAGTGAATCGAGAATTGCTTATAATAAATTAGAC	Buster1_NA2_SMA	AATTAGACGGTAAACTTTCTCAATGATGAGATGAAATATCA
Contig198_26636_26826_-	:	GCTAACAAATATTCAGTGAATCGAGAATTGCTTATAATAAATTAAAT		-----GGTAAAATTTCTCAATGATGAGATGAAATATCA
Contig24465_5157_5347_-	:	GCTAACAAATATTCAGTGAATCGAGAATTGCTTATAATAAATTAGAC		-----GGTAAAATTTCTCAATGACGAGATGAAATATCA
Contig6002_25342_25532_-	:	GCTAACAAATATTCAGTGAATCGAGAATTGCTTATAATAAATTAGAC		-----TGTA AAAATTTCTCAATGACGAGATGAAATATCA

gb AGDA01014398.1 _4382_4910_+	:	AAGTTAAATATAGCATTTTTAGGTACAGGTTGAAAACGTCTAAAG	Buster1_NA1_MM	GTCTAAAGTACCACTGTGTAATATAACCGCAATTATCCCTCTT--
gb AGDA01079353.1 _4425_4593_-	:	GAGTTAAACATGGCATTTTCAGGTACAGATTGAAAACGTTTAAAG		-----TACCACTGTGTGATATAACCGCAATTATTCCTTTTTT
gb AGDA01007888.1 _100_266_+	:	AAGTTTAAACATAGCATTTTCAGGTACAGGTTG-AAACGTTTAAAG		-----TACCACTGTGTAATATAACCGCAATTATCCCACTTTT
gb AGDA01042918.1 _2720_2885_+	:	AAGTTAAATATAGCATTTTCAGGTACAGGTTGAAAACGTTTAAAG		-----TACTACTGTGTAATATAACCGCAATTATCATTTTTCT

GL562450_334462_335223_-	:	TTATCTTTATCTGTATAGAGATACAATGTGTCTGTTACAGAGGAG	Buster1_NA1_RP	CAGAGGAGTTCAAGTTCATGTTCACTTTATAAACTTTTTTAAAGTGT
GL563021_1867902_1868100_-	:	TTATCTTTATTTGTATAGAGATACAATGTATCTGTTGCAAAGGAG		-----TTCAAGTTCATGTACACTTTATCAACTTTGTAAAGTGT
GL563090_580356_580552_-	:	TTATCTTTATTTGTATAGAGATACAATGTATCTGTTACAAAGGAG		-----TTCAAGTTCATGTCCACTTTATAAACTTCGTAAAGTGT
GL563065_1295948_1296138_+	:	TTATCTTTATTTGTGAAGAGATACAATGTATCTGTTACAAAGGAG		-----TTCAAGTTCATGTTCACTTTATAAACTTTGTAAAGTGT

CAEZ01006665_1197_1755_-	:	TATTTATTAGAATGTTATACAGTAAACTATAACTTCATCTAGAT	Buster1_NA1_HM	ATCTAGATGAAATGCTAAAAGTGACTATTATATTTATTTTCATAAG
CAEZ01008609_4840_5030_-	:	TATTTATTAGAATGTTATACAGTAAACTATAATTTTCATCTAGAT		-----AAAATGCTAAAAGTGACTATTATATTTATTTTCATAAG
CAEZ01008125_44514_44704_-	:	TATTTATTACAATGTTATACAGTAAACTATAATTTCAATCTAGTT		-----GAAATGCTAAAAGTGACCATTATATTTATTTTCATAAG
CAEZ01008437_103258_103445_+	:	TATTTATTAGAATTTTATACAGTAAACCATAATTTCAATCTAGAT		-----GAAATGCTAAAAGTGACTATTATATTTATTTTCATAAG

HmaUn_WGA72923_1_183949_190460_+	:	ATTTTAGTAGTTAATTTAATAACAATAATGTAATAGGTATAATTA	Spongebob_HMa	TATTGTGTACTGCCTAGTTTTTTTATAGTCCAGATTAAGATACTGCTCCTC
HmaUn_WGA69587_1_92788_92980_-	:	ATTTTAGTAGTTAATTTAATAACAATAATGTAGTAGGTATAATTA		-----TTGTGTACTGCCTAGTTTTTTTCAGTGCCAGATTAAGATACTGCTCCTC
HmaUn_WGA30603_1_18982_19174_-	:	ATTTCAGTGGTTAATTTAATATCAATAATATAATAGGTATAATTA		-----TCTTGTACTGCCTAGTTTTTTTATAGCCAGATTA AAATATTGCTCACC

ref NW_003797501.1 _3529844_3530278_-	:	ATATCATCTGCAATTTATTTA-TTTTCTACTTTAGGTAAATTTAA	Kenshin_NA1_MRT	TAAATAAAAGTGACCATCAAACGTCCGTAAATCTAGTGTTAA
ref NW_003797353.1 _1287833_1287968_-	:	ATATCATCTGCAATTTATTTATTTTTCTACTTTAGGTAAATTTAA		-----ATAAGAGTGATCATTAACGTCCATAAATCTAGTGTTAA
ref NW_003797221.1 _582275_582410_+	:	ATATCATCTGCAATTTATTTATTTTTCTACTTTAGATAAAATTTAA		-----A----AGTGACCATCAAACATCCGTAAATCTAGTGTTAA
ref NW_003797353.1 _1272201_1272339_-	:	ATATCATCTGCAATTTATTTATTTTTCTACTTTAGATAAAATTTAA		-----ATAAAAGTGACCATTAACGTCCGTAAATCTAGTGTTAA

gb ALWT01142309.1 _26316_27595_+	:	CCAGGCGGGTAATTAATCTCTTTAACTATGAACAATCATGCTTAA	Kenshin_NA1_MD	TTAAGCTACATAATCTTTACTCCCTGGAATGGAGATAAGAAACGCCCTAAGCTTT
gb ALWT01128363.1 _14168_14362_-	:	CCCGGCGGGTACTTAATCACTTTAACTACGAACAATAATGCTTAA		-----GCTAACTAATCTTTACTCCCTGGAATGGAGATAAGAAACGCCCTAACCTGT
gb ALWT01116544.1 _786_980_+	:	CCAGGCGGGTAATTAATCTCTTTAACTACGAACAATCATGCTTAA		-----GCTACATAATCTTTACTCCCTGGAATGGAGATAAGAAACGCCCTAACCTTT
gb ALWT01134243.1 _11155_11349_+	:	CCAGGCGGGTAATTAATCACTTTAACTATGAACAATCATGCTTAA		-----ACTACATAATCTTTACTCCCTGGAATGGAGATAAGAAACGCCCTAACCTTT