```
DgcX        -------------------------------------------MIINQVPIKIK---IFI  23
YeaI        MIQSTRISMGLFFKYFLSLTKIDPGQNYISLPSIKSSTHIALLFMVSMGTQKLKAQSFFI  60
YcdT        ----------------------------------------------MEKDYLRIS--STVL  13
                                                            :.    ::.    .:

DgcX        FLFSCISIIFLLLHANNG-IYITQTTQISYSVFIIGLFFINLMIFIFLLLYYVSNQRQSY  73
YeaI        FSLLLTLILFCITTLYNENTNVKLIPQMNYLMVVVALFFLNAVIFLFMLMKYFTNKQILP 120
YcdT        VSLLFGLALVLVNSWFNQPGVEEVVPRSTYLMVMIALFFIDTVAFIFMQLYFIYDRRQFS 73
            . :     :. :    *        .: .* :.::.***:: : *:*: : :. :::

DgcX        LLILSFAFLSNTYYLLEVAIISLSPLGNDLSTIYQKSNDIAIYYLFRQFSFISIIFLAVY 133
YeaI        TLILSLAFLSGLIYLVETIVIIHKPIN-GSTLIQTKSNDVSIFYIFRQLSFICLTSLALF 179
YcdT        NCVLSLAFLSCLIYFVITVIIIQQIIEERLTSSVVQ-NDIAIYYLFRQMSLCILIFLALV 132
              :**:****   *:: . :*  . :    :    : **::*:*:***:*:  :  **:

DgcX        STNVKNKSVLED-KRNIIIVVLSILILFITPFVAKNLSSDNIKYSLNIIQYSLNRHLPTW 192
YeaI        CYGKDN--ILDNNKKKTGILLLALIPFLVFPLLAHNLSSYNADYSLYVVDYCPDNHTATW 237
YcdT        NKVSEN-TKQRNLFSKKMTLCISLFFVFGGPIVAHILSSHYESYNLHIAELTNENGQVVW 191
                .*     :   :   : :::: .:  *::*: ***   .*.* : :   :.   .*

DgcX        NIVYTKIISVFWLVLLISSCISIRNYSKIWLCIILISIVSVCNNLILLYFIDKSHPAWYM 252
YeaI        GINYTKILVCLWAFLLFFIIMRTRLASELWPLIALLCLASLCCNLLLLTLDEYNYTIWYI 297
YcdT        KASYVTIMIFMWLTLLSVNLYFNGLRYDIWNGVTVIAFCAVLYNISLLFMSRYSVSTWYI 251
               *..*:  :*  **           .:*  : ::.: ::  *: ** :   . . **:

DgcX        TKFLELISMIYIISTLMYYIFRKLNHANHMAIHDPLTNTYNRRYFIDSLKNISKH---HD 309
YeaI        SRGIEVSSKLFVVSFLIYNIFQELQLSSKLAVHDVLTNIYNRRYFFNSVESLLSRPVVKD 357
YcdT        SRTIEVVSKLTVMVIFMCHIFSALRVTKNIAHRDPLTNIFNRNYFFNELTVQSASAQKTP 311
            :: :*: * : ::  ::  **  *. :.::* :* *** :**.**::.:

DgcX        FSVIMLDIDSFKSINDKWGHHMGDQVIVMVTRIIKKSIRKEDILGRLGGEEFGIIIKGNT 369
YeaI        FCVMLVDINQFKRINAQWGHRVGDKVLVSIVDIIQQSIRPDDILARLEGEVFGLLFTELN 417
YcdT        YCVMIMDIDHFKKVNDTWGHPVGDQVIKTVVNIIGKSIRPDDLLARVGGEEFGVLLTDID 371
            :.*::**: ** :*  *** :**:*:  :. ** :*** :*:*.*: ** **:::.

DgcX        QKLLLSIAERIRKNIEEQCSEKLLSHGPEKITVSIGCFTSKENNLSPSEMLVNADKALYQ 429
YeaI        SAQAKIIAERMRKNVELLTGFSNRYDVPEQMTISIGTVFSTGDTRNISLVMTEADKALRE 477
YcdT        TERAKALAERIRENVERLTGDNPEYAIPQKVTISIGAVVTQENALNPNEIYRLADNALYE 431
                  :***:*:*:*   . .     *:::*:*** . :  :  . . :   **:** :

DgcX        AKRTGKNKVIIHSK------- 443
YeaI        AKSEGGNKVIIHHI------- 491
YcdT        AKETGRNKVVVRDVVNFCESP 452
            **  * ***:::
```

A-site I-site